



JUAN ANTONIO CEDANO
RODRÍGUEZ

Dr.

jcedano@unorte.edu.uy
47337133

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Nivel I (Asociado)

Fecha de publicación: 19/09/2018
Última actualización SNI: 19/09/2018

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Regional Norte - UDeLaR / Laboratorio inmunología / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Regional Norte - UDeLaR / Sector Educación Superior/Público

Dirección: Gral. Rivera 1350 / 50.000 / Salto, Salto, Uruguay

Teléfono: (598) 47337133

Correo electrónico/Sitio Web: jcedano@unorte.edu.uy <http://www.unorte.edu.uy/>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctor en Biología (1996 - 2001)

Universidad Autónoma de Barcelona, España

Título de la disertación/tesis: Rediseño de la eficiencia catalítica y de la termorresistencia de la $\beta(1-3)(1-4)$ glucanasa de *Bacillus licheniformis*

Tutor/es: Enrique Querol

Obtención del título:

Sitio web de la disertación/tesis:

[http://www.tdx.cat/bitstream/handle/10803/3490/jacr1de4.pdf;jsessionid=D7F40EDF1176EB46DA3-sequence=1](http://www.tdx.cat/bitstream/handle/10803/3490/jacr1de4.pdf;jsessionid=D7F40EDF1176EB46DA3-<u>sequence=1</u>)

Institución financiadora: Ministerio de Educación y Ciencia, España

Áreas de conocimiento:

Ingeniería y Tecnología / Biotecnología Industrial / Bioproductos, Biomateriales, Bioplásticos, Biocombustibles, Bioderivados, etc. / enzimas

MAESTRÍA

Master en Biotecnología (1994 - 1995)

Universidad Autónoma de Barcelona, España

Título de la disertación/tesis: Diseño de tres programas para la predicción por computador de características conformacionales, localización y función de proteínas a partir de secuencia

Tutor/es: Enrique Querol

Obtención del título:

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Master en Bioingeniería (1994 - 1996)

Universitat Politècnica de Catalunya, España

Título de la disertación/tesis: Análisis de señales electrocardiográficas en tiempo real

Obtención del título:

Sitio web de la disertación/tesis: [1996](#)

Áreas de conocimiento:

Ingeniería y Tecnología / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Control Automático y Robótica / Cibernética

GRADO

Licenciatura en Biología (1986 - 1991)

Universidad Autonoma de Barcelona , España

Título de la disertación/tesis:

Obtención del título:

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

La conexión mente-cuerpo, a través de las 5 leyes biológicas (06/2017 - 06/2017)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional de Rosario (Argentina) , Argentina
40 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / mente cuerpo

Curso Profesional Intensivo Sobre las Cinco Leyes Biológicas Aplicadas (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / Universidad Central del Ecuador , Ecuador
Palabras Clave: Modelos sistemas vivos BioPsicología

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Psicosomática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Leyes Biológicas

Idiomas

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende bien / Habla bien / Lee bien / Escribe bien

Catalán

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Areas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Bioquímica y Biología Molecular /Bioinformática

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Bioquímica y Biología Molecular /Ingeniería de proteínas

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Evolución

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Medicina Básica/Patología/Cáncer

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Medicina Básica/Neurociencias /Psicosomática

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Centro Universitario Regional Litoral Norte

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (10/2011 - a la fecha)

Directo Lab. Inmuno. (Dept. Biotecnología) ,40 horas semanales / Dedicación total
Radicado en Salto- Regional Norte
Escalafón: Docente
Grado: Grado 4
Cargo: Efectivo

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Extracción de patrones de comportamiento de datos de microarrays (10/2006 - a la fecha)

Este proyecto usa las microarrays depositadas en las bases de datos públicos para extraer conocimiento relevante. Los primeros sistemas extraían variables ocultas en los patrones de expresión entre los genes, permitiendo tener una idea clara unos genes se relacionaban con otros mediante su patrón de expresión. Nuestras últimas aplicaciones ya cruzan datos con otras bases de datos de función de proteínas o de referencias bibliográficas. Pero quizás lo más relevante es que permite tener una idea del complejo funcionamiento de las células humanas independientemente de su procedencia (colon, piel, hueso...), ya que extraer los comportamientos básicos más comunes. Por ejemplo ante condiciones de fuerte estrés el tejido puede crecer (colon o corion) o ulcerarse (epidermis o hueso), y estos comportamientos alternativos son identificados por el sistema y permite conocer los genes implicados, así como entender mejor el proceso, o proponer vías terapéuticas.

6 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: UDELAR & UAB

Palabras clave: Microarrays

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Identificación de proteínas Moonlighting (multifuncionales) (10/2003 - a la fecha)

Este proyecto intenta adentrarse en uno de los problemas de la biología molecular después del proyecto genoma humano. ¿Por qué con sólo 25.000 genes los humanos pueden realizar todas sus funciones cuando originalmente se pensó que se necesitarían 100.000? Una de las posibles explicaciones son las proteínas multifuncionales, existen proteínas que realizar hasta 13 funciones distintas.

