



VALENTINA COLISTRO
CARDOZO

Doctora

vcolistro@fmed.edu.uy

SNI

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud
Categorización actual: Nivel I (Activo)

Fecha de publicación: 16/06/2025
Última actualización: 13/06/2025

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Medicina / Departamento de Medicina Preventiva y Social / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Medicina / Sector Educación Superior/Público / Instituto de Higiene

Dirección: Avda. Alfredo Navarro 3051 / 11600

País: Uruguay / Montevideo / Montevideo

Teléfono: (02) 24871288 / 1301

Correo electrónico/Sitio Web: vcolistro@fmed.edu.uy <https://higiene.edu.uy/medicina-preventiva/>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctor en Ciencias Biológicas (PEDECIBA) (2015 - 2021)

Universidad de la República - Facultad de Medicina , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Variabilidad Genómica y Ancestría en la población Mexicana: aplicación en estudios de asociación de enfermedades complejas

Tutor/es: Monica Sans

Obtención del título: 2021

Palabras Clave: Mapeo Genico SNP Ancestría Genética Epidemiología Genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología Genética

MAESTRÍA

PEDECIBA - Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas (2008 - 2012)

Universidad de la República - Facultad de Medicina , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Efecto de los procesos microevolutivos en los estudios de asociación haplotípica en enfermedades complejas.

Tutor/es: Bernardo Bertoni

Obtención del título: 2012

Palabras Clave: Desequilibrio de ligamiento Haplotipo Mestizaje Mapeo Genico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (1999 - 2007)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Análisis de pseudoequilibrios de ligamiento del cromosoma Y mediante simulación de diversos factores evolutivos.

Tutor/es: Bernardo Bertoni Jara

Obtención del título: 2007

Palabras Clave: Cromosoma Y Desequilibrio de ligamiento

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Humana

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Introducción a la Extensión Universitaria (07/2022 - 08/2022)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Universidad de la República - Unidad Central de Educación Permanente , Uruguay

35 horas

Ciencia Crítica para el desarrollo de la medicina familiar y comunitaria (01/2017 - 01/2017)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Organizaciones No Gubernamentales / Organizaciones Sin Fines de Lucro / Federación Médica del Interior , Uruguay

12 horas

Palabras Clave: Medicina basada en evidencia

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Ciencia crítica

Diseño y Análisis Experimental (01/2017 - 01/2017)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay

Palabras Clave: Diseño de estudio

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Bioestadística

Investigación Clínica: Métodos experimentales vs No experimentales (01/2016 - 01/2016)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay

20 horas

Palabras Clave: Metodología Científica Métodos experimentales Métodos No Experimentales

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Investigación Clínica

Métodos para predicción y selección genómica (01/2016 - 01/2016)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Sociedades Científico-Tecnológicas / Sociedad Uruguaya de Genética , Uruguay

10 horas

Palabras Clave: Predicción Genómica Selección Genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Bases de datos científicos y manejo de big data (01/2013 - 01/2013)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Palabras Clave: Base de datos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bases de datos científicas

Bioinformática genómica: Ensembl y ArrayExpress (01/2010 - 01/2010)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Centro de Investigaciones Biológicas del Noroeste , México

40 horas

Palabras Clave: Bioinformática Genómica Microarreglos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Introducción al Análisis de Bases de Datos utilizando R (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias Sociales , Uruguay
20 horas
Palabras Clave: Bases de datos Análisis Estadístico Programación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Introducción a la Filogeografía: Aspectos Teóricos y Prácticos (01/2009 - 01/2009)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional de Córdoba , Argentina
40 horas
Palabras Clave: Filogeografía Evolución
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Filogeografía

Organización, función y Variabilidad del Genoma Eucariota (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
90 horas
Palabras Clave: Genoma
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética
Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales /

Genética Humana (01/2009 - 01/2009)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay
60 horas
Palabras Clave: Genética Humana
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Humana

Análisis del Genoma Humano (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay
40 horas
Palabras Clave: Análisis Genoma Genética de Poblaciones
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica
Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Genética Médica

Bioestadística (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina (UDELAR-PROINBIO) - UDeLaR , Uruguay
90 horas
Palabras Clave: Estadística Ciencias Médicas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad /

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

4tas Jornadas de Investigación de la Facultad de Odontología (2022)

Tipo: Encuentro
Institución organizadora: Facultad de Odontología, Uruguay

VII Jornadas Nacionales de Estadística (2022)

Tipo: Encuentro
Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Estadística, Uruguay

Congreso Interdisciplinario COVID-19, pandemia y pospandemia (2022)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Espacio Interdisciplinario de la Universidad de la República, Uruguay

Congreso Internacional de Genética (2018)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: ALAG / SAG, Argentina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Epidemiología Genética

XVI Congreso Latinoamericano de Genética (2016)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SUG, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología Genética

X Jornadas Nacionales de Antropología Biológica (2011)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Asociación de Antropología Biológica Argentina, Argentina

Palabras Clave: Mestizaje Antropología Biológica Genética de Poblaciones

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología Genética

Ciencias Sociales / Otras Ciencias Sociales / Ciencias Sociales Interdisciplinarias / Ciencias

Antropológicas

XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SUB, Uruguay

Palabras Clave: Biociencias

XIV Congreso Latinoamericano de Genética. VIII Congreso de la Asociación Latinoamericana de Mutagénesis, Carcinogénesis y teratogénesis ambiental. XLII Congreso de la Sociedad de Genética de Chile. XXXIV Congreso Argentino de Genética (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Chilena de Genética, Chile

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Genética Médica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Humana

I Congreso Internacional de Salud Ambiental. Ambiente sano, gente sana. (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Organización Panamericana de la Salud, México

Palabras Clave: Ambiente Salud

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología Ambiental

Working with the human genome sequence (2009)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Wellcome Trust, Uruguay

Palabras Clave: Bioinformática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Escuela Latinoamericana de Evolución (2009)

Tipo: Taller

Palabras Clave: Evolución Darwin

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Primeras Jornadas de Genética del Uruguay (2008)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Genética, Uruguay

Palabras Clave: Mapeo por mestizaje Melanoma

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética del cáncer

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genética Médica

XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2007)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SUB, Uruguay

Palabras Clave: Microsatélites Pseudoequilibrio de ligamiento

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

VIII Jornadas Nacionales de Antropología Biológica (2007)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: AABA, Argentina

Palabras Clave: Factores Evolutivos

Áreas de conocimiento:

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades /

Idiomas

Francés

Entiende muy bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe bien

Inglés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Áreas de actuación

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Medicina Básica / Genética Humana / Genética del Cáncer

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de poblaciones humanas

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología Genética

CIENCIAS SOCIALES

Otras Ciencias Sociales / Ciencias Sociales Interdisciplinarias / Ciencias Antropológicas

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Medicina / Departamento de Medicina Preventiva y Social

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (12/2022 - a la fecha) Trabajo relevante

Prof. Adjunta 24 horas semanales / Dedicación total
Ingresé al Régimen de Dedicación total y actualmente lo comparto entre Medicina Preventiva y Social y el Departamento de Métodos Cuantitativos
Escalafón: Docente
Grado: Grado 3
Cargo: Efectivo

ACTIVIDADES**DOCENCIA****Diploma de Salud Pública (05/2023 - a la fecha)**

Especialización
Invitado
Asignaturas:
Metodología aplicada a la Salud, 75 horas, Teórico-Práctico

Ciclo de Metodología Científica - Carrera Dr. en Medicina (03/2023 - a la fecha)

Grado
Organizador/Coordinador
Asignaturas:
Metodología Científica I, 75 horas, Teórico-Práctico

Ciclo Introductorio a las Ciencias de la Salud (03/2023 - a la fecha)

Grado
Invitado
Asignaturas:
Salud Pública y Humanidades, 20 horas, Teórico

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/REDES NACIONALES - REDES NACIONALES - URUGUAY

Red Uruguaya de Apoyo a la Nutrición y Desarrollo Infantil

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**Colaborador (09/2019 - a la fecha)**

4 horas semanales

ACTIVIDADES**DIRECCIÓN Y ADMINISTRACIÓN****Integrante de Comisión directiva (12/2022 - a la fecha)**

2 horas semanales

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO**Encuesta Nacional de Lactancia (10/2019 - 05/2021)**

15 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Nutrición, Dietética / Lactancia

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE**Estudio de Implementación de Salas de Lactancia (06/2022 - 12/2022)**

5 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Nutrición

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (09/2016 - a la fecha)

Asistente del Departamento de Métodos Cuantitativos 20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Efectivo

Colaborador (03/2006 - 09/2012)

Colaborador honorario 10 horas semanales

Desde marzo de 2006 he estado vinculada al Departamento de Genética de Facultad de Medicina. En una primera instancia como estudiante de pregrado y al día de hoy continúo como estudiante de posgrado, en la realización de mis estudios de Maestría. A lo largo de mi vinculación he aprendido diversas metodologías de investigación en genética de poblaciones, modelos evolutivos de poblaciones humanas y etiología del cáncer, lo cual me ha permitido colaborar en proyectos de investigación del Departamento de Genética y en otros proyectos multidisciplinarios que involucran otras disciplinas como Antropología Biológica o Dermatología.

Escalafón: No Docente

Cargo: Interino

Colaborador (01/2010 - 10/2010)

Colaborador honorario 15 horas semanales

En el marco del proyecto "Exposición a subproductos de la desinfección de agua en las embarazadas y bajo peso al nacer en Montevideo", una vez terminado la primera etapa del trabajo de campo comenzamos con la re-encuesta telefónica de las embarazadas participantes del proyecto. Esta fase del proyecto es crucial ya que servirá como indicador de la proporción de nacimientos con bajo peso a partir de la cual podremos programar la segunda y última etapa de trabajo de campo previo al análisis estadístico. En esta etapa colaboro honorariamente.

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Honorario

Becario (09/2009 - 12/2009)

Becario Grado 1 19 horas semanales

Mi actividad es dentro del proyecto financiado por CSIC "Exposición a subproductos de la desinfección del agua en el embarazo y bajo peso al nacer en Montevideo". Mi tarea consistió en el trabajo de campo del proyecto, en la recolección de los datos de las embarazadas y sus costumbre del uso y consumo de agua durante el segundo y tercer trimestre del embarazo. Durante los meses de setiembre a diciembre junto con otros dos encuestadores recorrimos varias policlínicas de ASSE periféricas de Montevideo encuestando embarazadas. En ciertas ocasiones también colaboré con el equipo de Facultad de Química en el muestreo ambiental de las muestras de agua.

Escalafón: No Docente

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Evaluación experimental de la exposición a contaminantes atmosféricos durante el transporte activo: aportes para su zonificación en Montevideo (03/2021 - a la fecha)

El impacto del transporte sobre la calidad de aire se diferencia del de otras fuentes de emisión de contaminantes atmosféricos principalmente por la proximidad de los receptores. Esto hace que los contaminantes emitidos no puedan ser dispersados completamente antes de llegar a los mismos. Además de lo anterior, se destaca que la mayoría de las rutas urbanas están rodeadas de edificios (cañones urbanos). Estos edificios disminuyen la velocidad del viento a nivel de calle dificultando aún más la dispersión de los contaminantes emitidos. De lo anterior resulta esperable que las personas que utilizan medios de transporte activos en ambiente urbano estén expuestas a elevados niveles de contaminación atmosférica. Este hecho muestra la necesidad de planificar las vías de transporte activo en relación con la calidad de aire con el objetivo de explotar las diversas virtudes de estos modos de transporte sin poner en riesgo la salud de los pasajeros. La presente propuesta de investigación busca aportar en este sentido, a partir de la cuantificación de la exposición a

contaminantes atmosféricos que experimentan las personas que utilizan medios de transporte activos, y su vínculo con características generales de las vías de tránsito (geometría de edificios, flujo vehicular, entre otras). Estos vínculos permitirán el desarrollo de una herramienta de zonificación para el transporte activo en Montevideo, basada en la calidad de aire, siendo este último el principal resultado a obtener a partir de la realización del presente proyecto. Estos resultados pueden constituir insumos de información útiles para proponer medidas de disminución de tráfico en las cercanías a la infraestructura ciclista ya construida, en el caso que se demuestre que esta se ubica en rutas de alta exposición a contaminantes atmosféricos. Desde el punto de vista académico, la realización de la presente propuesta resultará en una aplicación innovadora de la Ingeniería Ambiental en la planificación del uso del territorio, y una continuación con la línea de trabajo en contaminación atmosférica que lleva adelante el Instituto de Mecánica de los Fluidos e Ingeniería Ambiental de la Facultad de Ingeniería de la UdelaR. Además de lo anterior, la investigación científica a desarrollar en la presente propuesta será de carácter multidisciplinario, contando el equipo de trabajo con investigadores de la Facultad de Ingeniería y de la Facultad de Medicina de la UdelaR. Teniendo en cuenta que la contraparte está conformada por colectivos ciclistas, se entiende que la presente investigación tendrá un impacto ampliamente positivo en el desarrollo de sus actividades, ya que podrán incluir a la calidad de aire como una variable de importancia a la hora de planificar sus recorridos urban

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: D'Angelo, M, COLISTRO V., A ALEMAN / Riganti AA, GONZÁLEZ, ALICE ELIZABETH, Vera, AC, Frachi, I

Palabras clave: contaminación transporte activo bicicletas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología Ambiental

An international research program on the associations between environmental stressors, climate, and health (03/2021 - 06/2023)

Red de investigación colaborativa de varios países y varias ciudades (MCC) es una colaboración internacional de equipos de investigación que trabajan en un programa que tiene como objetivo producir evidencia epidemiológica sobre las asociaciones entre los factores estresantes ambientales, el clima y la salud. El interés por estos temas ha crecido en los últimos años tanto entre los investigadores como entre el público en general, debido a los recientes eventos de clima extremo o contaminación y a los alarmantes escenarios de cambio climático, todo ello vinculado con mayores riesgos para la salud. El programa de investigación se beneficia del uso del conjunto de datos, incluida información sobre exposiciones ambientales, resultados de salud y proyecciones climáticas de cientos de ubicaciones dentro de varios países de todo el mundo. Esto permite análisis estandarizados de datos locales para abordar preguntas de investigación específicas sobre asociaciones globales de medio ambiente y salud, siguiendo un método de colaboración formalizado pero flexible. La Red de Investigación Colaborativa de MCC se ha desarrollado a lo largo de los años, a través de la correspondencia entre los participantes y reuniones adicionales celebradas en conferencias científicas. Actualmente, la Red de Investigación Colaborativa de MCC está coordinada por el equipo de investigación de LSHTM, con el apoyo de un Comité Científico que supervisa y dirige el trabajo de investigación.

4 horas semanales

<https://mccstudy.lshtm.ac.uk/participants/>

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Especialización:2

Doctorado:3

Financiación:

University of London, Reino Unido, Apoyo financiero

Equipo: Gasparrini, A, Abrutzky, R, Guo, Y, Tobias, A, Roye, D, COLISTRO V.

