



GUILLERMO PEDRO
LAMOLLE ALZUGARAY

Doctor

lamoogleg@gmail.com
098533620

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Inicia ción (Activo)

Fecha de publicación: 26/12/2018
Última actualización SNI: 26/12/2018

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Medicina - UDeLaR / Depto. de Genética / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Medicina - UDeLaR / Sector Educación Superior/Público

Dirección: Gral Flores 2125 / 11800 / Montevideo, Montevideo, Uruguay

Teléfono: (598) 29249562

Correo electrónico/Sitio Web: glamolle@fmed.edu.uy <http://www.genetica.fmed.edu.uy>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2007 - 2013)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Título de la disertación/tesis: Organización genómica en los tripanosomas africanos - Estudio de un modelo: Trypanosoma vivax

Tutor/es: Fernando Álvarez Valin

Obtención del título: 2013

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2002 - 2007)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Título de la disertación/tesis: La mutación, la conservación y la evolución de proteínas

Obtención del título: 2007

Palabras Clave: silent mutations neutral theory natural selection mutational bias

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / evolución de proteínas

GRADO

Licenciatura en Oceanografía Biológica (1981 - 2002)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Título de la disertación/tesis: Aportes al debate sobre los factores que inciden en el grado de conservación de las proteínas

Tutor/es: Fernando Álvarez Valin

Obtención del título: 2002

Palabras Clave: p53 conservation protein evolution

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / evolución de proteínas

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Introducción a la Programación con el Paquete Estadístico R (01/2011 - 01/2011)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Palabras Clave: programación R-project

Áreas de conocimiento:

Ingeniería y Tecnología / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Ingeniería de Sistemas y Comunicaciones / bioinformática

Advanced Course on Bioinformatics and Comparative Genomics, Florianópolis, Brasil. EMBO (01/2008 - 01/2008)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Federal de Santa Catarina , Brasil

The First Joint Pasteur Institute/Welcome Trust Course on Genomics in South (01/2006 - 01/2006)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución/Genómica

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PRIVADO - UNIVERSIDAD ORT URUGUAY - URUGUAY

Universidad ORT Uruguay - Facultad de Ingeniería

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (03/2013 - a la fecha)

docente de bioinformática ,4 horas semanales

Es un curso semestral, por lo que dicha carga horaria se da solo durante el primer semestre de cada año.

ACTIVIDADES

DOCENCIA

(03/2013 - a la fecha)

Grado

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Universidad de la República

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (09/2014 - 12/2016)

asistente ,20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Maestría en Bioinformática, Pedeciba (08/2016 - a la fecha)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Taller de Bioinformática, 4 horas, Teórico-Práctico

Taller de Bioinformática, 4 horas, Teórico-Práctico

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 10 horas

Carga horaria de investigación: 14 horas

Carga horaria de formación RRHH: Sin horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: Sin horas

Producción científica/tecnológica

Mis actividades como investigador se encuadran en lo que se conoce como Genómica, esto es, el estudio de los genomas como un todo, con un enfoque principalmente (pero no exclusivamente) bioinformático.

Esto implica desde preguntas típicas de la ciencia básica, como ser, cuál es el rol de la selección natural o de la deriva genética en determinados tipos de características composicionales (contenido GC, uso diferencial de codones sinónimos, estructura composicional del genoma de vertebrados. En particular, las implicancias de la Teoría Neutral de la Evolución y las discusiones que acarrió, lejos están de ser un tema cerrado a pesar de la enorme cantidad de trabajos publicados al respecto. Los trabajos en que he participado tienden a fortalecer el papel de la selección natural en procesos que previamente se consideraban típicamente neutrales (como las mutaciones silenciosas). En tal sentido se podría decir que me ubico dentro de la corriente denominada Seleccionismo (frente a la opuesta, el Neutralismo). Cabe destacar que dichas posiciones señalan principalmente, en mi opinión, distintos puntos de partida o hipótesis de trabajo, no existiendo entre ellas una frontera clara, desde que los seleccionistas no niegan el papel de los cambios neutros ni los neutralistas el de la evolución por selección natural.

Actualmente formo parte de un grupo de investigación en el Departamento de Genética de Facultad de Medicina (Udelar), que se dedica al estudio de los genomas de platelmintos, así como su anotación o reanotación.