4 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: MOONLIGHTING

Palabras clave: Bioinformática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Biofísica de la estructura de proteínas (10/2003 - a la fecha)

3 horas semanales , Integrante del equipo

Equipo: BIOFISICA

Palabras clave: Biofísica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Nanovehículos proteicos para terapia génica contra el cáncer (10/2013 - a la fecha)

2 horas semanales , Integrante del equipo

Equipo: NANOGEN

Palabras clave: nanotecnología

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Estudio de la ataxia de friedreich (10/2009 - a la fecha)

Esta línea tendría que haber acabado por que el doctorando que la lleva ya defendió su tesis

cumpliendo con los objetivos inicialmente planteados. Pero hemos decidido dar un vuelco y después de estudiar todo el complejo proteico implicado en la enfermedad, ahora estudiaremos los genes que pudieran estar implicados en la enfermedad y en la actualidad mal caracterizados para ver si podemos encontrar una vía terapéutica nueva.

3 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: FRATAXINA

Palabras clave: frataxina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Marcadores de contorno de tumor (10/2013 - a la fecha)

Este es un proyecto que acabamos de arrancar, en el que pretendemos por ingeniería de proteína usar varios dominios de la proteína humana Nidogeno1, para usarla de marcador de los contornos de los tumores y reducir la afectación de los tejidos después de la resección tumoral, gracias a que en esta proteína se podría incorporar actividad fluorescente en uno de sus dominios mediante mutagénesis dirigida, y es una proteína con alta afinidad por proteínas de la matriz celular entre ellas el colágeno IV, expresado en altas concentraciones en los límites entre tumor y tejido sano.

6 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: CANCER IMMUNOPROTEIN

Palabras clave: Cancer Biotecnología

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biotecnología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / cáncer

Diseño de vacunas (10/2006 - a la fecha)

Este proyecto está muy ligado a la actividad que realizaba en España de transferencia de tecnología con empresas biotecnológicas. En concreto sobre el diseños de vacunas, una parte estaba sometida a secreto industrial y no se podía publicar, pero otros métodos usados para identificar las características más relevantes de los organismos patógeno versus los no patógenos. O la identificación de los péptidos que podrían causar reacciones adversas si se incluyen en las vacunas, son algunas de las cosas estudiadas en este proyecto.

2 horas semanales , Integrante del equipo

Equipo: VACUNAS

Palabras clave: Diseño de vacunas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Vacunas

Modelos lamarckianos como modelos para entender la vida y la fisiopatología (06/2013 - a la fecha)

En este proyecto estamos usando una visión lamarckiana de los organismos vivos para intentar entender mejor los procesos biológicos. Suponemos que los procesos de cambio celular y genéticos no se producen por azar sino que siguen patrones definidos por lo que lamarck llamó el vínculo órgano-función.

2 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: LAMARCKIAN MECHANISM

Palabras clave: Biología lamarckiana

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Mecanismos lamarckianos

Suite para la identificación automática de patron MHC II (01/2007 - 01/2014)

Se trata de un servidor que automáticamente descarga de las librerías de péptidos su afinidad de unión a distintos MHC II. A partir de estos péptidos, entre los que hay muchos identificados erróneamente, es capaz de forma absolutamente no supervisada filtrar de ruido las librerías, construir nuevos patrones y ponerlos a la disposición de la comunidad científica. El trabajo está prácticamente acabado.

3 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: INMUNO INFO

Palabras clave: Bioinformática

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Inmunología

DOCENCIA

(08/2014 - a la fecha)

Grado
Responsable
Asignaturas:
NeuroBiología de la Mente, 2 horas, Teórico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /

(09/2015 - a la fecha)

Grado
Responsable
Asignaturas:
Biopsicología, 2 horas, Teórico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /

(09/2016 - a la fecha)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Introducción a la Biología II (Biología molecular de proteínas)}, 1 horas, Teórico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /

(09/2013 - 11/2013)

Grado
Responsable
Asignaturas:
Bioestadística, 2 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Bioestadística

(02/2013 - 03/2013)

Técnico nivel medio
Responsable
Asignaturas:
La teoría de la evolución: ¿algo más que simplemente una teoría?, 10 horas, Teórico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Teorías de la evolución

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ESPAÑA

Universitat Autònoma de Barcelona

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (05/2000 - 10/2011)

Profesor asistente en Bioinformática ,2 horas semanales

Funcionario/Empleado (09/2001 - 10/2011)

Técnico Superior de Apoyo a la Investigación ,40 horas semanales

Funcionario/Empleado (09/2001 - 10/2011)

Jefe de Bioinformática del Servicio de Proteó ,4 horas semanales

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ESPAÑA

Institut Quimic de Sarria

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (10/2008 - 10/2011)

,2 horas semanales

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 10 horas

Carga horaria de investigación: 14 horas

Carga horaria de formación RRHH: 8 horas

Carga horaria de extensión: 2 horas

Carga horaria de gestión: 6 horas

Producción científica/tecnológica

Se ha participado activamente en proyectos de investigación en proyecto de:

Bioinformática, Enzimología, Inmunología, Diseño de Vacunas, terapia génica, ingeniería de proteínas, anotación funcional de genes, análisis de microarrays, búsqueda de dianas terapéutica y/o diagnósticas, análisis masivos de genomas, estudio de interacción de proteínas, proteómica, nanomedicina, terapia molecular del cáncer, relación mente-cuerpo en la génesis de la enfermedad, modelos evolutivos...

Algunas de las líneas actualmente en activo:

Inmunología: inmunomodulación de tolerancia en cáncer y reproducción.

Biofísica: Estudios sobre las propiedades físicas implicadas en la estabilidad de las proteínas y su interacción.

Microarrays: Análisis de microarrays, y obtención de modelos de funcionamiento de las células.

Biotechnología: Con diferentes aplicaciones, por ejemplo en obtención de quimeras proteicas como marcadores de contorno de tumor, o terapia de nula toxicidad como profilaxis para mastitis.