Palabras clave: climate change mortality air pollutant temperature

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología ambiental

Genetic Ancestry and Breast Cancer risk in an admixed Latin America population from Uruguay (01/2007 - 12/2010)

5 horas semanales

Facultad de Medicina , Departamento de Genética

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:4

Especialización:2

Doctorado:2

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: I BARRETO , AC EGAÑA , G FIGUEIRO , R A KITTLES (Responsable) , E ROMÁN , E ACKERMANN , C BONILLA (Responsable) , CAPPETTA M , ARTAGAVEYTIA N (Responsable) , BERTONI B (Responsable) , SANS M

Palabras clave: Cancer de mamas Mapeo por mestizaje

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genetica de Poblaciones Humanas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genetica de Poblaciones

Exposición a subproductos de la desinfección del agua durante el embarazo y el bajo peso al nacer en Montevideo (09/2009 - 10/2010)

Determinar la asociación entre la exposición a trihalometanos presentes en el agua de consumo humano en mujeres embarazadas y el bajo peso al nacer del producto de la gestación en Montevideo en el bienio 2009 2010. Se plantea un estudio de cohortes prospectivo con el objetivo de estimar la incidencia de Bajo Peso al Nacer entre los nacidos de mujeres embarazadas expuestas a diferentes niveles de trihalometanos en el agua de consumo humano en la ciudad de Montevideo. La población de estudio está constituida por una muestra de las mujeres embarazadas que concurren a algunos servicios de salud de la Intendencia Municipal de Montevideo y de ASSE de la ciudad de Montevideo en el bienio 2009 2010. Una vez seleccionados los servicios de salud, se determinará un área de influencia que marque el alcance de la red bajo monitoreo en el entorno del servicio de salud correspondiente.

10 horas semanales

Facultad de Medicina - Insituto de Higiene , Departamento de Medicina Preventiva y Social

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:2

Maestría/Magister:3

Doctorado:2

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GOMEZ M (Responsable) , MACHKAR , F CANO , G SEOANE , BOTTO G. , ALEGRETTI MA (Responsable) , CURIONI N , ALEMAN A , G BITTAR , ALONSO R , UMPIERREZ E , G CASTELLANO , N VIQUE , R TORETEROLO , ALVAREZ B , BARRIOS E

Palabras clave: Trihalometanos Epidemiología ambiental Cohorte

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiologia Am

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiologia Ambiental

DOCENCIA

Curso de Metodología Científica II - Carrera de Doctor en Medicina (09/2016 - a la fecha)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Métodos Cuantitativos MCII, 30 horas, Teórico-Práctico

Investigación Biomédica ProInBio (07/2017 - a la fecha)

Maestría

Invitado
Asignaturas:
Introducción a la Bioestadística, 60 horas, Teórico-Práctico

Metodología de la Investigación Clínica y Epidemiológica (07/2021 - a la fecha)

Especialización
Invitado
Asignaturas:
Metodología de la Investigación Clínica y Epidemiológica, 10 horas, Teórico-Práctico

EXTENSIÓN

Educacion para un embarazo saludable: El ambiente y sus efectos sobre la salud (09/2009 - 12/2009)

Facultad de Medicina, Departamento de Medicina Preventiva y Social
5 horas
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Salud ambiental

GESTIÓN ACADÉMICA

Representante de los estudiantes del PEDECIBA (08/2011 - 12/2011)

PEDECIBA, Comision electoral del nuevo director del PEDECIBA
Participación en consejos y comisiones
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiologia Ambiental
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Antropologia Biologica

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Odontología / Servicio de Epidemiología y Estadística

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (10/2020 - 07/2022)

Asistente 12 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Efectivo

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - MINISTERIO DE SALUD PÚBLICA - URUGUAY

Programa de Prevencion de Enfermedades No Transmisibles /
UNICEM

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (07/2013 - 03/2017)

Research Assistante - UNICEM 15 horas semanales
Proyecto de investigacion financiado por el Banco Mundial cuyo objetivo es generar un estimativo de la Carga Global de Enfermedad (AVISA) de la poblacion uruguaya en 2012. El AVISA se define como la medida de la pérdida de salud que para una población representan las consecuencias mortales y no mortales de las diferentes enfermedades y lesiones. Este enfoque brinda un panorama general que permite comparar el peso de las enfermedades, lesiones y factores de riesgo y asimismo comprender en un grupo determinado, definido por edad y sexo, en un lugar y en un tiempo dado, cuáles son los contribuyentes más importantes a la pérdida de la salud de una población. En síntesis, actualmente, los AVISA se han consolidado como indicadores sintéticos de salud que resumen y permiten comparar el impacto de los riesgos (mortales y no mortales) entre comunidades mediante estudios de carga de enfermedad.

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Carga global de enfermedad en Uruguay (07/2013 - 12/2015)

Forme parte del equipo técnico del primer estudio de carga global de enfermedad del país, en el que realizamos el cálculo de los años perdidos a causa de muerte prematura y discapacidad para las patologías más prevalentes y los factores de riesgo presentes en la población uruguaya.

Fundamental

20 horas semanales , Integrante del equipo

Equipo: ALEGRETTI MA, ALEMAN A, CAVALLERI , COLOMAR M

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Factores de Riesgo Tabaquismo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Salud Pública y Medioambiental / Carga Global de Enfermedad

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ESPAÑA

Universidad de Santiago de Compostela

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (08/2015 - 09/2015)

Pasante 40 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

PASANTÍAS

(08/2015 - 09/2015)

Centro de Investigación en Medicina Molecular e Enfermedades Crónicas (CIMU, Grupo de Medicina Xenómica

40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Humanidades y Ciencias de la Educación

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (05/2010 - 07/2013)

Asistente Grado 2 20 horas semanales

Estudios recientes mostraron que el riesgo a cáncer colorectal (CCR) está asociado a SNPs en 5 regiones cromosómicas en el humano. Estudios de GWAS (genome-wide association studies) basados en poblaciones europeas están tratando de identificar nuevos genes involucrados en el desarrollo de este cáncer. Sin embargo, estos estudios pueden no ser suficientes para detectar todos los SNPs de CCR. La población latinoamericana, por su condición de población mestizada, representa una buena oportunidad para identificar nuevos genes candidatos. En esta investigación se llevará adelante un GWAS combinado con un Mapeo por Mestizaje (MM) en 6000 casos y 6000 controles latinoamericanos. Las variantes asociadas a la cáncer serán testeadas en 3500 casos y 3500 controles europeos. Los objetivos consisten tanto en generar un panel de SNPs asociados al cáncer que sirva como herramienta diagnóstica. El resultado de esta investigación generará beneficios a la ciencia médica.

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Efectivo

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Variabilidad en poblaciones Latinoamericanas (05/2010 - a la fecha)

El grupo aborda la tematica de la variabilidad de las poblaciones Latinoamericanas desde diversos puntos de vista. Biologica, social y cultural. El mayor enfasis esta en el estudio de la poblacion de Uruguay con consideraciones historico-demograficas que ayudan a mejor comprender y explicar los patrones observados en el presente. A nivel biológico, se buscar determinar los procesos que llevaron a las caracteristicas que se observan.

30 horas semanales

Facultad de Humanidades y Ciencias de la Educacion, Departamento de Antropologia Biologica , Integrante del equipo

Equipo: SANS M , HIDALGO P , P MUT , G FIGUEIRO , I BARRETO , COLISTRO, V , EGANA, A
Palabras clave: Bioinformatica Genomica Genetica de Poblaciones

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genetica de Poblaciones
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Antropologia Genetica

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Genetic study of Common Hereditary Bowel Cancers in Hispania and the Americas (CHIBCHA) (05/2010 - a la fecha)

Estudios recientes mostraron que el riesgo a cancer colorectal (CCR) esta asociado a SNPs en 5 regiones cromosómicas en el humano. Estudios de GWAS (genome-wide association studies) basados en poblaciones europeas están tratando de identificar nuevos genes involucrados en el desarrollo de este cáncer. Sin embargo, estos estudios pueden no ser suficientes para detectar todos los SNPs de CCR. La población latinoamericana, por su condición de población mestizada, representa una buena oportunidad para identificar nuevos genes candidatos. En esta investigación se llevará adelante un GWAS combinado con un Mapeo por Mestizaje (MM) en 6000 casos y 6000 controles latinoamericanos. Las variantes asociadas a la cáncer serán testeadas en 3500 casos y 3500 controles europeos. Los objetivos consisten tanto en generar un panel de SNPs asociados al cáncer que sirva como herramienta diagnostica. El resultado de esta investigación generará beneficios a la ciencia médica.

17 horas semanales

Facultad de Humanidades y Ciencias de la Educacion , Departalemento de Antropologia Biologica Desarrollo

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Institución del exterior, Cooperación

Equipo: SANS M (Responsable) , HIDALGO P , I TOMILNSON (Responsable) , P MUT , HOLMES, C , CARVAJAL-CARMONA, L (Responsable) , COLISTRO, V

Palabras clave: GWAS (Genome-wide association study) Mapeo por mestizaje Polimorfismo de un unico nucleotido SNP Etiologia del cancer

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Cancer

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología /

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades / Antropologia Biologica

DOCENCIA

Lic. Ciencias Antropológicas Plan Básico (03/2019 - 07/2019)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Estadística, 10 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad /

Lic. Ciencias Antropológicas Plan Básico (03/2018 - 07/2018)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Estadística, 10 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad /

PASANTÍAS

(09/2012 - a la fecha)

Wellcome Trust Centre for Human Genetics, Molecular and Population Genetics

40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Bioinformática

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/ENSEÑANZA SUPERIOR - INGLATERRA

University of Oxford

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (09/2012 - 03/2013) Trabajo relevante

Visiting student at WTCHG 40 horas semanales / Dedicación total

En el marco del proyecto de colaboración "Genetic Study of Common Hereditary Bowel Cancer in Hispania and the Americas" trabajo en colaboración con los departamentos de Molecular and Population Genetics y de Estadística de la Universidad de Oxford, con locación en Wellcome Trust Centre for Human Genetics. En la pasantía estoy aprendiendo sobre la implementación de técnicas genético-estadísticas para el análisis de datos genómicos a nivel poblaciones y la detección de regiones asociadas al cáncer en poblaciones latinoamericanas. Algunos de los objetivos del proyecto son: identificar y mapear genes que confieran riesgo a la enfermedad y que no hayan sido detectados en poblaciones europeas así como también se desarrollara un panel de marcadores para las poblaciones latinoamericanas con poder predictivo de la enfermedad y se implementará un método de mapeo de todo el genoma (GWAS) para poblaciones latinoamericanas. En este momento estamos preparando un artículo para su publicación.

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Mapeo Genico y Genética de poblaciones (09/2012 - a la fecha)

El departamento se centra en estudios genómicos que apuntan a la identificación de regiones del genoma asociadas a enfermedades con el fin de detectar nuevos genes involucrados en la etiología y desarrollo del cáncer de colon y otras enfermedades complejas. El abordaje es abarcativo, desde diferentes enfoques centrándose en el desarrollo bioinformático de herramientas para análisis de datos genómico poblacionales y en la implementación de métodos estadísticos. El grupo dirigido por Prof. Ian Tomlinson es uno de los principales grupos a nivel mundial trabajando en la caracterización genética del cáncer de colon. Trabajan en estrecha relación con el Departamento de Estadística de la Universidad de Oxford, con el Prof. Chris Holmes quien estudia la teoría, métodos y aplicaciones de la estadística genética. En el marco del proyecto CHIBCHA se han enfocado en el estudio del cáncer de colon en poblaciones latinoamericanas para poder identificar genes con bajo efecto en las poblaciones europeas y que por limitaciones de tamaños muestrales no son posibles de detectar en Europa. Mi pasantía en el grupo tiene como objetivos formarme en las metodologías estadísticas y técnicas bioinformática para el análisis de datos de secuenciación de genomas enteros en grupos poblacionales diversos, con historias de mestizaje, como lo son las poblaciones latinoamericanas y como lo es la población uruguaya.

40 horas semanales

Wellcome Trust Centre for Human Genetics, Molecular and Population Genetics , Integrante del equipo

Equipo: SANS M , HIDALGO P , P MUT , TOMLINSON, I , HOLMES, C , CARVAJAL-CARMONA, L

Palabras clave: Bioinformática Genómica Genética estadística

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genética de poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Genetic study of Common Hereditary Bowel Cancers in Hispania and the Americas (09/2012 - a la fecha)

Colorectal cancer (CRC) is common in both sexes, has relatively poor outcome and has no major avoidable risk factor. Recent studies have shown that common inherited single nucleotide polymorphisms (SNPs) can increase cancer risk. We have shown CRC risk to be associated with SNPs on chromosomes 8q23.3, 8q24.21, 10p14, 11q23.1, 15q14 and 18q21. These variants account for less than 5% of the genetic risk of CRC, but will be very important when their effects are added to those of other, as-yet undetected CRC SNPs. A few genome-wide association studies (GWASs) based on populations of European descent are trying to identify the remaining common CRC genes. Evidence suggests that these studies will not be large enough on their own to detect all CRC SNPs, as: relative risks associated with most SNPs are modest; some disease alleles are rare, at least in Europe; and many variants may lie outside conventional gene boundaries or haplotype blocks. The admixed LA population provides an exciting opportunity to identify new CRC genes that are more tractable to detection in LA, or have been missed by chance in European studies. We shall undertake a combined GWAS and admixture mapping study for CRC predisposition genes in 6,000 LA cases and 6,000 controls. We shall test the disease-associated variants in 3,500 cases and 3,500 controls from Europe. We aim primarily to detect SNPs with effects in both LA and Europe, but also SNPs with effects specific to LA. Eventually, we aim to develop a polymorphism panel for predicting the risk of CRC in the general population, so that those at increased risk can be offered effective measures to prevent cancer. CRC is increasing in frequency in LA and prognosis is poorer than in Europe. We shall use our project as a focus for education about CRC, especially in LA. The study will also provide training for young LA researchers. Our work will provide a direct benefit to medical science and the populations of LA and Europe.

40 horas semanales

Wellcome Trust Centre for Human Genetics, Molecular and Population Genetics

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:2

Financiación:

Institución del exterior, Cooperación

Equipo: SANS M (Responsable), HIDALGO P, P MUT, TOMLINSON, I (Responsable), HOLMES, C (Responsable), CARVAJAL-CARMONA, L, COLISTRO, V

Palabras clave: Genómica Cancer de colon Mapeo por mestizaje GWAS

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

PASANTÍAS

(09/2012 - a la fecha)

Wellcome Trust Centre for Human Genetics, Molecular and Population Genetics

40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Bioinformática

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 15 horas

Carga horaria de investigación: 25 horas

Carga horaria de formación RRHH: 5 horas

Carga horaria de extensión: 2 horas

Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

Mi principal interés se centra en el estudio de los factores asociados a patologías humanas. En particular, la variabilidad genética de las poblaciones humanas, especialmente en poblaciones latinoamericanas y el vínculo con la prevalencia de enfermedades genéticas complejas. Mi trabajo

tiene una fuerte base estadística y mi principal tarea es el análisis de bases de datos. Durante mi formación de posgrado prioricé cursos y talleres que me ayudaran a desempeñarme con fluidez en el campo bioinformático, pudiendo hoy en día enfrentar el desafío de extraer la información almacenada en bases de datos de gran tamaño. En el área de la Epidemiología Genética mi objetivo es estudiar los patrones de variación del genoma humano dado su interés biológico y su capacidad de detectar situaciones no observables a nivel individual. El objetivo de mi investigación es analizar los factores genéticos y evolutivos que determinan la variación genómica entre poblaciones humanas dentro e intra continentales y la interacción con factores ambientales y clínicos que condicionan la presentación, severidad y desarrollo de la patología. Estudiamos la diversidad genética por medio de la utilización de colecciones de muestras de ADN y de diversas herramientas tanto estadísticas como bioinformáticas y de la genética de poblaciones. Estos estudios se ven enriquecidos con la disponibilidad pública de los secuenciamientos y genotipados que nutren las bases de datos. El análisis de la diversidad genómica tiene como fin entender los mecanismos genéticos de los factores microevolutivos que actúan sobre las poblaciones humanas (mutación, migración, selección y crecimiento expansivo), para utilizar los efectos de la demografía en el mapeo de variaciones funcionales, es decir, en la búsqueda de posibles genes candidatos a enfermedades multifactoriales con cierto componente genético. Quisiera destacar la importancia de combinar los resultados del estudio del pasado demográfico y genéticos de las poblaciones con los efectos de la demografía sobre las estimaciones de desequilibrio de ligamiento, para poder colaborar con estudios genético-epidemiológicos de mapeo. El mapeo hace posible identificar regiones del genomas con potencial efecto sobre el origen y el desarrollo de enfermedades como el cáncer. En las últimas dos décadas se han sucedido un gran número de estos estudios y han abierto las puertas para mejor comprender la etiología y proliferación de enfermedades. Esto está posibilitando a su vez optar por estrategias de prevención y de difusión a nivel de sistemas de salud en varios países.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Mortality burden and economic loss attributable to cold and heat in Central and South America (Completo, 2024)