Si perjuicio de lo cual, mantengo un fructífero vínculo informal con el grupo Organización y Evolución del Genoma (actualmente: Unidad de Genómica Evolutiva) de la división Biomatemática de Facultad de Ciencias, que se dedica a temas más básicos pero que, en algún caso, al usar como modelo un platelminto, se complementan perfectamente con las tareas que desempeño en el otro grupo.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Genoma Humano. Aspectos estructurales (Completo, 2018)

GUILLERMO LAMOLLE , Héctor Musto

Anales de la Facultad de Medicina, Universidad de la República, Uruguay, v.: 52, p.:12 - 28, 2018

Palabras clave: Genoma humano isocoros review

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genómica

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Uruguay

Escrito por invitación

ISSN: 22448136

DOI: [DOI: http://dx.doi.org/10.25184/anfamed2018v5n2](http://dx.doi.org/10.25184/anfamed2018v5n2)

<http://www.anfamed.edu.uy/index.php/rev/issue/view/15/showToc>

Why Prokaryotes Genomes Lack Genes with Introns Processed by Spliceosomes? (Completo, 2018)

GUILLERMO LAMOLLE , Héctor Musto

Journal of Molecular Evolution, v.: 86 9 , p.:611 - 612, 2018

Palabras clave: Prokaryotes introns spliceosome

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Otros

ISSN: 00222844

DOI: <https://doi.org/10.1007/s00239-018-9874-4>

<https://link.springer.com/article/10.1007/s00239-018-9874-4>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

The short-sequence design of DNA and its involvement in the 3-D structure of the genome (Completo, 2018)

GUILLERMO LAMOLLE , Sabbia, V , Musto, H , Bernardi, G

Scientific Reports, v.: 8 1 , p.:1 - 8, 2018

Palabras clave: human genome isochores chromosome 21 short-sequence

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Inglaterra

ISSN: 20452322

DOI: [DOI:10.1038/s41598-018-35864-9](https://doi.org/10.1038/s41598-018-35864-9)

<https://www.nature.com/articles/s41598-018-35864-9>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

The complex pattern of codon usage evolution in the family Comamonadaceae (Completo, 2017)

EUGENIO JARA , MOREL M , GUILLERMO LAMOLLE , CASTRO-SOWINSKI S , DIEGO SIMÓN , ANDRÉS IRIARTE , HÉCTOR MUSTO

Ecological Genetics and Genomics, v.: 6 feb 2018 -, p.:1 - 8, 2017

Palabras clave: Comamonadaceae codon usage

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 24059854

<https://www.sciencedirect.com/science/journal/24059854?sd=2>

An Isochore-Like Structure in the Genome of the Flatworm Schistosoma mansoni (Completo, 2016)

GUILLERMO LAMOLLE , ANNA V. PROTASIO , ANDRÉS IRIARTE , EUGENIO JARA , DIEGO SIMÓN , HÉCTOR MUSTO

Genome Biology and Evolution, v.: 8 8 , 2016

Palabras clave: isochore Schistosoma

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Oxford,UK

ISSN: 17596653

DOI: [10.1093/gbe/eww170](https://doi.org/10.1093/gbe/eww170)

<http://gbe.oxfordjournals.org/content/8/8/2312.full.pdf+html>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

Transcriptome analysis of the bloodstream stage from the parasite Trypanosoma vivax (Completo, 2013)

gonzalo greif , miguel ponce de león , GUILLERMO LAMOLLE , Matías Rodríguez , dolores piñeyro , Lucinda M Tavares-Marques , Armando Reyna-Bello , Carlos Robello , ÁLVAREZ-VALIN F

BMC Genomics, v.: 14 149 , 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 14712164

DOI: [10.1186/1471-2164-14-149](https://doi.org/10.1186/1471-2164-14-149)

<http://www.biomedcentral.com/1471-2164/14/149/abstract>

Comparative and evolutionary genomics of Leptospira (Completo, 2007)

REGO, N. , NAYA H , GUILLERMO LAMOLLE , ALVAREZ, O ALVAREZ-VALIN, F. (LUEGO DE 1998)
Electronic Journal of Communication Information and Innovation in Health, v.: 1 p.:321 - 328, 2007
Palabras clave: Genómica comparativa
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19816286
<http://www.reciis.cict.fiocruz.br/index.php/reciis>

Silent mutations in the gene encoding the p53 protein are preferentially located in conserved amino acid positions and splicing enhancers (Completo, 2006)

GUILLERMO LAMOLLE , MARIN M. , ALVAREZ, O ALVAREZ-VALIN, F. (LUEGO DE 1998)
Mutation Research, v.: 600 p.:102 - 112, 2006
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 09218262

Isochores, GC3 and mutation biases in the human genome (Completo, 2002)

ALVAREZ, O ALVAREZ-VALIN, F. (LUEGO DE 1998) , GUILLERMO LAMOLLE , G BERNARDI
Gene, v.: 300 p.:161 - 168, 2002
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 03781119

Scopus® WEB OF SCIENCE™

LIBROS

Iniciativas sanitarias contra el aborto provocado en condiciones de riesgo (Participación , 2007)

GUILLERMO LAMOLLE , SILVA A
Edición: 1,
Editorial: arena, Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /
Medio de divulgación: Papel
ISSN/ISBN: 9789974648418

Capítulos:
El inicio de la vida: ¿qué nos puede decir la biología?
Organizadores: Dr. Leonel Briozzo (editor)
Página inicial 233, Página final 236

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Loss and gain of genes in flatworms: adaptations to parasitic lifestyle. (2017)