Enfermedades minoritarias: Estudio bioinformático de la Frataxina, a nivel de expresión, interacción y conformacional de las proteínas que forman los clusters de hierro-azufre usado en la cadena respiratoria.

Inmunoinformática: Caracterización de los patrones de reconocimiento del MHC II humano a partir de datos de proteómica.

Moonlighting proteins: Estudio de la multifuncionalidad de proteínas, predicción, recopilación y evolución.

Nanotecnología: Vehículos proteicos contra el cáncer.

Además de la actividad meramente académica, como son la dirección de tesis y las clases, he participado en varios proyectos de transferencia de tecnología a empresas.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

MultitaskProtDB-II: an update of a database of multitasking/moonlighting proteins. (Completo, 2018)

FRANCO-SERRANO L , S HERNÁNDEZ

Nucleic Acids Research, v.: Jan 4 46 D1, p.:645 - 648, 2018

Palabras clave: Bioinformática Proteinas Moonlighting Proteinas Multifuncional

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales /

Bioinformatica

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: NAR

ISSN: 03051048

DOI: [10.1093/nar/gkx1066](https://doi.org/10.1093/nar/gkx1066)

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC5753234/>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A Hypothesis Explaining Why So many Pathogen Virulence Proteins are Moonlighting Proteins. (Completo, 2018)

Luis Franco , JUAN CEDANO , Josep Perez-Pons , Angel Mozo-Villarias , Jaume Piñol , Issac Amela , Enrique Querol

Pathogens and Disease, 2018

Palabras clave: Vacunas Proteínas multifuncionales Patógenos
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2049-632X
<https://academic.oup.com/femspd/advance-article/doi/10.1093/femspd/fty046/4990536>

Posible Estrategia de Control de Nematodos Gastrointestinales en Ovinos (Resumen, 2017)

Ferragut G., Solano P., Azanza J., Meneses M., Bergos M., JUAN CEDANO
Parasitología Latinoamericana, v.: 66 3 Dic, 2017
Medio de divulgación: Otros
ISSN: 07177712

Scopus[®]  

Self-Assembly of Open Protein Systems: A Comprehensive View Based on the Interactions between 3d Hydrophobic and Electric Dipole Moment Vectors (Completo, 2017)

A MOZO-VILLARIAS, JUAN CEDANO, E QUEROL
Journal of Proteomics and Bioinformatics, v.: 10 p.:252 - 259, 2017
Palabras clave: Bioinformática Biofísica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales /
Bioinformática
Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales / Biofísica
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: J Proteomics Bioinform
Escrito por invitación
ISSN: 0974276X
DOI: [10.4172/jpb.1000449](https://doi.org/10.4172/jpb.1000449)
<https://www.omicsonline.org/open-access/selfassembly-of-open-protein-systems-a-comprehensive-view-ba>

Vector description of electric and hydrophobic interactions in protein homodimers (Completo, 2016)

MOZO-VILLARIAS A, JUAN CEDANO, QUEROL E
European Biophysics Journal (E), 2016
Palabras clave: Biofísica Termoestabilidad Hidrofobicidad Electroestática
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biofísica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 14321017

Bioinformatics and Moonlighting Proteins. (Completo, 2015)

FRANCO, L, S HERNÁNDEZ, CALVO, A, FERRAGUT G, HERMOSO, A, I AMELA, GÓMEZ A, E QUEROL, JUAN CEDANO
Frontiers in Bioengineering and Biotechnology, 2015
Palabras clave: Bioinformática moonlighting proteins Asignación de función
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución de la función de las proteínas
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 22964185
DOI: [10.3389/fbioe.2015.00090](https://doi.org/10.3389/fbioe.2015.00090)
<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/26157797>

A model of protein association based on their hydrophobic and electric interactions. (Completo, 2014)

A MOZO-VILLARIAS, JUAN CEDANO, QUEROL E
PLoS ONE, v.: oct 17 9(10), 2014
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: <http://www.plosone.org>
ISSN: 19326203
DOI: [10.1371](https://doi.org/10.1371)

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Analysis of gene expression for studying tumor progression: the case of glucocorticoid administration (Completo, 2014)

Mario Huerta , Alberto Medrano , Jose Luis Fernandez-Marquez , José Cabello , Enrique Querol , JUAN CEDANO

Gene, v.: Oct 1 549 , p.:33 - 40, 2014

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Análisis de microarrays

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 03781119

DOI: [10.1016/j.gene.2014.07.027](https://doi.org/10.1016/j.gene.2014.07.027)

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Sheltering DNA in self-organizing, protein-only nano-shells as artificial viruses for gene delivery. (Completo, 2014)

UNZUETA U , SACCARDO P , DOMINGO-ESPÍN J , JUAN CEDANO , CONCHILLO-SOLÉ O , GARCIA-FRUITOS E , CÉSPEDES MV , CORCHERO J L , DAURAX , MANGUES R , FERRER-MIRALLES N , VILLAVERDE A , VAZQUEZ E

Nanomedicine, v.: Apr 10 2014

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15499634

<http://www.nanomedjournal.com/article/S1549-9634%2813%2900595-9/abstract>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

MGDB: crossing the marker genes of a user microarray with a database of public-microarrays marker genes. (Completo, 2014)

HUERTA M , MUNY M , EXPÓSITO D , QUEROL E , JUAN CEDANO

Bioinformatics (Oxford, England), v.: Mar 20 2014

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 13674803

bioinformatics.oxfordjournals.org/cgi/pmidlookup?view=long&pmid=24574116

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Studying the complex expression dependences between sets of coexpressed genes. (Completo, 2014)