AURELIO TOBIÁS, CARMEN ÍÑIGUEZ, MAGALI HURTADO DÍAZ, HORACIO RIOJAS, LUIS ABDON CIFUENTES, DOMINIC ROYÉ, ROSANA ABRUTZKY, MICHELINE DE SOUSA ZANOTTI STAGLIORIO COELHO, PAULO HILARIO NASCIMENTO SALDIVA, NICOLÁS VALDÉS ORTEGA, PATRICIA MATUS CORREA, SAMUEL OSORIO, GABRIEL CARRASCO, VALENTINA COLISTRO, MATHILDE PASCAL, OLIVIER CHANEL, LINA MADANIYAZI, ANTONIO GASPARRINI

Environmental Epidemiology, v.: 8 p.:1 - 6, 2024

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 24747882

DOI: [10.1097/ee9.0000000000000335](https://doi.org/10.1097/ee9.0000000000000335)

<http://dx.doi.org/10.1097/ee9.0000000000000335>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Health and Economic Benefits of Complying With the World Health Organization Air Quality Guidelines for Particulate Matter in Nine Major Latin American Cities (Completo, 2024)

LINA MADANIYAZI, JEFFERSON ALPÍZAR, LUIS ABDÓN CIFUENTES, HORACIO RIOJAS-RODRÍGUEZ, MAGALI HURTADO DÍAZ, MICHELINE DE SOUSA ZANOTTI STAGLIORIO COELHO, ROSANA ABRUTZKY, SAMUEL OSORIO, GABRIEL CARRASCO ESCOBAR, NICOLÁS VALDÉS ORTEGA, VALENTINA COLISTRO, DOMINIC ROYE, AURELIO TOBIÁS

International Journal of Public Health, v.: 69 2024

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 16618564

DOI: [10.3389/ijph.2024.1606909](https://doi.org/10.3389/ijph.2024.1606909)

<http://dx.doi.org/10.3389/ijph.2024.1606909>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Comparison for the effects of different components of temperature variability on mortality: A multi-country time-series study (Completo, 2024)

BO WEN, YAO WU, YUMING GUO, ANTONIO GASPARRINI, SHILU TONG, ALA OVERCENCO, ALE? URBAN, ALEXANDRA SCHNEIDER, ALIREZA ENTEZARI, ANA MARIA VICEDO-

CABRERA, ANTONELLA ZANOBETTI, ANTONIS ANALITIS, ARIANA ZEKA, AURELIO TOBIAS, BALTAZAR NUNES, BARRAK ALAHMAD, BEN ARMSTRONG, BERTIL FORSBERG, SHIH-CHUN PAN, CARMEN ÍÑIGUEZ, CAROLINE AMELING, CÉSAR DE LA CRUZ VALENCIA, CHRISTOFER ÅSTRÖM, DANNY HOUTHUIJS, DO VAN DUNG, DOMINIC ROYÉ, ENE INDERMITTE, ERIC LAVIGNE, FATEMEH MAYVANEH, FIORELLA ACQUAOTTA, FRANCESCA DE?DONATO, SHILPA RAO, FRANCESCO SERA, GABRIEL CARRASCO-ESCOBAR, HAIDONG KAN, HANS ORRU, HO KIM, IULIAN-HORIA HOLOBACA, JAN KYSELÝ, JOANA MADUREIRA, JOEL SCHWARTZ, JOUNI J.K. JAAKKOLA, KLEA KATSOUYANNI, MAGALI HURTADO DIAZ, MARTINA S. RAGETTLI, MASAHIRO HASHIZUME, MATHILDE PASCAL, MICHELINE DE SOUSA ZANOTTI STAGLIORIO COÉLHO, NICOLÁS VALDÉS ORTEGA, NIILU RYTI, NOAH SCOVRONICK, PAOLA MICHELOZZI, PATRICIA MATUS CORREA, PATRICK GOODMAN, PAULO HILARIO NASCIMENTO SALDIVA, RAANAN RAZ, ROSANA ABRUTZKY, SAMUEL OSORIO, TRAN NGOC DANG, VALENTINA COLISTRO, VERONIKA HUBER, WHANHEE LEE, XERXES SEPOSO, YASUSHI HONDA, YOONHEE KIM, YUE LEON GUO, MICHELLE L. BELL, SHANSHAN LI

Environment International, v.: 187 p.:108712 2024

Lugar de publicación: United kingdom

ISSN: 01604120

DOI: [10.1016/j.envint.2024.108712](https://doi.org/10.1016/j.envint.2024.108712)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.envint.2024.108712>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Temperature frequency and mortality: Assessing adaptation to local temperature (Completo, 2024)

YAO WU, BO WEN, ANTONIO GASPARRINI, BEN ARMSTRONG, FRANCESCO SERA, ERIC LAVIGNE, SHANSHAN LI, YUMING GUO, ALA OVERCENCO, ALE? URBAN, ALEXANDRA SCHNEIDER, ALIREZA ENTEZARI, ANA MARIA VICEDO-CABRERA, ANTONELLA ZANOBETTI, ANTONIS ANALITIS, ARIANA ZEKA, AURELIO TOBIAS, BALTAZAR NUNES, BARRAK ALAHMAD, BERTIL FORSBERG, CARMEN ÍÑIGUEZ, CAROLINE AMELING, CÉSAR DE LA CRUZ VALENCIA, DANNY HOUTHUIJS, DO VAN DUNG, DOMINIC ROYE, ENE INDERMITTE, FATEMEH MAYVANEH, FIORELLA ACQUAOTTA, FRANCESCA DE?DONATO, GABRIEL CARRASCO-ESCOBAR, HAIDONG KAN, HANNE KRAGE CARLSEN, HANS ORRU, HO KIM, IULIAN-HORIA HOLOBACA, JAN KYSELÝ, JOANA MADUREIRA, JOEL SCHWARTZ, JOUNI J.K. JAAKKOLA, KLEA KATSOUYANNI, MAGALI HURTADO DIAZ, MARTINA S. RAGETTLI, MASAHIRO HASHIZUME, MATHILDE PASCAL, MICHELINE DE SOUSA ZANOTTI STAGLIORIO COELHO, NICOLÁS VALDÉS ORTEGA, NIILU RYTI, NOAH SCOVRONICK, PAOLA MICHELOZZI, PATRICIA MATUS CORREA, PATRICK GOODMAN, PAULO HILARIO NASCIMENTO SALDIVA, RAANAN RAZ, ROSANA ABRUTZKY, SAMUEL OSORIO, SHIH-CHUN PAN, SHILPA RAO, SHILU TONG, SOUZANA ACHILLEOS, TRAN NGOC DANG, VALENTINA COLISTRO, VERONIKA HUBER, WHANHEE LEE, XERXES SEPOSO, YASUSHI HONDA, YOONHEE KIM, YUE LEON GUO, SHANSHAN LI, YUMING GUO

Environment International, v.: 187 p.:108691 2024

Lugar de publicación: United kingdom

ISSN: 01604120

DOI: [10.1016/j.envint.2024.108691](https://doi.org/10.1016/j.envint.2024.108691)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.envint.2024.108691>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Regional variation in the role of humidity on city-level heat-related mortality (Completo, 2024)

QIANG GUO, MALCOLM N MISTRY, XUDONG ZHOU, GANG ZHAO, KANON KINO, BO WEN, KEI YOSHIMURA, YUSUKE SATOH, IVANA CVIJANOVIC, YOONHEE KIM, CHRIS FOOK SHENG NG, ANA M VICEDO-CABRERA, BEN ARMSTRONG, ALE? URBAN, KLEA KATSOUYANNI, PIERRE MASSELOT, SHILU TONG, FRANCESCO SERA, VERONIKA HUBER, MICHELLE L BELL, JAN KYSELÝ, ANTONIO GASPARRINI, MASAHIRO HASHIZUME, TAIKAN OKI, UNDEFINED UNDEFINED, ROSANA ABRUTZKY, YUMING GUO, MICHELINE DE SOUSA ZANOTTI STAGLIORIO COELHO, PAULO HILARIO NASCIMENTO SALDIVA, ERIC LAVIGNE, NICOLÁS VALDÉS ORTEGA, PATRICIA MATUS CORREA, HAIDONG KAN, SAMUEL OSORIO, DOMINIC ROYE, ENE INDERMITTE, HANS ORRU, JOUNI J K JAAKKOLA, NIILU RYTI, MATHILDE PASCAL, ALEXANDRA SCHNEIDER, ANTONIS ANALITIS, ALIREZA ENTEZARI, FATEMEH MAYVANEH, ARIANA ZEKA, PATRICK GOODMAN, FRANCESCA DE?DONATO, PAOLA MICHELOZZI, BARRAK ALAHMAD, CÉSAR DE LA CRUZ VALENCIA, MAGALI HURTADO DIAZ, ALA OVERCENCO, CAROLINE AMELING, DANNY HOUTHUIJS, SHILPA RAO, GABRIEL CARRASCO, XERXES SEPOSO, JOANA MADUREIRA, SUSANA DAS NEVES PEREIRA DA SILVA, IULIAN-HORIA HOLOBACA, FIORELLA ACQUAOTTA, NOAH SCOVRONICK, HO KIM, WHANHEE LEE, AURELIO TOBIAS, CARMEN ÍÑIGUEZ, BERTIL

FORSBERG , MARTINA S RAGETTLI , SHIH-CHUN PAN , YUE LEON GUO , SHANSHAN LI ,
ROCHELLE SCHNEIDER , VALENTINA COLISTRO , ANTONELLA ZANOBETTI , JOEL
SCHWARTZ , DO VAN DUNG , TRAN NGOC DANG , YASUSHI HONDA

PNAS Nexus, v.: 3 2024

E-ISSN: 27526542

DOI: [10.1093/pnasnexus/pgae290](https://doi.org/10.1093/pnasnexus/pgae290)

<http://dx.doi.org/10.1093/pnasnexus/pgae290>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Associations Between Extreme Temperatures and Cardiovascular Cause-Specific Mortality: Results From 27 Countries (Completo, 2023)

Alahmad, B , Khraishah, H , Royé, D , Vicedo-Cabrera, AM , Guo, y , COLISTRO V. , Gasparrini, A ,
Koutrakis, P

Circulation, 2023

Palabras clave: climate change cold temperature heart failure heat stroke myocardial ischemia hot
temperature

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 15244539

DOI: [10.1161/CIRCULATIONAHA.122.061832](https://doi.org/10.1161/CIRCULATIONAHA.122.061832)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/36503273>

Este artículo es producto de una colaboración multicéntrica y cuenta con más de 30 autores. A
efectos del CVuy indiqué lo primeros 5, mi nombre y los últimos dos.

Scopus®

Periodontitis prevalence and associated factors: a comparison of two examination protocols. (Completo, 2022)

Lorenzo S. , Andrade E , Massa F. , COLISTRO V. , Asquino N. , Moliterno P.

Acta Odontológica Latinoamericana, v.: 35 3 , p.:178 - 187, 2022

Palabras clave: cross-sectional studies non-communicable diseases periodontal index periodontitis
risk factors

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Argentina

E-ISSN: 18524834

DOI: <https://doi.org/10.54589/aol.35/3/178>

<https://actaodontologica.com/vol-35-issue-3-december-2022/>

latindex

Global, regional, and national burden of mortality associated with short-term temperature variability from 2000-19: a three-stage modelling study (Completo, 2022)

Wu, Y , Li S , Zhao, Q , Wen, B , Gasparrini, A , COLISTRO V. , Bell, ML , Guo, Y

The Lancet Planetary Health, v.: 6 5 , p.:410 - 421, 2022

Palabras clave: short-term temperature burden of mortality

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 25425196

DOI: [https://doi.org/10.1016/S2542-5196\(22\)00073-0](https://doi.org/10.1016/S2542-5196(22)00073-0)

<https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S2542519622000730>

Este artículo cuenta con una larga lista de autores, ya que es productor de una cooperación
internacional multicéntrica. En este casi nombro a los primero cinco, a mi y los dos últimos.

Scopus®

Cesarean section in Uruguay from 2008 to 2018: country analysis based on the Robson classification. An observational study. (Completo, 2022)

COLOMAR M , COLISTRO V. , De Francisco LA , De Mucio B , Serruya S

BMC Pregnancy and Childbirth, v.: 1 471 , 2022

Palabras clave: Uruguay Cesarean section Robson classification

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 14712393

DOI: [10.1186/s12884-022-04792-y](https://doi.org/10.1186/s12884-022-04792-y)

<https://bmcpregnancychildbirth.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12884-022-04792-y>

Scopus®

Predicting severe maternal outcomes in a network of sentinel sites in Latin?American countries (Completo, 2022)

International Journal of Gynecology & Obstetrics, v.: 160 p.:939 - 946, 2022
Palabras clave: Latin-America Maternal Near Miss Potentially Life-Threatening Conditions Severe Maternal Outcomes.
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: United kingdom
ISSN: 00207292
E-ISSN: 18793479
DOI: [10.1002/ijgo.14436](https://doi.org/10.1002/ijgo.14436)
<http://dx.doi.org/10.1002/ijgo.14436>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Comparison of weather station and climate reanalysis data for modelling temperature-related mortality (Completo, 2022)

Mistry, M , Schneider, R , Masselot, P , Royé, D , Armstrong, B , COLISTRO V. , Vicedo?Cabrera, AM , Gasparrini, A
Scientific Reports, 2022
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 20452322
DOI: [10.1038/s41598-022-09049-4](https://doi.org/10.1038/s41598-022-09049-4)
<https://www.nature.com/articles/s41598-022-09049-4>
Este artículo es producto de una colaboración multicéntrica y cuenta con más de 30 autores. A efectos del CVuy indiqué lo primeros 5, a mí y los últimos dos.
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Cáncer colorrectal. Variantes génicas en la vía de señalización BMP y ancestría en población mexicana (Completo, 2022)

Gaceta Médica de México, v.: 158 2022
Palabras clave: Colorectal cancer Association study Mexico Bone morphogenetic proteins SNPs
Lugar de publicación: Mexico
ISSN: 00163813
DOI: [10.24875/gmm.22000185](https://doi.org/10.24875/gmm.22000185)
<http://dx.doi.org/10.24875/gmm.22000185>
WEB OF SCIENCE™ Scopus® Latindex

Fluctuating temperature modifies heat-mortality association around the globe (Completo, 2022)


The Innovation, v.: 3 2 , p.:100225 2022
Palabras clave: Mortalidad Calor variabilidad temperatura
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 26666758
DOI: [10.1016/j.xinn.2022.100225](https://doi.org/10.1016/j.xinn.2022.100225)
<http://dx.doi.org/10.1016/j.xinn.2022.100225>
Este trabajo es producto de una cooperación multicéntrica y cuenta con 60 coautores. En este caso nombro a los primeros cinco y a mí.
WEB OF SCIENCE™

Mortality risk attributable to wildfire-related PM2-5 pollution: a global time series study in 749 locations (Completo, 2021)


Chen G , Guo Y , Yue X , Tong S , Gasparrini A , COLISTRO V. , Samet, JM , Li, S
The Lancet Public Health, v.: 5 9 , p.:579 - 587, 2021
Palabras clave: Time series Mortality risk Pollution
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Salud y ambiente
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 24682667
DOI: [10.1016/S2542-5196\(21\)00200-X](https://doi.org/10.1016/S2542-5196(21)00200-X)
[https://www.thelancet.com/journals/lanplh/article/PIIS2542-5196\(21\)00200-X/fulltext](https://www.thelancet.com/journals/lanplh/article/PIIS2542-5196(21)00200-X/fulltext)
Esta publicación es producto de un trabajo de cooperación multicéntrica, el trabajo cuenta con más de 20 coautores. A efectos del CVuy mencioné a los primeros 5, a mí y los últimos 2 coautores
Scopus®

Relationship between maternal beef consumption during pregnancy and umbilical cord ferritin concentration (Completo, 2021)


Moares M. , Castedo F. , Ceriani F. , Fares N. , Herrera T. , Ferreira Vaz C. , Arocena E. , Girona A. ,

Cavalleri F., COLISTRO V., Borbonet Daniel
Archivos de Pediatría del Uruguay, v.: 92 2, 2021
Palabras clave: Embarazo Diet?tica Ferritina D?ficit de Hierro Recién Nacido
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Medicina Básica / Neonatología
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 16881249
DOI: <http://dx.doi.org/10.31134/ap.92.2.3>
http://www.scielo.edu.uy/scielo.php?pid=S1688-12492021000301210&script=sci_arttext&lng=pt#aff9


Global, regional, and national burden of mortality associated with non-optimal ambient temperatures from 2000 to 2019: a three-stage modelling study (Completo, 2021)

Zhao, Q., Guo, Y., Ye, T., Gasparri, A., Tong, S., COLISTRO V.
The Lancet Public Health, v.: 5 7, p.:415 - 425, 2021
Palabras clave: Global warming Mortality rates Non-optimal temperatures
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología Ambiental
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Reino Unido
ISSN: 24682667
DOI: [10.1016/S2542-5196\(21\)00081-4](https://doi.org/10.1016/S2542-5196(21)00081-4)
[https://www.thelancet.com/journals/lanplh/article/PIIS2542-5196\(21\)00081-4/fulltext](https://www.thelancet.com/journals/lanplh/article/PIIS2542-5196(21)00081-4/fulltext)
El artículo tiene 68 co-autores de diversos centros de investigación de más de 10 países, a efectos de esta presentación nombro a los primeros 5 y a mi.