Resumen
FONTENLA S. , GUILLERMO LAMOLLE , McNulty S. , SMIRCICH, P. , Rinaldi, G. , BRINDLEY, P. ,
Mitreva, M. , TORT, J F

Evento: Internacional
Descripción: Molecular Helminthology, An Integrated Approach,, Estados Unidos,
Ciudad: Cape Cod, Ma, Estados Unidos
Año del evento: 2017
Palabras clave: flatworms adaptation gene loss
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Papel

Using transcriptomic data to improve the annotation of Mesocestoides corti genome. (2016)

Resumen

GUILLERMO LAMOLLE , A. COSTÁBILE , FERNANDA DOMÍNGUEZ , FONTENLA S. , ESTELA CASTILLO , J. F. TORT

Evento: Internacional

Descripción: International Society of Computational Biology, Buenos Aires, 2016

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2016

Palabras clave: annotation transcriptome Mesocestoides

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Otros

Comparative genomics of miRNAs in Cestodes (2016)

Resumen

FONTENLA S. , COSTÁBILE, A, GUILLERMO LAMOLLE , Castillo, E. , Tort, J. F.

Evento: Nacional

Descripción: Primer Congreso Nacional De Biociencias (SUB)

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2016

Palabras clave: micro RNA Cestodes

Medio de divulgación: Papel

Using transcriptomic data to improve the annotation of Mesocestoides corti genome (2016)

Resumen

Domínguez, M. F., COSTÁBILE, A, GUILLERMO LAMOLLE , FONTENLA S., CASTILLO, E., TORT, J F

Descripción: Molecular Helminthology, An Integrated Approach,

Ciudad: Cape Cod, Ma, Estados Unidos

Año del evento: 2016

Palabras clave: Mesocestoides annotation

Medio de divulgación: Papel

Comparative genomics of miRNAs in Cestodes (2016)

Resumen

Santiago FONTENLA MARTÍNEZ , Alicia COSTÁBILE CRISTECH , GUILLERMO LAMOLLE , CASTILLO, E. , TORT, J F

Evento: Internacional

Descripción: International Society of Computational Biology Latin America (ISCB-LA)

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2016

Palabras clave: mirna cestodes genomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

El transcriptoma del cestodo modelo Mesocestoides corti (2016)

Resumen

COSTÁBILE, A, DOMINGUEZ, M , IRIARTE A. , GUILLERMO LAMOLLE , TORT, J F , CASTILLO, E.

Evento: Nacional

Descripción: 9as Jornadas De La Sociedad De Bioquímica Y Biología Molecular (SBBM),

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2016

Palabras clave: transcriptoma cestodo Mesocestoides corti

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

El transcriptoma del céstodo modelo *Mesocestoides corti* (2015)

Resumen

A. COSTÁBILE , FERNANDA DOMÍNGUEZ , GUILLERMO LAMOLLE , ANDRÉS IRIARTE , J. F. TORT

Evento: Nacional

Descripción: Novenas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular IIBCE, 2015

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2015

Anales/Proceedings: Novenas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular IIBCE

Palabras clave: Cestoda, Mesocestoides, transcriptome

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet

<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>

Simulations on infection by *Trypanosoma brucei* and the succession of VSG-homogeneous populations (2009)

Resumen expandido

GUILLERMO LAMOLLE , ROCHA, E , GUERBEROFF, G

Evento: Internacional

Descripción: Darwinn 200

Ciudad: Punta del Este

Año del evento: 2009

Palabras clave: trypanosoma simulations VSG infection

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada /

Medio de divulgación: Papel

TEXTOS EN PERIÓDICOS O REVISTAS

Anotación genómica made in uruguay (2006)

la diaria

Periodicos

GUILLERMO LAMOLLE

Medio de divulgación: Papel

Fecha de publicación: 07/08/2006

Lugar de publicación: Montevideo

www.ladiaria.com.uy

Otros datos relevantes

PRESENTACIONES EN EVENTOS

Jornadas Uruguayas de Bioinformática (Local) (2008)

Encuentro

Simulaciones con *Trypanosoma brucei*, anticuerpos & VSGs

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: IPMON

Información adicional

Actualmente (diciembre de 2018) estoy realizando investigaciones tanto en Facultad de Medicina, Udelar (Depto. de Genética) como en Facultad de Ciencias, Udelar (Sección Biomatemática), consistentes en estudios genómicos de a) gusanos planos b) bacterias c) humanos. Los papers publicados en estos dos años se encuentran consignados en el sitio correspondiente. En preparación hay uno sobre el genoma de *Schistosoma mansoni* (continuación, en cierta forma, de otro ya publicado), así como uno más general sobre genómica comparada de platelmintos.

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	19
Artículos publicados en revistas científicas	9
Completo	9
Trabajos en eventos	8
Libros y Capítulos	1
Capítulos de libro publicado	1
Textos en periódicos	1
Periodicos	1