CASANOVA, O , HUERTA M , BARCHINO, R , FLORES, J , E QUEROL , JUAN CEDANO

BioMed Research International, 2014

Palabras clave: Bioinformática Microarrays Clustering

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 23146133

DOI: [10.1155/2014/940821](https://doi.org/10.1155/2014/940821)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC4132326/>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

Can bioinformatics help in the identification of moonlighting proteins? (Completo, 2014)

CALVO, A , SHERNÁNDEZ , FERRAGUT G , FRANCO, L , HERMOSO, A , I AMELA , GÓMEZ A , E QUEROL , JUAN CEDANO

Biochemical Society Transactions, v.: Dec 42 6 , p.:1692 - 1697, 2014

Palabras clave: moonlighting proteins Proteínas multifuncionales

Medio de divulgación: Internet

Escrito por invitación

ISSN: 03005127

DOI: [10.1042/BST20140241](https://doi.org/10.1042/BST20140241)

Scopus[®] WEB OF SCIENCE™

In Vivo Architectonic Stability of Fully de Novo Designed Protein-Only Nanoparticles (Completo, 2014)

CÉSPEDES M V , UNZUETA U , TATKIEWICZ W , SÁNCHEZ-CHARDI A , CONCHILLO O , ÁLAMO P , XU Z , CASANOVA I , CORCHERO J L , JUAN CEDANO , PESARRODONA M , GARCÍA-FRUITÓS E , DAURAX , RATERA I , VECIANA J , FERRER-MIRALLES N , VAZQUEZ E , VILLAVERDE A , MANGUES R

ACS Nano, v.: Apr 7 2014

Palabras clave: Cancer nanotecnología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 19360851

Neus Ferrer - Miralles; Antonio Villaverde, PhD; Esther Vázquez
María Virtudes Céspedes, Ugutz Unzueta S, Witold Tatkiewicz, Alejandro Sánchez-Chardi #,
Oscar Conchillo-Solé S, Patricia Álamo, Zhikun Xu S, Isolda Casanova, José Luis Corchero S,
Mireia Pesarrodona S, Juan Cedano, Xavier Daura S, Imma Ratera, Jaume Veciana, Neus Ferrer-
Miralles S, Esther Vázquez S, Antonio Villaverde S*, and Ramón Mangues

Scopus® WEB OF SCIENCE™

MultitaskProtDB: A Database of Multitasking Proteins (Completo, 2014)

RANZANI S, JUAN CEDANO, I AMELA, FERRAGUT G, A MOZO, E QUEROL

Nucleic Acids Research, v.: Jan 42 2014

Palabras clave: Bioinformática

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 03051048

Juan Cedano y Sergio Ranzani han contribuido igualmente al presente trabajo

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A dynamic model of the proteins that form the initial iron-sulfur cluster biogenesis machinery in yeast mitochondria (Completo, 2013)

I AMELA, DELICADO P, GÓMEZ A, E QUEROL, JUAN CEDANO

Protein Journal, v.: 32 p.:183 - 196, 2013

Palabras clave: frataxina

ISSN: 15723887

Juan Cedano: corresponding author

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Non-amyloidogenic peptide tags for the regulatable self-assembling of protein-only nanoparticles (Completo, 2012)

UNZUETA U, FERRER-MIRALLES N, JUAN CEDANO, ZIKUNG X, PESARRODONA M,
SACCARDO P, GARCÍA-FRUITÓS E, DOMINGO-ESPÍN J, K PRADEEP, GUPTA K C, MANGUES
R, VILLAVERDE A, VAZQUEZ E

Biomaterials, 2012

Palabras clave: nanomedicina Cancer Biomateriales

Areas de conocimiento:

Ingeniería y Tecnología / Nanotecnología / Nano-procesamiento /

ISSN: 01429612

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Intracellular CXCR4(+) cell targeting with T22-empowered protein-only nanoparticles (Completo, 2012)

UNZUETA U, CÉSPEDES MV, FERRER-MIRALLES N, CASANOVA I, JUAN CEDANO,
CORCHERO J L, DOMINGO-ESPÍN J, VILLAVERDE A, MANGUES R, VAZQUEZ E

International Journal of Nanomedicine, 2012

Palabras clave: nanomedicina Cancer HIV

ISSN: 11769114

Scopus®

RGD-based cell ligands for cell-targeted drug delivery act as potent trophic factors (Completo, 2012)

DOMINGO-ESPÍN J, PETEGNIEF V, DE VERA N, CONCHILLO O, SACCARDO P, UNZUETA U,
VAZQUEZ E, JUAN CEDANO, NEGRO L, DAURA X, PELUFO H, PLANAS A M, VILLAVERDE A,
FERRER-MIRALLES N

Nanomedicine, 2012

Palabras clave: nanomedicina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / nanotecnología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Ingeniería de
proteínas

ISSN: 15499634

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Do moonlighting proteins belong to the intrinsic disordered proteins class? (Completo, 2011)

I AMELA, S HERNÁNDEZ, JUAN CEDANO, J PIÑOL, J A PEREZ-PONS, A MOZO-VILLARIAS, E

QUEROL

Journal of Proteomics and Bioinformatics, v.: 5 11 , p.:262 - 264, 2011

ISSN: 0974276X

Scopus[®]

Biological activities of histidine-rich peptides; merging Biotechnology and Nanomedicine. (Completo, 2011)