Dyslipidemia, Obesity, and Ethnicity in Mexican Children (Completo, 2021)

Costa-Urrutia, P., COLISTRO V., Franco-Trecu, V., Granados, J., Alvarez-Fariña, R., Rodriguez-Arellano, ME
International Journal of Environmental Research and Public Health, v.: 18 23, 2021
Palabras clave: Mexican; children dyslipidemias obesity ethnicity lipid
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 16604601
DOI: [10.3390/ijerph182312659](https://doi.org/10.3390/ijerph182312659)
<https://www.mdpi.com/journal/ijerph>


A cross-sectional analysis of meteorological factors and SARS-CoV-2 transmission in 409 cities across 26 countries (Completo, 2021)

Nature Communications, v.: 12 1, 2021
Palabras clave: cross-sectional Multicentric SARS-COV-2 meteorological factors
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: United kingdom
E-ISSN: 20411723
DOI: [10.1038/s41467-021-25914-8](https://doi.org/10.1038/s41467-021-25914-8)
<http://dx.doi.org/10.1038/s41467-021-25914-8>
El artículo tiene gran cantidad de co-autores de diversos centros de investigación de más de 10 países.


Geographical Variations of the Minimum Mortality Temperature at a Global Scale (Completo, 2021)

Environmental Epidemiology, v.: 5 5, p.:169 2021
Palabras clave: Minimum mortality temperature Climate Adaptation Time-series Multi-city Multi-country Distributed lag nonlinear models
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Salud y Ambiente
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 24747882
DOI: [10.1097/ee9.000000000000169](https://doi.org/10.1097/ee9.000000000000169)
<http://dx.doi.org/10.1097/ee9.000000000000169>
El artículo tiene una larga lista de co-autores de diversos centros de investigación de más de 10

países, a efectos de esta presentación nombro a los primeros 5, a mí y los dos últimos.

Population structure and relatedness estimates in a Mexican sample (Completo, 2021) Trabajo relevante

COLISTRO V. , Rojas-Martinez A. , Carracedo A. , Tomlinson I. , Carvajal-Carmona L. , Cruz, R , SANS, M.

Annals of Human Genetics, p.:1 - 4, 2021

Palabras clave: Admixed population Population stratification identity-by-descent

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: UK

ISSN: 00034800

E-ISSN: 14691809

DOI: <https://doi.org/10.1111/ahg.12421>

<https://onlinelibrary.wiley.com/doi/epdf/10.1111/ahg.12421>

Scopus

Effect of 15 BMI-Associated Polymorphisms, Reported for Europeans, across Ethnicities and Degrees of Amerindian Ancestry in Mexican Children. (Completo, 2020)

Paula Costa-Urrutia , C. ABUD , FRANCO-TRECU, V. , COLISTRO V. , rodriguez arellano, ME , Alvarez-Fariña R. , Acuña Alonso, V. , B. BERTONI , Granados, J

International Journal of Molecular Sciences, v.: 21 2 , p.:374 2020

Palabras clave: genetic susceptibility; Amerindian ancestry BMI Childhood obesity

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología Genética

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 14220067

DOI: <https://doi.org/10.3390/ijms21020374>

<https://www.mdpi.com/1422-0067/21/2/374>

Scopus

Predictive value of blood measurement of Complement System proteins and metabolic components for early detection of obstetric complications linked to poor placental function (Completo, 2020)

CORREA N. , ARBILDI P. , SÓÑORA C. , LÓPEZ V. , RODRIGUEZ-CAMEJO C , COLISTRO V. , Valentina Zubiaurre , CORA M. , SOSA L. , HERNANDEZ A.

Placenta, v.: 101 p.:45 - 48, 2020

Palabras clave: Obstetric complications Immunological markers Complement System C reactive protein Lipid markers

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Inmunología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 01434004

E-ISSN: 15323102

DOI: <https://doi.org/10.1016/j.placenta.2020.09.005>

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0143400420302903?via%3Dihub>

WEB OF SCIENCE™ Scopus

Differential admixture in Latin American populations and its impact on the study of colorectal cancer (Completo, 2020) Trabajo relevante

COLISTRO V. , MUT P. , Hidalgo P. , Carracedo A. , Quintela I. , Rojas-Martinez A. , SANS, M.

Genetics and Molecular Biology, v.: 43 4 , 2020

Palabras clave: Admixture genetic ancestry heterozygosity Latin American populations

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Brasil

ISSN: 14154757

E-ISSN: 16784685

DOI: <https://doi.org/10.1590/1678-4685-GMB-2020-0143>

<https://www.scielo.br/pdf/gmb/v43n4/1415-4757-GMB-43-4-e20200143.pdf>

Scopus SciELO latindex

Immune profiling of breast milk from mothers with treated celiac disease. (Completo, 2020)

Villamil E., Rodriguez-Camejo C., Puyol A., Fazio L., COLISTRO V., HERNANDEZ A.
Pediatric Research, 2020
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 00313998
E-ISSN: 15300447
DOI: doi.org/10.1038/s41390-020-0901-y
<https://www.nature.com/articles/s41390-020-0901-y>

Scopus[®]

Genomic Diversity in Sporadic Breast Cancer in a Latin American Population (Completo, 2020)

Brignoni L., CAPPETTA M., COLISTRO V., SANS, M., ARTAGAVEYTIA N., CAROLINA BONILLA, B. BERTONI
Genes, v.: 11 11, p.:1 - 12, 2020
Palabras clave: Cáncer de mama Genética de Poblaciones Latinoamérica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genética Humana
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Suiza
E-ISSN: 20734425
DOI: [10.3390/genes11111272](https://doi.org/10.3390/genes11111272)
<https://www.mdpi.com/2073-4425/11/11/1272/htm>

Scopus[®]

Análisis de la vía del parto en los diferentes escenarios asistenciales en Uruguay (Completo, 2019)

BRIOZZO, L., Tomasso, G., COLISTRO V.
Revista Médica del Uruguay, v.: 35 2, p.:94 - 104, 2019
Palabras clave: Parto Cesarea Prevalncia Clasificacion de Robson Servicios de Salud
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Uruguay
ISSN: 03033295
E-ISSN: 16880390
DOI: [10.29193/RMU.35.2.1](https://doi.org/10.29193/RMU.35.2.1)
<http://www.rmu.org.uy/revista/proximo/>

WEB OF SCIENCE[™]  

Genome-Wide Association Study of Body Mass Index and Body Fat in Mexican-Mestizo Children (Completo, 2019) Trabajo relevante

Paula Costa-Urrutia, COLISTRO V., Jiménez Osorio A., Cárdenas Hernández H., Solares-Tlapechco J., Ramirez-Alcántara M., Granados J., Ascencio-Montiel I., Rodríguez-Arellano ME.
Genes, v.: 10 2019
Palabras clave: GWAS IMC Percent of body fatchildhood
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 20734425
DOI: [10.3390/genes10110945](https://doi.org/10.3390/genes10110945)
<https://www.mdpi.com/2073-4425/10/11/945>

WEB OF SCIENCE[™] 

Effect of multi-component school-based program on body mass index, cardiovascular and diabetes risks in a multi-ethnic study (Completo, 2019)

Paula Costa-Urrutia, Alvarez-Fariña R., C. ABUD, FRANCO-TRECU, V., Esparza-Romero J., López-Morales CM., Rodríguez-Arellano ME., Valle Leal J., COLISTRO V., Granados J.
BMC Pediatrics, v.: 19 401, 2019
Palabras clave: Childhood obesity Ethnic groups BMI diabetes risk Cardiovascular risk
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 14712431

DOI: [10.1186/s12887-019-1787-x](https://doi.org/10.1186/s12887-019-1787-x)

<https://bmcpediatr.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12887-019-1787-x>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

IL28B gene polymorphism rs12979860, but not rs8099917, contributes to the occurrence of chronic HCV infection in Uruguayan patients (Completo, 2018)

Eceverria N, Chiodi D, López P, Sanchez A, Angulo J, Lopez-Lastra M, Silvera P, Canavesi A, Bianchi C, COLISTRO V., CRISTINA, J., Hernandez N, Moreno P

Virology Journal, v.: 15 40, 2018

Palabras clave: rs12979860 rs8099917 Hepatitis C Genotypic distribution

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Virología

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 1743422X

DOI: <https://doi.org/10.1186/s12985-018-0946-2>

<https://link.springer.com/content/pdf/10.1186/s12985-018-0946-2.pdf>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Global burden of disease among teenagers in Uruguay and its comparison with Latin America and the Caribbean (Completo, 2018)

A ALEMAN / Riganti AA, COLISTRO V., COLOMAR M, Cavalleri F., Alegretti, M, Buglioli, M

Ciencia & Saude Coletiva, v.: 9 p.:2813 - 2820, 2018

Palabras clave: Global Burden Uruguay Comparison study Latinamerican

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Brasil

ISSN: 16784561

E-ISSN: 14138123

DOI: <https://doi.org/10.1590/1413-81232018239.13702018>

<https://cienciaesaudecoletiva.com.br/>

WEB OF SCIENCE™ latindex

Genetic susceptibility to pre diabetes mellitus and related association with obesity and physical fitness components in Mexican-Mestizos (Completo, 2018)

Costa-Urrutia P, Abud C, Franco-Trecu V, COLISTRO V., Rodriguez-Arellano, ME, Granados, J, Seelaender, M

Primary Care Diabetes, 2018

Palabras clave: Genetic susceptibility Gene-environment interaction Pre-diabetes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 17519918

DOI: <https://doi.org/10.1016/j.pcd.2018.07.005>

[https://www.primary-care-diabetes.com/article/S1751-9918\(18\)30198-0/abstract](https://www.primary-care-diabetes.com/article/S1751-9918(18)30198-0/abstract)

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Genetic Obesity Risk and Attenuation Effect of Physical Fitness in Mexican-Mestizo Population: a Case-Control Study (Completo, 2017)

COSTA-URRUTIA P, ABUD C, FRANCO-TRECU V, COLISTRO V., RODRIGUEZ-ARELLANO ME, VAZQUEZ-PEREZ J, GRANADOS J, SEELAENDER M

Annals of Human Genetics, v.: 81 3, p.:106 - 116, 2017

Palabras clave: SNP Obesidad Resistencia muscular

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: London

E-ISSN: 14691809

DOI: <https://doi.org/10.1111/ahg.12190>

<https://onlinelibrary.wiley.com/doi/abs/10.1111/ahg.12190>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Smoking prevalence and attributable disease burden in 195 countries and territories, 1990-2015: a

systematic analysis from the Global Burden of Disease Study 2015. (Completo, 2017)

Reitsma, MB, Fullman, N, Ng, M., Salama, J, Abajobir, A, ALEMAN A, CAVALLERI, COLISTRO V., COLOMAR M

The Lancet, v.: 389 10082, p.:1885 - 1906, 2017

Palabras clave: Carga Global Tabaquismo Analisis Sistemático

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: London

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(17\)30819-X](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(17)30819-X)

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC5439023/pdf/main.pdf>

Este artículo es el resultado de un trabajo de colaboración con investigadores de diversos centros coordinado por el Institute for Health Metrics and Evaluation de la Universidad de Washington. En este caso se citan únicamente los primeros cinco investigadores y las 4 investigadoras de Uruguay (en orden alfabético ya que así es como figuran en el artículo).

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Melanoma, ancestry and MC1R variants in the Uruguayan admixed population (Completo, 2016)

HOCHMANN J, CAPPETTA M, PEREZ J, COLISTRO V., NICOLETTI S, LARRE BORGES A, RIBAS G, BERTONI B, MARTINEZ ASUAGA M

Journal of Basic and Applied Genetics, v.: XXVII I, p.:7 - 18, 2016

Palabras clave: Melanoma Suceptibility Melanocortin 1 receptor gene Red hair Color Uruguayan population

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiologia Genética

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 16660390

E-ISSN: 18526233

Malignant melanoma (MM) is the most dangerous type of skin cancer and the main cause of death produced by skin diseases. In Uruguay, the incidence rate is 3.8/100,000, one of the highest in Latin America. We analyzed the contribution of ancestry and MC1R as a candidate gene for sporadic melanoma in Uruguay. Our objective was to investigate the possible associations between ancestry and the MC1R gene with sporadic melanoma in the Uruguayan population. To that end, one hundred patients with sporadic MM and 107 controls were recruited. Phenotypic factors and lifestyle were evaluated as risk factors. At the same time, we analyzed five ancestry informative markers, the MC1R variants (R151, R160 and D294H) and five tag-SNPs. Phototype, atypical nevi, sunburns and recreational exposure were the main risk factors for MM in the Uruguayan population. We confirmed 16q as a candidate region for MM. R151C, and R160W showed an important association with risk of melanoma (OR= 3.85, P= 1 x 10⁻²; OR= 10.15, P= 7 x 10⁻³, respectively). Furthermore, three novel MC1R haplotypes from the promoter region were detected, and the two most common haplotypes for the coding region were different to the ones found in Europeans through HapMap. However, MC1R coding region haplotypes revealed a highly similar frequency to that of the Spanish population. Our results showed that the chromosomal 16q region confers susceptibility to MM risk in the Uruguayan population. In addition, the admixed genome structure of the MC1R region could be part of the explanation of melanoma etiology.

Scopus® [latindex](#)

Global, regional, and national levels of maternal mortality, 1990-2015: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2015. (Completo, 2016)

CAVALLERI, COLISTRO V.

The Lancet, v.: 388 1053, p.:1775 - 1812, 2016

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Mortalidad materna

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Inglaterra

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(16\)31470-2](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(16)31470-2)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0140673616314702>

Este trabajo es el resultado de un trabajo de colaboración con el Institute of Health Metrics and

Economics. El artículo cuenta con una extensa lista de co-autores (mas de 700). A los efectos del CVuy registro solo los co-autores del equipo de investigación de Uruguay.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Global, regional, and national disability-adjusted life-years (DALYs) for 315 diseases and injuries and healthy life expectancy (HALE), 1990-2015: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2015. (Completo, 2016)

ALEMÁN A, ALEGRETTI MA, COLISTRO V., COLOMAR M, CAVALLERI

The Lancet, v.: 388 10053, p.:1603 - 1658, 2016

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Años de vida ajustados por discapacidad

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Inglaterra

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(16\)31460-X](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(16)31460-X)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S014067361631460X>

Este trabajo es el resultado de un trabajo de colaboración con el Institute of Health Metrics and Economics. El artículo cuenta con una extensa lista de co-autores (mas de 700). A los efectos del CVuy registro solo los co-autores del equipo de investigación de Uruguay.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Global, regional, and national life expectancy, all-cause mortality, and cause-specific mortality for 249 causes of death, 1980-2015: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2015 (Completo, 2016)

ALEGRETTI MA, ALEMÁN A, CAVALLERI, COLISTRO V., COLOMAR M

The Lancet, v.: 388 10053, p.:1459 - 1544, 2016

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Expectativa de vida

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Inglaterra

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(16\)31012-1](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(16)31012-1)

[http://www.thelancet.com/journals/lancet/article/PIIS0140-6736\(16\)31012-1/abstract](http://www.thelancet.com/journals/lancet/article/PIIS0140-6736(16)31012-1/abstract)

Este trabajo es el resultado de un trabajo de colaboración con el Institute of Health Metrics and Economics. El artículo cuenta con una extensa lista de co-autores (mas de 700). A los efectos del CVuy registro solo los co-autores del equipo de investigación de Uruguay.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Global, regional, and national incidence, prevalence, and years lived with disability for 301 acute and chronic diseases and injuries in 188 countries, 1990-2013: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2013 (Completo, 2015) Trabajo relevante

ALEMÁN A, COLISTRO V., CAVALLERI, ALEGRETTI MA, COLOMAR M

The Lancet, 2015

Palabras clave: Epidemiología Carga Global de Enfermedad

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(15\)60692-4](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(15)60692-4)

<http://www.thelancet.com/journals/lancet/article/PIIS0140-6736%2815%2960692-4/abstract>

Este trabajo es el resultado de un trabajo de colaboración con el Institute of Health Metrics and Economics. El artículo cuenta con una extensa lista de co-autores (mas de 700). A los efectos del CVuy registro solo los co-autores del equipo de investigación de Uruguay.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Global, regional, and national disability-adjusted life years (DALYs) for 306 diseases and injuries and healthy life expectancy (HALE) for 188 countries, 1990-2013: quantifying the epidemiological transition (Completo, 2015)

COLISTRO V. , ALEGRETTI MA , CAVALLERI

The Lancet, 2015

Palabras clave: DALY Global Burden of Disease

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Reino Unido

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(15\)61340-X](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(15)61340-X)

<http://www.thelancet.com/journals/lancet/article/PIIS0140-6736%2815%2961340-X/abstract>

Este trabajo es el resultado de un trabajo de colaboración con el Institute of Health Metrics and Economics. El artículo cuenta con una extensa lista de co-autores (más de 700). A los efectos del CVuy registro solo los co-autores del equipo de investigación de Uruguay.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Global, regional, and national comparative risk assessment of 79 behavioural, environmental and occupational, and metabolic risks or clusters of risks in 188 countries, 1990-2013: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2013 (Completo, 2015)

ALEMAN A , ALEGRETTI MA , CAVALLERI , COLISTRO V. , COLOMAR M

The Lancet, 2015

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Factor de riesgo

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Reino Unido

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(15\)00128-2](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(15)00128-2)

<http://www.thelancet.com/journals/lancet/article/PIIS0140-6736%2815%2900128-2/abstract>

Este trabajo es el resultado de un trabajo de colaboración con el Institute of Health Metrics and Economics. El artículo cuenta con una extensa lista de co-autores, en esta instancia se citan únicamente los co-autores uruguayos.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Global, regional, and national agesex specific all-cause and cause-specific mortality for 240 causes of death, 1990-2013: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2013 (Completo, 2014) Trabajo relevante

COLOMAR M , COLISTRO V. , ALEMAN A , CAVALLERI

The Lancet, v.: 385 p.:117 - 171, 2014

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Mortalidad y Morbilidad

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 01406736

E-ISSN: 1474547X

DOI: [10.1016/S0140-6736\(14\)61682-2](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(14)61682-2)

<http://www.thelancet.com/pdfs/journals/lancet/PIIS0140-6736%2814%2961682-2.pdf>

Este trabajo es el resultado de un trabajo de colaboración con el Institute of Health Metrics and Economics. El artículo cuenta con una extensa lista de co-autores (más de 700), en esta instancia se citan únicamente los co-autores uruguayos.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Fine-mapping of the HNF1B multicancer locus identifies candidate variants that mediate endometrial cancer risk (Completo, 2014) Trabajo relevante

COLISTRO V. , SANS, M , MUT, P , HIDALGO, PC

Human Molecular Genetics, v.: 24 5 , p.:1478 - 1492, 2014

Palabras clave: Endometrial Cancer Genetic association

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Cancer

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Reino Unido

ISSN: 09646906

E-ISSN: 14602083

DOI: [10.1093/hmg/ddu552](https://doi.org/10.1093/hmg/ddu552)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC4321445/pdf/ddu552.pdf>

Los autores de este artículo son todos los integrantes de consorcio denominado CHIBCHA, el cual es un estudio de asociación genético. La lista completa de autores es extensa y esta disponible en la versión on line. A efectos de este CV se listan únicamente los co-autores por Uruguay.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

LIBROS

La encrucijada ambiental. Enfoques y experiencias en el devenir de los territorios (Participación , 2023)

D'Angelo, M , COLISTRO V. , Vera, AC Publicado

Edición: Primera, Cnocimiento

Editorial: Universidad Autónoma de México , México

Tipo de publicación: Investigación

DOI: <https://doi.org/10.52501/cc.120>

Referado

Escrito por invitación

Medio de divulgación: Internet

ISSN/ISBN: 978-607-633-673-1

<https://comunicacion-cientifica.com/libros/la-encrucijada-ambiental/>

Capítulos:

Vinclulación entre exposición a contaminantes ambientales y entorno urbano durante el transporte activo en Montevideo

Página inicial 0, Página final 0

Estudio de carga global de enfermedad (Completo , 2015)

ALEMAN A , COLISTRO V. , COLOMAR M , CAVALLERI , ALEGRETTI MA Publicado

Número de volúmenes: 100

Número de páginas: 133

Edición: 1, 1 , Montevideo

Tipo de publicación: Investigación

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Mortalidad Morbilidad

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación:

ISSN/ISBN:

Financiación/Cooperación:

Programa de Prevención de Enfermedades No Transmisibles / Apoyo financiero, Uruguay

http://www.msp.gub.uy/sites/default/files/archivos_adjuntos/Estudio_de_Carga_Global.pdf

Este fue el primer estudio de carga de enfermedad realizado en Uruguay utilizando bases de datos nacionales, el cual recibió una mención especial de la Academia Nacional de Medicina.

Estudio de carga atribuible al consumo de tabaco (Completo , 2015)

ALEMAN A , COLISTRO V. , COLOMAR M , CAVALLERI , ALEGRETTI MA Publicado

Número de volúmenes: 100

Número de páginas: 81

Edición: 1, 1

Editorial: Montevideo , Montevideo

Tipo de publicación: Investigación

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Tabaquismo Mortalidad Morbilidad

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN:

Financiación/Cooperación:

Programa de Prevención de Enfermedades No Transmisibles / Apoyo financiero, Uruguay

A partir del primer estudio de carga global de enfermedad nacional, se realizaron las estimaciones de la carga atribuible al consumo de tabaco en el Uruguay.

DOCUMENTOS DE TRABAJO

Encuesta Nacional de Lactancia, Prácticas de Alimentación y Anemia en menores de 24 meses usuarios del Sistema Nacional Integrado de Salud 2020 (2020)

Completo

Carrero A., Ceriani F., De León C., Girona A., COLISTRO V., Aguirrezabal P.

Ministerio de Salud Pública - Uruguay / UNICEF

Medio de divulgación: Internet

<https://ruandi.org.uy/wp-content/uploads/2014/05/Encuesta-Nacional-de-Lactancia-Practicas-de-Aliment>

En este trabajo tanto yo como Patricia Aguirrezabal fuimos la encargadas del Procesamiento como del Análisis de datos. La tarea la realizamos dado nuestro vínculo con la Red Uruguaya de Apoyo a la Nutrición y Desarrollo Infantil (RUANDI)

Carga de Enfermedad Atribuible a Tabaquismo y otros factores de riesgo en Uruguay en 2012 (2014) Trabajo relevante

Completo

COLISTRO V., ALEMAN A., COLOMAR M., CAVALLERI, ALEGRETTI MA

Ministerio de Salud Publica

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Factor de riesgo Factor de riesgo atribuible

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Papel

<http://www.msp.gub.uy/publicaciones/epidemiolog%C3%ADa/datos-boletines-recomendaciones>

El objetivo de este producto fue calcular la carga de enfermedad atribuible al tabaquismo activo en Uruguay en 2012. Se seleccionaron enfermedades atribuibles al consumo de tabaco, se estimaron los AVP, AVD y AVISA y las correspondientes fracciones atribuibles al tabaco. Los resultados de este estudio son un insumo de central importancia para los tomadores de decisión ya que ofrecen valiosa información epidemiológica de las enfermedades vinculadas al tabaco en Uruguay.

CUARTO PRODUCTO ESTUDIO CARGA GLOBAL DE ENFERMEDAD: GENERALIDADES (2014)

Completo

COLISTRO V., ALEMAN A., CAVALLERI, COLOMAR M., ALEGRETTI MA

Ministerio de Salud Publica

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Papel

<http://www.msp.gub.uy/publicaciones/epidemiolog%C3%ADa/datos-boletines-recomendaciones>

Este producto consiste en una colección de fichas técnicas con los modelos realizados de las diferentes enfermedades. Los modelos realizados se hicieron con consultas previas con expertos y validaciones posteriores. Este producto forma parte del estudio de Carga Global de Enfermedad en Uruguay y corresponde al cálculo y modelización de las enfermedades más prevalentes en Uruguay.

Estudio de Comparación Comparativa de Riesgo o de Carga Atribuible a Factores de Riesgo (2014)

Completo

COLISTRO V., ALEMAN A., COLOMAR M., CAVALLERI, ALEGRETTI MA

Ministerio de Salud Publica

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Factor de riesgo

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Papel

Este producto tuvo como objetivos principales determinar la distribución poblacional de los factores de riesgo por estrato de edad y sexo, identificar riesgos relativos asociados a la exposición de los factores de riesgo y estimar las fracciones atribuibles según exposición poblacional. Se consideraron los siguientes factores de riesgo a enfermedades: Tabaquismo, Consumo de Alcohol, Hipertensión arterial, sobrepeso y obesidad, sedentarismo, consumo de drogas, dislipemias e hiperglicemia. Los cálculos realizados en este trabajo son un importante insumo para pensar las políticas de prevención en salud.

Protocolo del Estudio de Carga Global de Enfermedad en Uruguay (2013)

Completo

COLISTRO V. , ALEMAN A. , COLOMAR M. , CAVALLERI , ALEGRETTI MA

Ministerio de Salud Publica

Palabras clave: Epidemiología Carga Global de Enfermedad Salud Publica

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología /

Medio de divulgación: Papel

Este proyecto de realizar un estudio de la carga global de enfermedad en Uruguay comienza en el año 2013 a solicitud de PPENT-MSP. Dado que no se cuentan con precedentes de estudios similares en el país, ha significado un inmenso desafío para los investigadores el abocarse a esta tarea. Los estudios de carga global de enfermedad son útiles para desarrollar un sistema de salud más justo, eficiente y de mayor calidad, basado en la atención primaria de salud y la prevención de enfermedades. Deseamos conducir este protocolo de manera de arribar a resultados basados en datos nacionales, que permita a los tomadores de decisión la asignación de prioridades en salud y a una mejor comprensión de nuestra realidad sanitaria

Sistematización de fuentes de información de incidencia y prevalencia de enfermedades para estudio de carga global de enfermedad en Uruguay (2013)

Completo

COLISTRO V. , COLOMAR M. , ALEMAN A. , ALEGRETTI MA , CAVALLERI

Ministerio de Salud Publica

Palabras clave: Carga Global de Enfermedad Fuentes de información prevalencia Incidencia

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología /

Medio de divulgación: Papel

La realización de una sistematización de las fuentes de información que aportan datos sobre prevalencia y/o incidencia de enfermedades en el Uruguay, es una parte ineludible del estudio completo de Carga Global de Enfermedad (CGE). La elaboración de este producto requirió de la consulta a varios y diversos informantes calificados, sitios web y documentos, ya que la información buscada se encuentra disgregada en múltiples lugares y formatos. Deseamos que esta sistematización sea de utilidad no sólo para la conducción y desarrollo de este estudio de CGE -que es nuestro principal objetivo-, sino también para cualquier otra persona o institución que necesite acceder a información sobre prevalencia y/o incidencia de enfermedades en el Uruguay. Esperamos que este producto contribuya a reducir los tiempos y esfuerzos empleados por aquellos que requieran acceder a estos datos, y que colabore en la mejora de la toma de decisiones en salud que emplee esta información como base

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Variantes Farmacogenéticas en Uruguay (2024)

Rodríguez de Ávila Soto, L.I. , COLISTRO V. , Burgueño-Rodríguez G. , Lorena , MUT P. , Solé H. , P C HIDALGO , SANS, M. , DA LUZ J , SOLER, AM

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: Congreso de la ALAG

Ciudad: Guadalajara

Año del evento: 2024

Anales/Proceedings: Journal of Basic and Applied Genetics

Volumen:35

Fascículo: 2

ISSN/ISBN: 1852-6233

Publicación arbitrada

Medio de divulgación: Internet

<https://www.alagenet.org/bag-vol-xxxv-issue-2-alag-2024/>

REGIONES GENOMICAS ASOCIADAS A CANCER DE COLON EN LA POBLACION MEXICANA (2016)

COLISTRO V. , SANS M

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVI Congreso Latinoamericano de Genética
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Anales/Proceedings: Journal of Basic and Applied Genetics
Publicación arbitrada
Escrita por invitación
Palabras clave: Ancestria Cancer de colon GWAS
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Estudios de Asociación
Medio de divulgación: Internet

<http://www.alag2016.org/es/Pages/ActasdelCongreso>

Cancer colo rectal (CRC) es común en ambos sexos y no tiene grandes factores de riesgo evitables. Su incidencia ha aumentado en Latinoamérica y Europa en las últimas dos décadas. Estudios recientes han mostrado que polimorfismos heredables (SNPs) pueden incrementar el factor de riesgo. Se ha demostrado la asociación del CRC con varias regiones genómicas 8q23.3, 8q24.21, 10p14, 11q23.1, 15q14 and 18q21, si bien estas variantes explican <5% del riesgo genético a CRC, su efecto combinado junto con otras variantes aún no detectadas pues ser considerablemente mayor. Estudios de asociación de todo el genoma (GWAS) previos, basados en poblaciones europeas han identificado genes a CRC pero la evidencia sugiere que estos estudios pueden no haber sido lo suficientemente grandes para detectar SNPs asociados a un riesgo relativo bajo o moderado. Las poblaciones mestizadas latinoamericanas son una buena oportunidad de identificar nuevos genes asociados a CRC que no son detectables en poblaciones no mestizadas. Nuestro objetivo es identificar los SNPs asociados en genomas de individuos mestizados mexicanos y testear los SNPs que han sido identificados previamente. Se colectaron muestras de sangre periférica en 2049 individuos (1041 casos y 1008 controles) de tres localidades del mexicanas, las muestras fueron genotipadas para 1.024.890 SNPs. Dada la naturaleza mestizada de la población de estudio se realizaron consideraciones respecto a la estructura poblacional para minimizar el riesgo a detectar asociaciones espúreas con CRC. El GWAS detectó 12 SNPs no previamente identificados.