FERRER-MIRALLES N , CORCHERO J L , KUMAR P , JUAN CEDANO , GUPTA K C , VILLAVERDE A , VAZQUEZ E

Microbial Cell Factory, v.: 10 p.:101 2011

ISSN: 14752859

<http://www.microbialcellfactories.com/content/10/1/101/abstract>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Self-assembling, protein-based intracellular bacterial organelles: emerging vehicles for encapsulating, targeting and delivering therapeutical cargoes (Completo, 2011)

CORCHERO J L , JUAN CEDANO

Microbial Cell Factory, v.: 10 p.:92 2011

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 14752859

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC3247854/?tool=pubmed>

Jose Luis Corchero y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Nanoparticulate architecture of protein-based artificial viruses is supported by protein-DNA interactions (Completo, 2011)

DOMINGO-ESPIN J , VAZQUEZ E , GANZ J , CONCHILLO O , GARCIA-FRUITOS E , JUAN CEDANO , DAURAX , VILLAVERDE A

Nanomedicine, 2011

Palabras clave: nanomedicina

ISSN: 15499634

<http://www.futuremedicine.com/doi/abs/10.2217/nnm.11.28?journalCode=nnm>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Gene Ontology Function prediction in Mollicutes using Protein-Protein Association Networks (Completo, 2011)

GOMEZ A , JUAN CEDANO , AMELA I , PLANAS A , PINOL J , QUEROL E

BMC Systems Biology, 2011

ISSN: 17520509

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Do protein protein interaction databases identify moonlighting proteins? (Completo, 2011)

GOMEZ A , HERNANDEZ S , JUAN CEDANO , AMELA I , PINOL J , QUEROL E

Molecular bioSystems, 2011

Lugar de publicación: MOlecular BioSystems

ISSN: 17422051

Scopus[®]

The peptide-binding motif of HLA-DR8 shares important structural features with other type 1 diabetes-associated alleles (Completo, 2011)

MUIXI L , GAY M , MUNOZ-TORRES P M , GUITART C , JUAN CEDANO , JARAQUEMADA D

Genes and immunity, 2011

ISSN: 14664879

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

DockAnalyse: an application for the analysis of protein-protein interactions. (Completo, 2010)

AMELA I , DELICADO P , GOMEZ A , BONAS S , QUEROL E , JUAN CEDANO

BMC Structural Biology, 2010

Lugar de publicación: BMC structural Biology

ISSN: 14726807

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Protein nanodisk assembling and intracellular trafficking powered by an arginine-rich (R9) peptide (Completo, 2010)

VAZQUEZ E , ROLDAN M , DIEZ-GIL C , UNZUETA U , JUAN CEDANO , VILLAVARDE A
Nanomedicine, 2010
ISSN: 15499634
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

MAPI: a server for improving protein identification from a four matrices mass spectrometry approach (Completo, 2010)

JUAN CEDANO , YANES O , FERRER-NAVARRO M , BRONSOMS S , QUEROL E , AVILES F X
Current Proteomics, 2010
Lugar de publicación: Current proteomics
ISSN: 15701646
Oscar Yanes y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

PCOPGene-Net: holistic characterisation of cellular states from microarray data based on continuous and non-continuous analysis of gene-expression relationships (Completo, 2009)

HUERTA M , JUAN CEDANO , PENA D , RODRÍGUEZ A , QUEROL E
BMC Bioinformatics, 2009
ISSN: 14712105
Mario Huerta y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

Bioinformatics annotation of the hypothetical proteins found by omics techniques can help to disclose additional virulence factors (Completo, 2009)

HERNANDEZ S , GOMEZ A , JUAN CEDANO , QUEROL E
Current Microbiology, 2009
ISSN: 03438651
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

NCR-PCOPGene: An Exploratory Tool for Analysis of Sample-Classes Effect on Gene-Expression Relationships (Completo, 2008)

HUERTA M , JUAN CEDANO , QUEROL E
Adv Bioinformatics, 2008
Lugar de publicación: Adv Bioinformatics
ISSN: 16878027
Mario Huerta y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo

Prediction of protein function improving sequence remote alignment search by a fuzzy logic algorithm (Resumen, 2008)

GOMEZ A , JUAN CEDANO , ESPADALER J , HERMOSO A , PINOL J , QUEROL E
Protein Journal, 2008
Lugar de publicación: Protein
ISSN: 15723887
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

Analysis of nonlinear relations between expression profiles by the principal curves of oriented-points approach (Completo, 2008)

HUERTA M , JUAN CEDANO , QUEROL E
Journal of Bioinformatics and Computational Biology, 2008
Lugar de publicación: J Bioinform Comput Biol
ISSN: 17576334

Pathogen proteins eliciting antibodies do not share epitopes with host proteins: a bioinformatics approach (Completo, 2007)

AMELA I , JUAN CEDANO , QUEROL E
PLoS ONE, 2007
ISSN: 19326203
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

A web server for automatic analysis and extraction of relevant biological knowledge. (Completo, 2007)

JUAN CEDANO , HUERTA M , ESTRADA I , BALLLLOSER A F , CONCHILLO O , QUEROL E
Computers in Biology and Medicine, 2007
Lugar de publicación: Comput Biol Med
ISSN: 00104825
Mario Huerta y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo
Scopus WEB OF SCIENCE™

Hydrophobicity Density Profiles to Predict Thermal Stability Enhancement in Proteins (Completo, 2006)