ETIOLOGÍA GENÉTICA DE LA DISCAPACIDAD INTELECTUAL (2016)

TAPIE A, ROCHE L, SANGUINETTI A, PASTRO L, LOPEZ P, PI N, CASSINA G, CARDOZO P, BOIDI M, SOUTO J, ETCHANDY G, COLISTRO V., CURBELO N, VELAZQUEZ T, UTURBEY F, RAGGIO V

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVI Congreso Latinoamericano de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2016

Anales/Proceedings: Journal of Basic and Applied Genetics

Fascículo: 1

ISSN/ISBN: 18526233

Publicación arbitrada

Editorial: Sociedad Argentina de Genética

Ciudad: Buenos Aires

Palabras clave: Discapacidad Intelectual Mircroarreglos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Clínica

Medio de divulgación: Internet

http://www.alag2016.org/admin/files/alag2016/upload/files/V.XXVIII_2016_Suppl1_19092016.pdf

La discapacidad intelectual (DI) es un trastorno frecuente que genera vulnerabilidad social. En menos de 50% de los casos se puede identificar una alteración genética que lo explique. El diagnóstico etiológico contribuye a dirigir las intervenciones y a disminuir la ansiedad de los padres. El objetivo del trabajo es buscar alteraciones genéticas en niños con DI para diagnóstico y asesoramiento genético y conocer el perfil de la población. Se incluyeron 113 niños >5 años con DI moderada a severa (CI < 70), que asociaran dismorfias, alteraciones del crecimiento, alteraciones esqueléticas y/o historia familiar de DI (al menos dos criterios). Se excluyeron niños con síndromes clínicos de etiología conocida, expansiones del gen FMR1 y alteraciones cromosómicas numéricas. Se realizó una historia clínica protocolizada y banco de ADN. Se agruparon clínicamente en formas sindrómicas atípicas y no sindrómicas. Se realizó cariotipo de 400 bandas en todos los casos. En 16 de los casos de clínica sugestiva se hizo MLPAMR1. En 97 casos no sindrómicos se estudiaron las regiones subteloméricas con MLPA (PO36 y PO70) y en seis casos se realizaron ambos MLPA. Se identificaron alteraciones cromosómicas estructurales en cuatro y microalteraciones subteloméricas en tres (una fue confirmada por FISH). Se concluye que la historia

clínica detallada realizada por especialistas, cariotipo y MLPA son los primeros pasos en niños con DI en nuestro medio. En los pacientes en que no se identificaron alteraciones, se están realizando estudios de todo el genoma, microarreglos CGH y eventualmente secuenciación masiva.

Evaluación de la Carga Global de Enfermedad en Uruguay (2015)

COLISTRO V. , ALEMÁN A , ALEGRETTI MA , COLOMAR M , CAVALLERI

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: VI Congreso de Psicología Médica

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2015

Palabras clave: Carga de Enfermedad Carga Atribuible Factores de Riesgo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

Medio de divulgación: Papel

<http://www.ati.org.uy/congreso/1-programa.pdf>

Asociación de los Polimorfismos rs12953717, rs11874392 y rs4939827 en el Gen SMAD7 en Pacientes con CCR en una Población Mestiza Mexicana (2014)

HARO J , RUIZ P , JARAMILLO RODRIGUEZ Y , LUNA PEREZ P , MARTINEZ MURILLO C , CARNEDAS CADENA S , COLISTRO V. , SANS M , ROJAS MARTINEZ

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: II Congreso Internacional de Genética Comunitaria

Ciudad: La Habana, Cuba

Año del evento: 2014

Palabras clave: Estudio de Asociación SMAD7 Cáncer Colorrectal Población Mexicana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología Genética

Medio de divulgación: Papel

<http://www.geneticacomunitaria2014.sld.cu/index.php/geneticacomunitaria/index/schedConfs/archive>

Las variantes rs12953717 y rs4939827 del gen SMAD7 se han asociado con el cáncer colorrectal, el primero con un efecto muy pequeño para esta neoplasia y la segunda con un efecto protector para el mismo fenotipo complejo. Hemos realizado un estudio de casos y controles con el fin de replicar los resultados reportados para estas asociaciones en una muestra de población mexicana constituida por 1,000 casos de cáncer colorrectal y 1,043 controles reclutados en México D.F., Monterrey y Torreón. El genotipado fue realizado mediante la tecnología Sequenom. Los valores iniciales de P con corrección de Bonferroni para las variantes rs12953717 y rs4939827 fueron 0.08 y 0.06, respectivamente. Después de realizar un análisis multivariado considerando covariantes de riesgo para cáncer colorrectal (sexo, edad, obesidad, sedentarismo, antecedentes familiares de cáncer no colorrectal, etc.), se obtuvieron valores P de 0.015 [OR = 1.30 (1.06-1.60)] y 0.026 [O.R. = 0,79 (0.65 - 0.96)] para ambos polimorfismos, respectivamente. Estos resultados sugieren la interacción del cáncer colorrectal con algunos estilos de vida; además se replican los datos reportados para las poblaciones caucásicas y asiáticas, reforzando la importancia biológica de estas variantes baja penetrancia SMAD7 en la etiología de esta neoplasia.

Efecto de los procesos microevolutivos en la estructura haplotípica de la región 16q asociada a melanoma. (2012)

COLISTRO V. , BERTONI B

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIV Jornada de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis, Uruguay

Año del evento: 2012

Palabras clave: Melanoma Mapeo Genico Estructura haplotípica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genética de poblaciones

Medio de divulgación: Internet

<http://www.pasteur.edu.uy/sub>

El melanoma esporádico está aumentando su incidencia mundial, particularmente en poblaciones europeas o con contribución genética europea, como es el caso de Uruguay. Recientemente,

describimos la región 16q24 como asociada a melanoma maligno para el Uruguay. Sin embargo, la fracción explicada por mutaciones del gen candidato MC1R para esta región, es menor a la esperada. Por otra parte, la estructura haplotípica del gen indicaba un posible origen no-europeo de la región reguladora. Esto impulsó el análisis de una región cromosómica mayor (7Mb) para comprender el origen y estructura de la región que pueda explicar los hallazgos previos. Se analizaron 21 SNPs con características de marcadores informativos de ancestralidad para poblaciones de los cinco continentes junto con muestras de casos y controles de melanoma y cáncer de mama de Uruguay. También se simuló factores microevolutivos (recombinación, migración, crecimiento poblacional) para explicar la estructura haplotípica observada en la población de Uruguay. Se observó la presencia de estructuras haplotípicas exclusivas de poblaciones mestizadas, así como haplotipos particulares para ambos cánceres. También se identificaron haplotipos asociados a melanoma pero que no son frecuentes en Europa. Finalmente, al evaluar el efecto de factores microevolutivos se detecta que las proporciones en que cada parental contribuye a la formación de la híbrida es el factor con mayor efecto sobre las estructuras haplotípicas. En suma, se evidencia una alta complejidad en la región 16q y un efecto importante de la historia demográfica que tienen que ser considerados al interpretar las causas de melanoma esporádico en poblaciones mestizadas.

HAPLOTIPOS DE LA REGION 16q24 EN LA POBLACION URUGUAYA: CONSIDERACIONES HISTORICO-DEMOGRAFICAS (2011)

COLISTRO V. , BERTONI B

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: X Jornadas de Antropología Biológica

Ciudad: La Plata

Año del evento: 2011

Volumen:1

Página inicial: 132

Página final: 132

ISSN/ISBN: 978-987-27445-

Editorial: Asociación de Antropología Biológica de Argentina

Ciudad: Buenos Aires

Palabras clave: Mestizaje Haplotipos

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética

Medio de divulgación: Papel

<http://www.fcnym.unlp.edu.ar/aabra/Libro%20de%20resumenes.pdf>

Un set específico de alelos encontrados en un cromosoma se denomina haplotipo. Haplotipos nuevos se forman por mutaciones o por procesos de recombinación cuando los cromosomas maternos y/o paternos intercambian segmentos de ADN, dando como resultado un cromosoma que es un mosaico de los haplotipos parentales. La co-heredabilidad de los SNPs en los haplotipos conduce a un desequilibrio de ligamiento (DL) entre esos alelos en cada población. Los patrones de DL reflejan una historia de la recombinación y los eventos demográficos que tuvieron lugar en la población estudiada. El Proyecto HapMap habilitó el acceso a una gran cantidad de SNPs en cientos de individuos de diversas poblaciones mundiales sin embargo, incluso en su última versión que incluye 11 poblaciones mundiales, hay una sub-representación de poblaciones mestizadas. Esto limita los estudios del efecto de los procesos micro-evolutivos sobre las estructuras haplotípicas ya que han sido propuestas como la principal fuerza generadora de diversidad de los patrones de DL. En la presente investigación se estudió la región terminal del cromosoma 16 (16q24) de la población uruguaya que tiene una clara historia genética de mestizaje y se comparó con poblaciones presentes en HapMap fase II. Los haplobloques se armaron en base a 17 SNPs y se utilizó Haploview para su visualización. Las gráficas de DL se diferencian por la presencia de dos bloques de DL en la población uruguaya en comparación con poblaciones europea, asiática y africana. Esto deja en evidencia el efecto del mestizaje sobre la estructura en haplobloques.

Comparación de la estructura haplotípica en regiones asociadas a cáncer de colon de poblaciones humanas (2011)

COLISTRO V. , P MUT , HIDALGO P , SANS M

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 2das. Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2011
Editorial: Sociedad Uruguaya de Genética
Ciudad: Montevideo
Palabras clave: Cancer de colon GWAS
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética
Medio de divulgación: Papel

Identificación de regiones genómicas asociadas a melanoma esporádico en Uruguay (2010)

COLISTRO V. , CAPPETTA M , BERTONI B , VELAZQUEZ T , SOUTO J , PEREZ J , LARRE BORGES A , NICOLLETTI S , RIVAS G , BERDASCO M , MARTINEZ M

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XIV Congreso Latinoamericano de Genética (ALAG2010)

Ciudad: Viña del Mar

Año del evento: 2010

Palabras clave: Mapeo por mestizaje Melanoma Asociación genética

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología Genética del Cáncer

Medio de divulgación: Papel

<http://www.alag2010.cl/>

El melanoma esporádico es un cáncer con un aumento constante de su incidencia mundial, articularmente en poblaciones europeas o con contribución genética europea. En Uruguay, la tasa de incidencia es cercana a las europeas. Buscando comprender la susceptibilidad al desarrollo de melanoma en nuestra población abordamos un análisis amplio desde una visión genética y epigenética. Utilizamos la ancestralidad para detectar regiones cromosómicas involucradas aplicando mapeo por mestizaje. Se analizaron 40 SNPs informativos de ancestralidad y 8 SNPs de la región MC1R del cromosoma 16, en 60 pacientes y 60 controles. Analizamos diferencias epigenéticas en leucocitos mediante cuantificación de mC como medida de metilación global. La ancestralidad general no presenta diferencias significativas. Sin embargo, en el cromosoma 16, la región que incluye el gen MC1R podría ser candidata a susceptibilidad al melanoma ($p=0,0036$). Aunque no podemos asegurar asociación directa con MC1R, la distribución de frecuencias en los casos muestra un exceso de haplotipos europeos de la región promotora del gen. El resultado de nivel de metilación genómica sugiere una situación comparable a la observada en otros tipos de cáncer. Las aproximaciones empleadas constituyen una herramienta importante para la detección de regiones genómicas que confieren susceptibilidad al melanoma.

APROXIMACIÓN AL MAPEO POR MESTIZAJE; VENTAJAS, PROBLEMAS Y EL MELANOMA ESPORÁDICO (2008)

HOCHMANN J , CAPPETTA M , COLISTRO V. , BERTONI B

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: I Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2008

Anales/Proceedings: I Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Editorial: Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Palabras clave: Mapeo por mestizaje Melanoma Esporadico

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología Genética del Cáncer

Medio de divulgación: CD-Rom

Análisis de pseudoequilibrios de ligamiento del cromosoma Y mediante simulaciones de diversos factores evolutivos (2007)

COLISTRO V. , BERTONI B

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: VIII Jornadas Nacionales de Antropología Biológica

Ciudad: Salta, Argentina
Año del evento: 2007
Anales/Proceedings: Revista Argentina de Antropología Biológica
Volumen: 9
Fascículo: 1
Serie: 7
Pagina inicial: 152
Pagina final: 152
ISSN/ISBN: 1514-7991
Publicación arbitrada
Ciudad: Buenos Aires
Palabras clave: Desequilibrio de ligamiento Factores Evolutivos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Antropología Biológica
Medio de divulgación: Papel
<http://www.revistas.unlp.edu.ar/raab/article/view/362/216>

La región varón específica del cromosoma Y, es extensamente estudiada a nivel de la evolución humana, siendo una oportunidad única para analizar los efectos de factores evolutivos en la dinámica de los haplotipos basados en microsatélites por carecer de recombinación. En diferentes poblaciones, distribuidas a nivel mundial, se encuentran pseudoequilibrios de ligamiento entre microsatélites del cromosoma Y. Por lo cual, la prueba de desequilibrios de ligamiento (LD), puede ser una herramienta para evidenciar la acción de diversos factores evolutivos. Aplicando un modelo coalescente se simuló el efecto de diferentes escenarios demográficos/evolutivos, que incluyen mutación, migración y crecimiento poblacional en la estimación del desequilibrio de ligamiento. Para esto, se tomaron 3 microsatélites totalmente ligados y 3 poblaciones con tamaños efectivos de 10000 a 20000 individuos. Se muestrearon 100 cromosomas en cada una de las 1000 simulaciones realizadas para detectar LD mediante la prueba exacta de Fisher. Se observa que en los escenarios planteados se establece un pseudoequilibrio de ligamiento con valores cercanos a los observados en las poblaciones naturales. Es posible que los pseudoequilibrios encontrados se extiendan a los loci autosómicos en poblaciones donde se encuentren situaciones similares a las descriptas.