MOZO-VILLARIAS A , JUAN CEDANO , QUEROL E
The Protein Journal, v.: 25 p.:529 - 535, 2006
ISSN: 15734943
<http://www.springerlink.com/content/w63m40108gv88678/>

Study of the influence of temperature on the dynamics of the catalytic cleft in 1,3-1,4-beta-glucanase by molecular dynamics simulations (Completo, 2006)

GARGALLO R , JUAN CEDANO , MOZO-VILLARIAS A , QUEROL E , OLIVA B
Journal of Molecular Modeling, 2006
ISSN: 09485023
Ramón Gargallo y Juan Cedano han contribuido igualmente en la consecución de este trabajo
Scopus

A simple electrostatic criterion for predicting the thermal stability of proteins (Completo, 2003)

MOZO-VILLARIAS A , JUAN CEDANO , QUEROL E
Protein Engineering, v.: 16 4 , p.:279 - 286, 2003
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 02692139
<http://peds.oxfordjournals.org/content/16/4/279.long>
Scopus WEB OF SCIENCE™

Do current sequence analysis algorithms disclose multifunctional (moonlighting) proteins? (Completo, 2003)

GOMEZ A , DOMEDEL N , JUAN CEDANO , PINOL J , QUEROL E
Bioinformatics (Oxford, England), v.: 19 p.:895 - 896, 2003
ISSN: 13674803
<http://bioinformatics.oxfordjournals.org/content/19/7/895.long>
Scopus WEB OF SCIENCE™

Cloning, expression and purification of human epidermal growth factor using different expression systems (Completo, 2003)

FERRER-SOLER L , JUAN CEDANO , QUEROL E , DE LLORENS R
Journal of Chromatography B, v.: 788 p.:113 - 123, 2003
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 03784347
<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1570023202010358>

Modelos informáticos para entender la evolución: Mecanismos de evolución adaptativa facilitada (Completo, 2002)

JUAN CEDANO
Arbor, v.: 172 677 , p.:101 - 125, 2002
ISSN: 02101963
<http://arbor.revistas.csic.es/index.php/arbor/article/view/1071/1078>
Scopus WEB OF SCIENCE™ **latindex**

The gene causing the Best's macular dystrophy (BMD) encodes a putative ion exchanger (Completo, 2001)

GOMEZ A , JUAN CEDANO , OLIVA B , PINOL J , QUEROL E
DNA Sequence, v.: Mayo 5 6 , p.:431 - 435, 2001
ISSN: 10425179
Scopus WEB OF SCIENCE™

'TransMem': a neural network implemented in Excel spreadsheets for predicting transmembrane domains of proteins. (Completo, 1997)

ALOY P, JUAN CEDANO, OLIVA B, E QUEROL, AVILES FX
Computer applications in the biosciences, v.: 13 3, p.:231 - 234, 1997
Palabras clave: Bioinformática Localización Celular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 02667061
Scopus WEB OF SCIENCE™

Relation between amino acid composition and cellular location of proteins. (Completo, 1997)

JUAN CEDANO, ALOY P, PEREZ-PONS J, E QUEROL
Journal of Molecular Biology, v.: 266 3, p.:594 - 600, 1997
Palabras clave: Bioinformática
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00222836
Scopus WEB OF SCIENCE™

An Excel spreadsheet computer program combining algorithms for prediction of protein structural characteristics. (Completo, 1994)

CLOTET J, JUAN CEDANO, E QUEROL
Computer applications in the biosciences, v.: 10 5, p.:490 - 500, 1994
Palabras clave: Bioinformática
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática
ISSN: 02667061
Scopus WEB OF SCIENCE™

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Posible estrategia de control de nematodos gastrointestinales en ovinos. (2017)

Resumen
HERNÁNDEZ, Z., FERRAGUT G, SOLARO, P., AZANZA, J., MENESES, M., BERGOS, M., JUAN CEDANO

Evento: Internacional
Descripción: XXIV Congreso Latinoamericano de Parasitología
Año del evento: 2017
Palabras clave: Biotecnología
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud / <http://flap2017.com/>

INDICATORS OF GASTROINTESTINAL NEMATODES INFECTION IN SHEEP (2015)

Resumen
HERNÁNDEZ-RUSSO, Z., STERLA S., JUAN CEDANO

Evento: Internacional
Descripción: Congreso Internacional de Parasitología Neotropical (IV COPANEO)
Ciudad: Lima
Año del evento: 2015
Medio de divulgación: Papel
<http://icopa2014.org/pdf/abstracts/2040.pdf>

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Aspectos de la dinámica de proteínas mono y politópicas en relación con su estabilidad y función (2015)

Argentina

FONCyT (Proyectos de Investigación Científica y Tecnológica)
Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

Evaluador del Congreso de Biociencias (2017 / 2017)

Revisiones
Uruguay

Sociedad Uruguaya de Biociencias
4 Poster (#052, #0175, #0202, #0149)

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Tribunal de Concursos (2014 / 2017)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5

Cargo 3, 40 hs. para PDU de Biotecnológico (2014) Cargo 2, 40 hs. para PDU de Biotecnológico (2016) Cargo 2, 40 hs. para PDU de Biofísica (2016) Cargo 2, 40 hs. para PDU de Genómica Comparativa y Bioinformática (2016-2017)

JURADO DE TESIS

Doctorado en Ciencias Biológica (2012 / 2016)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) , Uruguay
Nivel de formación: Doctorado
Título de la tesis: Desarrollo de un modelo pre-clínico de enfermedad mínima residual de Linfomas no Hodgkin y optimización de inmunoterapias Candidata: Thais Bacuas