LOS FACTORES EVOLUTIVO/DEMOGRÁFICOS EN LOS PSEUDOEQUILIBRIOS DE LIGAMIENTO Y LA TASA DE MUTACIÓN DE MICROSATÉLITES (2007)

COLISTRO V. , BERTONI B

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Minas

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Actas de Fisiología

Volumen: 11

Fascículo: 1008

Editorial: Udelar

Ciudad: Montevideo

Palabras clave: Desequilibrio de ligamiento Microsatelites

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética evolutiva

Medio de divulgación: Papel

Producción técnica

TRABAJOS TÉCNICOS

Factores que inciden en la alimentación de los recién nacidos en la maternidad y al alta (2023)

Servicios en el área de la salud

Barbero M , De Leon C , Alves P , Ana Carrero del Cerro , Ceriani F , COLISTRO V. , Aguirrezabal P

País: Uruguay

Idioma: Español

Ciudad: Montevideo

Institución financiadora: UNICEF

Medio de divulgación: Papel

**Retraso de crecimiento en Uruguay: Determinantes y factores asociados en menores de 5 años.
Elementos para la discusión. (2022)**

Asesoramiento

Berón, C , Ceriani, F , De León, C , De Souza, N , Koncke, F , COLISTRO V. , Lavalleja, M

País: Uruguay

Idioma: Español

Ciudad: Montevideo

Disponibilidad: Restringida

Número de páginas: 40

Duración: 4 meses

Institución financiadora: UNICEF

Medio de divulgación: Otros

Encuesta Nacional de Lactancia (2020)

Asesoramiento

Carrero, A , Florencia Ceriani , De León, C , Girona, A , COLISTRO V. , Aguirrezabal, P

País: Uruguay

Idioma: Español

Ciudad: Montevideo

Disponibilidad: Irrestringida

Número de páginas: 87

Duración: 12 meses

Institución financiadora: UNICEF

Palabras clave: Nutrición Lactancia MSP Salud Pública

Medio de divulgación: Otros

<https://www.unicef.org/uruguay/informes/encuesta-lactancia-practicas-alimentacion-complementaria>

<https://www.unicef.org/uruguay/informes/encuesta-lactancia-practicas-alimentacion-complementaria>

Validacion de un algoritmo de reasignacion de codigos basura para la base de mortalidad 2014 (2017)

Consultoría

ALEMAN A , ALEGRETTI MA , CAVALLERI , COLISTRO V. , COLOMAR M

País: Uruguay

Idioma: Español

Ciudad: Montevideo

Disponibilidad: Restringida

Número de páginas: 42

Duración: 12 meses

Institución financiadora: AUCI, MSP, AMEXID

Palabras clave: Mortalidad Codigos Basura Reasignacion

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

El objetivo del estudio fue realizar una validación del Algoritmo propuesto por Naghavi en 2010, para asignarles un código válido a las causas de muerte codificadas con códigos basura o causas mal definidas. Este trabajo se realizó muestreando al azar historias clínicas de personas fallecidas con el objetivo de determinar las causas del deceso

Carga Global de Enfermedad en Mujeres Latinoamericanas (2015)

Consultoría

ALEMAN A , CAVALLERI , COLISTRO V. , COLOMAR M

País: Uruguay

Idioma: Español

Ciudad: Montevideo

Disponibilidad: Restringida

Número de páginas: 100

Duración: 5 meses
Institución financiadora: OPS - CLAP
Palabras clave: Carga Global Mujeres AVISA - DALYS
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad
Medio de divulgación: Papel

Estudio de Carga Global de Enfermedad - Informe Final (2015)

Consultoría
ALEMAN A, ALEGRETTI MA, CAVALLERI, COLISTRO V., COLOMAR M

País: Uruguay
Idioma: Español
Ciudad: Montevideo
Disponibilidad: Irrestringida

Número de páginas: 70
Duración: 24 meses
Institución financiadora: Ministerio de Salud Pública
Palabras clave: Epidemiología Carga Global de Enfermedad AVISA
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad
Medio de divulgación: Internet
http://www.msp.gub.uy/sites/default/files/archivos_adjuntos/Estudio_de_Carga_Global.pdf
La Carga Global de Enfermedad es una metodología desarrollada por el Banco Mundial y la Organización Mundial de la Salud, que se mide utilizando un indicador sintético denominado Años de Vida Ajustados por Discapacidad (AVISA) que valora las consecuencias mortales y no mortales de las enfermedades y lesiones. En este sentido, es una metodología complementaria a las clásicas medidas de pérdida de salud en base a las tasas de morbilidad y mortalidad, que coloca su énfasis en los años de vida potencialmente perdidos y en los años vividos con discapacidad y con déficit en la calidad de vida. Los resultados del estudio muestran como las principales causas en la pérdida de vida saludable del conjunto de la población uruguaya a las enfermedades isquémicas crónicas y agudas cardiovasculares, los accidentes cerebro vasculares, la Enfermedad Pulmonar Obstructiva Crónica (EPOC), los accidentes de tránsito y los neoplasmas.

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

Acculturation profiles of weight perception status among US foreign-born Hispanic/Latino adults: A mixture model approach (2022)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Weight gain and change in body mass index after age 20 in the Brazilian population and associated sociodemographic factors: data from the National Health Survey (2022)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

VARIABILITY OF PDYN AND OPRK1 GENES IN FOUR ARGENTINIAN POPULATIONS AND ITS GENETIC ASSOCIATION WITH CLINICAL VARIABLES RELATED TO ACUTE POSTSURGICAL PAIN (2022)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Municipal Ethnic Composition and Disparities in COVID-19 Infections in New Jersey: A Blinder-Oaxaca Decomposition Analysis (2021)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5
International Journal of Environmental Research and Public Health

Genomics epidemiology of SARS-CoV-2 virus with a bioinformatics platform. Journal of Basic and Applied Genetics (2020)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Efecto de la atención plena compasiva en dolor, ansiedad y respuestas fisiológicas en artritis reumatoide (2020)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Breast Cancer Epidemiology among Lebanese Women: An 11-Year Analysis (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Motif based analysis of human locus control regions (LCRs) using web based tools (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

International Journal of Environmental Research and Public Health (2019 / 2022)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

JURADO DE TESIS

Maestría en Ciencias Biológicas. PEDECIBA (2023)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / CENUR Norte - Tacuarembó, Uruguay
Nivel de formación: Maestría
Caracterización molecular de los grupos sanguíneos ABO, Diego y Duffy en la población del noreste del Uruguay. Lorena Luna. Tutores: Pedro Hidalgo y Monica Sans

PEDECIBA (2022)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Regional Norte , Uruguay
Nivel de formación: Maestría
?Farmacogenética de la LLA pediátrica en Uruguay: eventos adversos vinculados a fármacos de la fase de inducción? Gabriela Burgueño. Directores de Tesis: Julio Da Luz y Ana Maria Soler

PEDECIBA (2021)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) , Uruguay
Nivel de formación: Maestría
Estudio de la variante T1540C del gen EDAR y su relación con diente en pala y ancestría indígena en el Uruguay Estefania Acosta. Tutores: Monica Sans y Gonzalo Figueiro

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

GRADO

Caracterización de la mortalidad en Uruguay en 2019 según variables demo-epidemiológicas

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Gabriela Martínez
País: Uruguay
Palabras Clave: Mortalidad Uruguay Enfermedades No Transmisibles

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Mortalidad

Monografía grupal: Gabriela Martínez Yuliana Motta Giuliana Siri Francisco Souto Camila Techera Luciana Viviano

Análisis descriptivo de las 10 principales causas de muerte en Uruguay en el periodo 1997-2015

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay

Programa: Medicina

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Grupo

País: Uruguay

Palabras Clave: Causa de muerte Mortalidad Código Basura

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología

La monografía se realiza en grupo. Mariana Lorenzo Ana Paula Lorenzo Ana Mery Lewis Juliana

Leonardi Anibal Lais Cristhian Imbrosino

OTRAS

Búsqueda de variantes genéticas asociadas a la obesidad y condición física en un sector de la población mexicana

Otras tutorías/orientaciones

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Centro de Investigación en Educación del Tecnológico de Monterrey , México

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Paula Costa

País: México

Palabras Clave: Asociación genética Polimorfismo Obesidad

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Humana

En la actualidad la obesidad es la enfermedad metabólica más prevalente en los países desarrollados, que desencadena otras enfermedades, las cuales representan un problema social y de salud pública de primera magnitud. La falta de actividad física y la fácil disponibilidad de alimentos ricos en grasas saturadas son consideradas como los principales aspectos del estilo de vida que han contribuido al aumento de esta enfermedad a nivel mundial. Sin embargo, desde hace décadas se reconoció que existe un factor genético asociado a la obesidad y más recientemente se ha aceptado un componente genético asociado a las capacidades físicas en el área deportiva (fuerza velocidad/resistencia y flexibilidad). Ambas líneas de investigación aún permanecen en sus fases iniciales de desarrollo, y la mayoría de los genes candidatos a estar relacionados con el desempeño físico en el área deportiva, no han mostrado una asociación consistente en las poblaciones de distintas etnias. En este sentido, la realización de nuevos estudios de asociación de variantes genéticas relacionados con la obesidad y capacidades físicas, contribuirán al conocimiento de la fisiopatología de esta enfermedad así como proveerán información para en un momento dado revertir sus efectos a través de dietas y planes de ejercicio personalizados basados, al menos en parte por la composición genética individual. El objetivo del presente estudio es evaluar la contribución de SNPs relacionados con la obesidad y condición física un sector de la población mexicana que practica ejercicio físico no competitivo. Para ello se coleccionarán muestras de 900 individuos para ser analizados utilizando 96 SNPs, de los cuales 50 corresponden a marcadores informativos de ancestría, 23 relacionados a obesidad y enfermedades asociadas y 23 a rendimiento deportivo. Dichos SNPs han sido sugeridos como marcadores importantes en el metabolismo de la glucosa y el lipídico así como también en las capacidades físicas en varias poblaciones. El grupo de estudio incluirá personas que presenten un rango de IMC de menos de 25 a más de 30. El análisis de los componentes genéticos relacionados con la obesidad y el desempeño físico abrirán nuevos caminos para el tratamiento integrado de este padecimiento al permitirnos determinar qué tipo de ejercicio físico y plan de alimentación es el más adecuado para cada paciente. La realización del presente estudio se plantea realizar en colaboración entre la empresa privada Sport City SA de CV perteneciente al Grupo Martí y el INMEGEN.

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Microbioma oral en pacientes con enfermedad periodontal (2023)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA), Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (PEDECIBA-UdelaR)
Tipo de orientación: Cotutor
Nombre del orientado: Marisabel Charlo
País/Idioma: Uruguay,

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Gran Premio Nacional de Medicina - Mención Honorífica (2015)

(Nacional)
Academia Nacional de Medicina
La Mención Honorífica fue otorgada por el Estudio de Carga Global de Enfermedad.

Pasantía de investigación (2012)

(Internacional)
WTCHG / 7th framework programme
Pasantía de investigación para colaborar en el análisis de datos genómicos en el marco del proyecto Genetic Study of Common Hereditary Bowel Cancer in Hispania and the Americas. El mismo es un proyecto multicéntrico donde participan instituciones de 7 países latinoamericanos y europeos.

Beca de pasaje (2012)

(Internacional)
CSIC
La Comisión sectorial me premió con una beca de pasaje para la realización de una pasantía en la Universidad de Oxford, la pasantía durará 5 meses, desde setiembre de 2012 hasta enero de 2013.

Becas de Posgrado (2010)

(Nacional)
ANII
La beca consta de un apoyo económico mensual con una carga horaria aproximada de 30 horas semanales.

Beca de formación en genómica y bioinformática, con énfasis en proyectos de secuenciación masiva y su correspondiente anotación para diversos organismos de interés científico y tecnológico (2009)

(Nacional)
Genómica integrativa INIA Lata Pasteur

Beca de curso en el exterior, Bioinformática Genómica, México (2009)

(Internacional)
UNAM (México), EBI
Beca de viaje y manutención para concurrir al curso de posgrado Bioinformática genómica: Ensembl y ArrayExpress, en marzo de 2009 en la ciudad de La Paz, Baja California Sur, México.

Beca de asistencia a 150 years of Darwin's Evolutionary Theory: a South American celebration (2009)

(Nacional)
Darwin 200 South American Celebration

Escuela Latinoamericana de Evolución (2009)

(Internacional)
Darwin 200 South American Celebration
La Escuela Latinoamericana de Evolución tiene como idea fundamental presentar y discutir parte de la diversidad de temas que se abordan con un enfoque evolutivo, sus diferentes herramientas metodológicas y marcos conceptuales. Así, se busca potenciar la tendencia unificadora que tiene la teoría evolutiva en biología. La escuela será realizada en la Facultad de Ciencias - Universidad de la República, en Montevideo, durante dos semanas (del lunes 7 y al viernes 20 de Setiembre de 2009). En la primera semana se realizarán cuatro o cinco conferencias por día, mientras que la segunda

semana se llevarán a cabo también actividades prácticas. Algunos de los temas que serán abordados son: Evolución Molecular Meta-Genómica y Genómica ambiental Metodos Comparativos Cladística Filoinformática Genómica de Poblaciones Microevolución y biogeografía Filogeografía Paleoecología Fisiología Evolutiva Evolución y Ontogenia Modelos matemáticos en evolución Ecología Molecular Evolución de la Sociabilidad Evolución del Lenguaje

PRESENTACIONES EN EVENTOS

XVI Jornadas Nacionales de Antropología Biológica (2023)

Congreso
ESTRUCTURACION GENÉTICA EN EL URUGUAY
Argentina
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 10
Nombre de la institución promotora: Asociación de Antropología Biológica Argentina
Alcance geográfico: Regional

Congreso interdisciplinario COVID 19, pandemia y pospandemia (2022)

Congreso
Dinámica de la epidemia de COVID-19 en Uruguay: biología viral y epidemiología
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: Espacio Interdisciplinario

XVII Congreso Latinoamericano de Genética (2019)

Congreso
Estudio de asociación de cancer de colon en la población mexicana y comparacion con regiones asociadas en poblaciones europeas.
Argentina
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Genética Palabras Clave: Genética Humana Epidemiología Genética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética

XVII Congreso Latinoamericano de Genética (2019)

Congreso
Diversidad genómica en cáncer de mama esporádico en una población latina
Argentina
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Genética Palabras Clave: Cancer de mama Genética humana Población latina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética

Jornadas de Estadística aplicada (2017)

Encuentro
Jornadas de Estadística Aplicada
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 16
Nombre de la institución promotora: MAREN Palabras Clave: Base de mortalidad
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología

VI Congreso de Psicología Médica (2015)

Congreso
VI Congreso de Psicología Médica
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 4 Palabras Clave: Epidemiología Carga Global de Enfermedad Salud Publica
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Carga Global de Enfermedad

II Congreso Internacional de Genética Comunitaria (2014)

Congreso

II Congreso Internacional de Genética Comunitaria

Cuba

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Sociedad Cubana de Genética Humana Palabras Clave:

Genética Humana Polimorfismo Población Mestizada

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Humana

Este poster nace de un asesoría que realicé con un estudiante mexicano.

Cancer Genomics in Diagnosis and Therapy (2013)

Taller

Cancer Genomics in Diagnosis and Therapy

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 4

Nombre de la institución promotora: IIBCE Palabras Clave: Bioinformática Cáncer de colon GWAS

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genética de poblaciones

El curso de Genómica de Cáncer dictado en el Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente

Estable y la Facultad de Ciencias desde el 5-15 de noviembre de 2013. El curso consta de

actividades prácticas y teóricas dictadas por médicos e investigadores básicos de la región, Está

dirigido especialmente a estudiantes de posgrado de ciencias y medicina.

XIV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2012)

Congreso

Efecto de los procesos microevolutivos en la estructura haplotípica de la región 16q asociada a melanoma.

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 20

Nombre de la institución promotora: SUB Palabras Clave: Melanoma Mapeo Genético Estructura haplotípica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

El melanoma esporádico está aumentando su incidencia mundial, particularmente en poblaciones

europeas o con contribución genética europea, como es el caso de Uruguay. Recientemente,

describimos la región 16q24 como asociada a melanoma maligno para el Uruguay. Sin embargo, la

fracción explicada por mutaciones del gen candidato MC1R para esta región, es menor a la

esperada. Por otra parte, la estructura haplotípica del gen indicaba un posible origen no-europeo de

la región reguladora. Esto impulsó el análisis de una región cromosómica mayor (7Mb) para

comprender el origen y estructura de la región que pueda explicar los hallazgos previos. Se

analizaron 21 SNPs con características de marcadores informativos de ancestralidad para

poblaciones de los cinco continentes junto con muestras de casos y controles de melanoma y cáncer

de mama de Uruguay. También se simuló factores microevolutivos (recombinación, migración,

crecimiento poblacional) para explicar la estructura haplotípica observada en la población de

Uruguay. Se observó la presencia de estructuras haplotípicas exclusivas de poblaciones

mestizadas, así como haplotipos particulares para ambos cánceres. También se identificaron

haplotipos asociados a melanoma pero que no son frecuentes en Europa. Finalmente, al evaluar el

efecto de factores microevolutivos se detecta que las proporciones en que cada parental

contribuye a la formación de la híbrida es el factor con mayor efecto sobre las estructuras

haplotípicas. En suma, se evidencia una alta complejidad en la región 16q y un efecto importante de

la historia demográfica que tienen que ser considerados al interpretar las causas de melanoma

esporádico en poblaciones mestizadas.

Décimas Jornadas Nacionales de Antropología Biológica (2011)

Congreso

HAPLOTIPOS DE LA REGIÓN 16q24 EN LA POBLACIÓN URUGUAYA: CONSIDERACIONES HISTÓRICO-DEMOGRÁFICAS.

Argentina

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: AABA Asociación de Antropología Biológica de la Argentina
Palabras Clave: Haplotipo Poblacion uruguaya HapMap Historia-Demografia

Areas de conocimiento:

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades / Antropología Biológica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

HAPLOTIPOS DE LA REGION 16q24 EN LA POBLACION URUGUAYA: CONSIDERACIONES HISTORICO-DEMOGRAFICAS. Colistro V*, Bertoni B. *Departamento de Genética. Facultad de Medicina. UdelaR. vcolistro@fmed.edu.uy Un SNP es el resultado de una mutación puntual. Un set específico de alelos encontrados en un cromosoma se denomina haplotipo. Haplotipos nuevos se forman por mutaciones o por procesos de recombinación cuando los cromosomas maternos y/o paternos intercambian segmentos de ADN, dando como resultado un cromosoma que es un mosaico de los haplotipos parentales. La co-heredabilidad de los SNPs en los haplotipos conduce a un desequilibrio de ligamiento (DL) entre esos alelos en cada población. Los patrones de DL reflejan una historia de la recombinación y los eventos demográficos que tuvieron lugar en la población estudiada. El Proyecto HapMap habilitó el acceso a una gran cantidad de SNPs en cientos de individuos de diversas poblaciones mundiales, sin embargo, incluso en su última versión que incluye 11 poblaciones mundiales, hay una subrepresentación de poblaciones mestizadas. Esto limita los estudios del efecto de los procesos micro-evolutivos sobre las estructuras haplotípicas ya que han sido propuestas como la principal fuerza generadora de diversidad de los patrones de DL. En la presente investigación se estudió la región terminal del cromosoma 16 (16q24) de la población uruguaya que tiene una clara historia genética de mestizaje y se comparó con poblaciones presentes en HapMap fase II. Los haplobloques se armaron en base a 17 SNPs y se utilizó Haploview para su visualización. Las gráficas de DL se diferencian por la presencia de dos bloques de DL en la población uruguaya en comparación con las poblaciones europea, asiática y africana. Esto deja en evidencia el efecto del mestizaje sobre la estructura en haplobloques.

SEGUNDAS JORNADAS DE GENÉTICA DEL URUGUAY (2011)

Congreso

Comparación de la estructura haplotípica en regiones asociadas a cáncer de colon de poblaciones humanas

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 16

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética Palabras Clave: Cancer de colon Mapeo por mestizaje SNPs Single Nucleotide Polymorphism

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Sociales / Otras Ciencias Sociales / Ciencias Sociales Interdisciplinarias / Ciencias

Antropológicas

Comparación de la estructura haplotípica en regiones asociadas a cáncer de colon de poblaciones humanas Colistro V*, Mut, P.*, Hidalgo, P.C.*, Sans, M.* *Departamento de Antropología Biológica, FHUCE, UdelaR. Financiamiento: Comisión Europea, 7mo. Programa Marco, Health 2007-2.4.1-14 (Ian Tomlinson, Luis Carvajal-Carmona) La posibilidad de acceso a la información sobre la distribución de un gran número de SNPs (Single Nucleotide Polymorphisms) en poblaciones que tienen una amplia distribución continental ha permitido determinar las estructuras de bloques haplotípicos de SNPs que potencialmente permiten la caracterización de las mismas. En este estudio nos proponemos analizar la existencia de bloques de haplotipos de SNPs en regiones específicas del genoma asociados con genes que en estudios previos se ha comprobado que están asociados al cáncer colorrectal (CRC), como base para el proyecto Genetic study of Common Hereditary Bowel Cancers in Hispania and the Americas, cuyos objetivos son, entre otros, detectar SNPs relacionados a CCR con efecto común en América Latina y Europa así como SNPs con efecto específico en América Latina. Se analizaron siete regiones del genoma en las que estudios previos indicaban genes que confieren riesgo para CRC. Estos genes (MYH, MSH2, MSH6, MLH1, APC, PMS2 y Braf) se distribuyen en cinco cromosomas (cr. 1, 2, 3, 5 y 7). Los SNPs asociados a estas regiones se compararon en seis de las poblaciones presentes en HapMap (fase III), elegidas por su relación con poblaciones Latinoamericanas y, en el caso de la población china, por su posible semejanza con indígenas americanos: 1) residentes de Utah con ancestría europea (CEU), 2) Yorubas de Nigeria (YRI), 3) chinos Han de Beijing (CHB), 4) residentes de Los Ángeles con ancestría mexicana (MEX), 5) toscanos de Italia (TSI) y 6) residentes de USA con ancestría africana (ASW). Para comparar las estructuras haplotípicas y los desequilibrios de ligamientos (DL) en las regiones cromosómicas seleccionadas se empleó el software Haploview. El panel de SNPs utilizado en este estudio y las poblaciones consideradas no permitieron encontrar un patrón de DL específico en ninguna de las poblaciones. Sin embargo se pudieron observar ciertas tendencias al tener en cuenta, como el fraccionamiento y la extensión de los haplobloques observados. En base a los resultados se puede considerar que es necesario contar con un panel de SNPs mas amplio, y en

particular, desarrollar un panel de SNPs específicos para predecir el riesgo de CCR en la población Latinoamericana. Asimismo, se deben obtener datos de poblaciones nativas americanas; la carencia de estos últimos es uno de los mayores problemas con que cuenta el HapMap.

XIV Congreso Latinoamericano de Genética (2010)

Congreso

Identificación de regiones genómicas asociadas a melanoma esporádico en Uruguay.

Chile

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 20

Nombre de la institución promotora: Sociedad Latinoamericana de Genética Palabras Clave: Mapeo por mestizaje Genética Melanoma Esporadico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología Genética

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Humana

Hochmann J1, Cappetta M1, Pérez J2, Colistro V1, Larre Borges A2, Nicoletti S2, Velázquez T1,

Souto J1, Roche L1, Ribas G3, Berdasco M4, Martínez M2, Bertoni B1. 1Dpto. Genética, 2Cátedra de Dermatología, Facultad de Medicina, UDELAR, Uruguay. 3UCIM, Universidad de Valencia.

4PEBC-IDIBELL, Barcelona. jhochmann@fmed.edu.uy El melanoma esporádico es un cáncer con un aumento constante de su incidencia mundial, particularmente en poblaciones europeas o con contribución genética europea. En Uruguay, la tasa de incidencia es cercana a las europeas.

Buscando comprender la susceptibilidad al desarrollo de melanoma en nuestra población abordamos un análisis amplio desde una visión genética y epigenética. Utilizamos la ancestralidad para detectar regiones cromosómicas involucradas aplicando mapeo por mestizaje. Se analizaron 40 SNPs informativos de ancestralidad y 8 SNPs de la región MC1R del cromosoma 16, en 60 pacientes y 60 controles. Analizamos diferencias epigenéticas en leucocitos mediante cuantificación de mC como medida de metilación global. La ancestralidad general no presenta diferencias significativas. Sin embargo, en el cromosoma 16, la región que incluye el gen MC1R podría ser candidata a susceptibilidad al melanoma ($p=0,0036$). Aunque no podemos asegurar asociación directa con MC1R, la distribución de frecuencias en los casos muestra un exceso de haplotipos europeos de la región promotora del gen. El resultado de nivel de metilación genómica sugiere una situación comparable a la observada en otros tipos de cáncer. Las aproximaciones empleadas constituyen una herramienta importante para la detección de regiones genómicas que confieren susceptibilidad al melanoma.

I Congreso Internacional de Salud Ambiental. Ambiente sano, gente sana. (2010)

Congreso

Exposición a trihalometanos durante el embarazo y bajo peso al nacer en Montevideo-Uruguay.

México

Tipo de participación: Poster Palabras Clave: Trihalometanos Salud ambiental

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Epidemiología Ambiental

Exposición a trihalometanos durante el embarazo y bajo peso al nacer en Montevideo-Uruguay.

Zapopan, Jalisco México 18 al 21 de Octubre 2010.

Primeras Jornadas de Genética del Uruguay (2008)

Congreso

APROXIMACIÓN AL MAPEO POR MESTIZAJE; VENTAJAS, PROBLEMAS Y EL MELANOMA ESPORÁDICO

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética Palabras Clave: Mapeo por mestizaje Marcadores Genéticos

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genética Médica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epidemiología Genética

APROXIMACIÓN AL MAPEO POR MESTIZAJE; VENTAJAS, PROBLEMAS Y EL MELANOMA

ESPORÁDICO. Jimena Hochmann, Mónica Capetta, Valentina Colistro y Bernardo Bertoni_ En los últimos años se ha desarrollado una nueva metodología en estudios de asociación en enfermedades multifactoriales, denominado mapeo por mestizaje. Esta metodología se basa en dos premisas; el desequilibrio de ligamiento que se genera al mezclarse dos o más poblaciones y la mayor incidencia de la enfermedad en una de las poblaciones parentales. Frente a esto, las poblaciones híbridas americanas surgen como las más adecuadas para este tipo de estudios. En los últimos años se ha centrado el esfuerzo en estudiar las características epidemiológicas y la estructura poblacional

usando diferentes marcadores moleculares en las poblaciones mestizadas. Sobre esto último, presentamos los resultados de simulaciones en una población mestizada de los efectos de la historia demográfica y mutación sobre los microsatélites en completo ligamiento. Los datos indican que en ciertas situaciones se afectan los cálculos de desequilibrio de ligamiento. Por otra parte, se presentan los marcadores informativos de ancestralidad (MIAs) aplicados en un estudio en melanoma esporádico. Se encontró una asociación significativa entre el marcador PV92 y la enfermedad. Este marcador se ubica en la región cromosómica 16q23.3, adyacente al locus donde se encuentra el gen MC1R (16q24.3), descripto como un gen candidato. Frente a la masividad de recursos que implican los Genome Wide Association Studies el mapeo por mestizaje parece ser una opción razonable para aplicarse con los recursos que disponemos en Uruguay.

XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2007)

Congreso

LOS FACTORES EVOLUTIVO/DEMOGRÁFICOS EN LOS PSEUDOEQUILIBRIOS DE LIGAMIENTO Y LA TASA DE MUTACIÓN DE MICROSATÉLITES.

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: SUB Palabras Clave: Desequilibrio de ligamiento Factores Evolutivos Tasa de mutacion

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolucion

LOS FACTORES EVOLUTIVO/DEMOGRÁFICOS EN LOS PSEUDOEQUILIBRIOS DE

LIGAMIENTO Y LA TASA DE MUTACIÓN DE MICROSATÉLITES. V. Colistro¹ y B. Bertoni¹,

¹Departamento de Genética, Facultad de Medicina. Udelar. Montevideo. Email:

vcolistro@fmed.edu.uy La región varón específica del cromosoma Y, por carecer de recombinación,

representa una oportunidad única para estudiar los efectos de los procesos evolutivos. La tasa de

crecimiento, migración o mutación moldean la estructura génica de las poblaciones. Sin embargo,

estos factores pueden afectar la estimación de desequilibrio de ligamiento (LD) o de la propia tasa

de mutación, sin ser detectados. En estudios previos, al analizar la dinámica de los haplotipos del

cromosoma Y, basados en microsatélites, se encuentran pseudoequilibrios de ligamiento en las

poblaciones naturales. En el presente trabajo, se analizó el efecto de estos factores sobre el

establecimiento de pseudoequilibrios de ligamiento y en la estimación de la tasa de mutación.

Aplicando un modelo coalescente se simuló el efecto de diferentes escenarios

demográficos/evolutivos, que incluyen mutación, migración y crecimiento poblacional, en la

estimación del LD. Mientras que en los casos con crecimiento poblacional se analizó la tasa de

mutación. En escenarios de 2 y 3 poblaciones, con tamaños efectivos entre 10000 y 20000

individuos, donde variaron los factores antes mencionados, se analizaron 3 microsatélites

totalmente ligados. Se ejecutaron 1000 simulaciones en cada caso, se estimó LD mediante la

prueba exacta de Fisher y la tasa de mutación a partir de θ ($4N\mu$). Los resultados de las

simulaciones indican que los pseudoequilibrios de ligamiento se establecen en valores similares a

los observados en las poblaciones naturales. En cuanto a la estimación de la tasa de mutación se

detecta un desvío de lo esperado frente a tasas de crecimiento altas. Estos resultados sugieren que

en la estimación de LD o la tasa de mutación es necesario considerar varios modelos para la historia

evolutiva de la población.

VIII Jornadas Nacionales de Antropología Biológica (2007)

Congreso

Análisis de pseudoequilibrio de ligamiento del cromosoma Y mediante simulaciones de diversos factores evolutivos

Argentina

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: AABA Palabras Clave: Antropología Biológica Evolucion Humana

Areas de conocimiento:

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades / Antropología Biológica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolucion

ANÁLISIS DE PSEUDOEQUILIBRIOS DE LIGAMIENTO DEL CROMOSOMA Y MEDIANTE

SIMULACIONES DE DIVERSOS FACTORES EVOLUTIVOS. Bernardo Bertoni* y Valentina

Colistro* * Depto. de Genética. Facultad de Medicina. Udelar. Montevideo-Uruguay. E-mail:

bbertoni@fmed.edu.uy. La región varón específica del cromosoma Y, es extensamente estudiada a

nivel de la evolución humana, siendo una oportunidad única para analizar los efectos de factores

evolutivos en la dinámica de los haplotipos basados en microsatélites por carecer de

recombinación. En diferentes poblaciones distribuidas a nivel mundial se encuentran pseudoequilibrios de ligamiento entre microsatélites del cromosoma Y. La detección de desequilibrios de ligamiento (LD), se considerarse una herramienta para evidenciar la acción de diversos factores evolutivos. Aplicando un modelo coalescente se simuló el efecto de diferentes escenarios demográficos/evolutivos, que incluyen mutación, migración y crecimiento poblacional en la estimación del desequilibrio de ligamiento. Para esto, se tomaron 3 microsatélites totalmente ligados y 3 poblaciones con tamaños efectivos de 10000 a 20000 individuos. Se muestrearon 100 cromosomas en cada una de las 1000 simulaciones realizadas para detectar LD mediante la prueba exacta de Fisher. Se observa que en los escenarios planteados se establece un pseudoequilibrio de ligamiento con valores cercanos a los observados en las poblaciones naturales. Es posible que los pseudoequilibrios encontrados se extiendan a los loci autosómicos en poblaciones donde se encuentren situaciones similares a las descritas.

Indicadores de producción

ACTIVIDADES	25
Líneas de investigación	3
Proyectos Investigación Desarrollo	6
Docencia	8
Extensión	1
Gestión Académica	1
Dirección Administración	1
Servicio Técnico Especializado	1
Pasantía	3
Otra Actividad Técnica	1
PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	63
Artículos publicados en revistas científicas	42
Completo	42
Trabajos en eventos	12
Libros y Capítulos	3
Libro publicado	2
Capítulos de libro publicado	1
Documentos de trabajo	6
Completo	6
PRODUCCIÓN TÉCNICA	6
Trabajos técnicos	6
EVALUACIONES	12
Evaluación de publicaciones	9
Jurado de tesis	3
FORMACIÓN RRHH	4
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	3

Otras tutorías/orientaciones	1
Tesis/Monografía de grado	2
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	1
Tesis de maestría	1