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Studying glucocorticoid paradox using expression data (2016)

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Doctor en Biología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Mario Huerta
País/Idioma: España, Inglés
Palabras Clave: Cancer Microarrays

Análisis Bioinformático de las proteínas Multifuncionales (moonlighting) (2016)

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universitat Autònoma de Barcelona , España
Programa: Biotecnología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Sergio Hernández Ranzani
País/Idioma: España, Español
Palabras Clave: Proteínas multifuncionales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Bioinformatic Study of Antigen Presentation by HLA class II (2014)

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Doctor en Estructura y Función de proteínas

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Pau Marc Muñoz Torres
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: España, Inglés
Palabras Clave: Bioinformática inmunología
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / inmunología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

Bioinformatics Approaches to Protein Interaction and Complexes: Application to Pathogen-Host Epitope Mimicry to Fe-S Cluster Biogenesis Model (2013)

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Doctor en Biología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Issac Amela Abellan
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: España, Español
Web: <http://ddd.uab.cat/record/115338>
Palabras Clave: Bioinformática Cluster Hierro-Azufre Diseño de vacunas
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

Extracción de patrones de datos de microarray análisis para el estudio de los cambios fenotípicos (2008)

Tesis de maestría
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Master en Biotecnología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Mario Huerta Casado
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: España, Español
Palabras Clave: Bioinformática Cancer Microarrays
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Analisis de Microarrays

Bioinformatics prediction of protein function from sequence (2007)

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Doctor en Biología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Antonio Gomez Moruno
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: España, Inglés
Web: http://ibb.uab.es/ibb/index.php?option=com_jcalpro&Itemid=98&extmode=flyer&date=2007&lang=spanish
Palabras Clave: Bioinformática
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

ANÁLISIS BIOINFORMÁTICO DE LA FRATAXINA Y DE OTRAS PROTEÍNAS PROBABLEMENTE IMPLICADAS EN LA ATAXIA DE FRIEDREICH (2007)

Tesis de maestría
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Master en Biotecnología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Issac Amela Abellan
Medio de divulgación: Microfilme
País/Idioma: España, Español
Palabras Clave: Bioinformática Culster Hierro-Azufre
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

TARGET: un algorisme per al reordenament dels resultats del programa d'homologia remota PSIBLAST (2001)

Tesis de maestría
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Master en Biotecnología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Antonio Gomez Moruno
Medio de divulgación: Otros
País/Idioma: España, Catalán
Palabras Clave: Bioinformática Anotación funcional de proteínas
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Bioinformática

GRADO

INTERFAZ WEB PARA ESTUDIAR EL EFECTO DE DIFERENTES CONDICIONES SOBRE LA EXPRESIÓN DE LOS GENES (2011)

Tesis/Monografía de grado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Licenciatura en Ingeniería Informática
Nombre del orientado: José Fernández Márquez
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: España, Español
Web:
http://ddd.uab.cat/pub/trerecpro/2011/hdl_2072_169777/PFC_JoseFernandezMarquez+_presentacio
Palabras Clave: Bioinformática
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Analisis de Microarrays

Arqueología genética; Buscando los rastros de la evolución en regiones no codificantes. (2009)

Tesis/Monografía de grado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Autonoma de Barcelona , España
Programa: Licenciatura en Ingeniería Informática
Nombre del orientado: Toni Peña Alba
Medio de divulgación: Otros
País/Idioma: España, Español
Palabras Clave: Bioinformática
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / genética

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Delimitación por fluorescencia de tejido tumoral usando Nidogeno-1 modificada por ingeniería de proteínas (2016)

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Química - UDeLaR, Uruguay
Programa: Doctorado en Química (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Gabriela Ferragut
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Cancer Biotecnología Nidogeno
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Neurociencias / Psicosomática

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Premio Argón 2011 (2011)

(Nacional)

para trabajos entre institutos y profesorado de la UAB.

Anàlisis de datos de microarrays para la investigación biomédica presentada por Laura Ciero Salinas de IINS Pere Barnils (Centelles), tutorizada por Rosa M. Boleda Relats. Tutores UAB: Juan Cedano y Mario Huerta

PRESENTACIONES EN EVENTOS

XII Congress of the Latin American Association of Immunology - ALAI (2018)

Congreso

Is Classic signaling pathway of IL-6, associated with the coordination of structure-dependent tissue-dependent regeneration in the intestine?

México

Tipo de participación: Otros

Carga horaria: 3

Nombre de la institución promotora: Latin American Association of Immunology ? ALAI

Palabras Clave: Il-6 Intestino Estructura y función de tejido

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud

XII Congress of the Latin American Association of Immunology ? ALAI (2018)

Congreso

Why are moonlighting proteins so abundant in pathogen microorganisms virulence and so protective subunit vaccines?

México

Tipo de participación: Otros

Carga horaria: 3

Nombre de la institución promotora: Latin American Association of Immunology ? ALAI

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud

Congreso Nacional Biociencias 2017 (2017)

Congreso

EFECTOS ANTIPROLIFERATIVOS DE ACEITE ESENCIAL DE _EUGENIA UNIFLORA L. (PITANGA)

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 1

Palabras Clave: Plantas nativas Actividad biológica

Biología Botánica Biología molecular

Congreso Nacional Biociencias 2017 (2017)

Congreso

UN MODELO SIMPLIFICADO DE ASOCIACIÓN DE PROTEÍNAS BASADO EN SUS INTERACCIONES HIDROFÓBICAS Y ELÉCTRICAS

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 1

Palabras Clave: Biofísica Estabilidad de proteínas

Biofísica Estabilidad de proteínas

Congreso Nacional Biociencias 2017 (2017)

Congreso

Estudio in vitro del efecto de Baccharis trimera (carqueja) como antiparasitario de ovinos

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 1

Palabras Clave: Actividad biológica Parasitología

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Congreso Nacional Biociencias 2017 (2017)

Congreso

Estudio de las proteínas multifunción (moonlighting proteins)
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 1
Palabras Clave: Proteínas multifuncionales Biología Molecular

El evento es el XXIV Congreso Latinoamericano de Parasitología. (2017)

Congreso
Posible estrategia de control de nematodos gastrointestinales en ovinos.
Chile
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 4
Palabras Clave: Parasitología
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales

III JORNADAS DE AGROBIOTECNOLOGÍA (2017)

Otra
Jornadas de difusión de la biotecnología para alumnos de ciencias agrícolas
Uruguay
Tipo de participación: Conferencista invitado
Carga horaria: 1
Nombre de la institución promotora: INIA
Palabras Clave: Ingeniería de proteínas biotecnología Divulgación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología

"Un Mundo, Una Salud: El Impacto Global de la Investigación en Parasitología" (2015)

Congreso
INDICATORS OF GASTROINTESTINAL NEMATODES INFECTION IN SHEEP
Perú
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 12
Nombre de la institución promotora: IV Congreso Internacional de Parasitología Neotropical, 2015, Lima, Perú
Palabras Clave: Parasitosis

III Congreso Uruguayo de Psicoterapia (2015)

Congreso
TRASTORNOS PSICOLÓGICOS: PROCESOS EMERGENTES DE FUNCIONES BIOLÓGICAS COMPLEJAS
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 16
Palabras Clave: Psicopatología Psicoterapia

Latin American Crosstalk in Biophysics and Physiology (2015)

Congreso
A model of protein association based on their hydrophobic and electric interactions
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 32
Nombre de la institución promotora: SBF.uy
Palabras Clave: Biofísica

Seventh Annual PEGSeurope, Lisboa (2015)

Congreso
Regulatable self-assembling of in vivo stable protein nanoparticles using non-amyloidogenic peptide tags.
Portugal
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 3
Palabras Clave: Cáncer Biotecnología Nanopartículas

XV Jornadas de la SUB (2014)

Congreso
Presentación de tres posters en las Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 16
Palabras Clave: Microarrays Biotecnología

The Biological and Biomedical Consequences of Protein Moonlighting (2014)

Congreso
Can Bioinformatics Help in the Identification of Moonlighting Proteins?
Inglaterra
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 24
Nombre de la institución promotora: Biochemical Society

8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular 2013 (SBBM, SUB) (2013)

Congreso
ATAXIA DE FRIEDREICH: UN MODELO DINÁMICO DE LAS PROTEÍNAS QUE FORMAN LOS CLUSTERS DE HIERRO - AZUFRE.
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Palabras Clave: Bioinformática Bioquímica Estrés oxidativo Clusters Hierro-Azufre
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular 2013 (SBBM, SUB) (2013)

Congreso
META - ANÁLISIS DE LA EXPRESIÓN DE GENÉTICA APLICADO AL ESTUDIO DE LA PROGRESIÓN DE LOS TUMORES Y LA ADMINISTRACIÓN DE GLUCOCORTICOIDES
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Palabras Clave: Bioinformática Cancer Modelos de comportamiento celular
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Bioinformática

Escuela de Invierno de Arapey (2003)

Seminario
Nuevos paradigmas científicos para una nueva sociedad
Uruguay
Tipo de participación: Conferencista invitado
Carga horaria: 40
Nombre de la institución promotora: UDELAR- Regional Norte
Palabras Clave: Psicosomática Física Biología

Conferencias sobre (2003)

Seminario
Conferencias sobre inteligencia genética
España
Tipo de participación: Conferencista invitado
Carga horaria: 3
Nombre de la institución promotora: Universidad Autónoma de Madrid
Palabras Clave: Evolución Inteligencia

La otra Evolución (2001)

Encuentro
Conferencias sobre la evolución de los sistemas complejos
España
Tipo de participación: Conferencista invitado
Carga horaria: 3
Nombre de la institución promotora: Universidad Autónoma de Madrid
Palabras Clave: Evolución Lamarck

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Trabajo Final de Grado: Accidente Cerebrovascular (2016)

Candidato: Valentina Nieves Bengoechea
Tipo Jurado: Trabajo de conclusión de curso de Grado
PALAS C , JUAN CEDANO
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Psicología - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Palabras Clave: Neurobiología Accidentes CerebroVasculares Infantes
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Neurociencias / ACV

Rol del cuerpo en la terapia Bioenergética (2015)

Candidato: Darío Racedo Altamiranda
Tipo Jurado: Pregrado
PALAS C , JUAN CEDANO
Psicología / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Psicología - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Palabras Clave: Psicopatología
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Neurociencias / Psicopatología

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	47
Artículos publicados en revistas científicas	45
Completo	43
Resumen	2
Trabajos en eventos	2
EVALUACIONES	4
Evaluación de proyectos	1
Evaluación de eventos	1
Evaluación de convocatorias concursables	1
Jurado de tesis	1
FORMACIÓN RRHH	11
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	10
Tesis de maestría	3
Tesis de doctorado	5
Tesis/Monografía de grado	2
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	1
Tesis de doctorado	1