



MARTÍN GRAÑA ALFONSO

Dr.

mgrana@pasteur.edu.uy

Institut Pasteur Montevideo
; Mataojo 2020; Montevideo
o 11400; Uruguay
+598 2522 0910/x122

SNI

Ciencias Naturales y Exactas /
Ciencias Biológicas
Categorización actual: Nivel
I (Activo)

Fecha de publicación: 21/12/2018
Última actualización SNI: 21/12/2018

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioinformática / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas
Dirección: Mataojo 2020 / 11400 / Montevideo , Montevideo , Uruguay
Teléfono: (598) 2522 0910 / 122
Correo electrónico/Sitio Web: mgrana@pasteur.edu.uy

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Interfaces de la Chimie, de la Physique et de l'Informatique avec la Biol. (2004 - 2007)

Universite de Paris VI (Pierre et Marie Curie) , Francia
Título de la disertación/tesis: Structure/Function Studies on mycobacterial hypothetical proteins
Tutor/es: Pedro Alzari
Obtención del título: 2007
Palabras Clave: Mycobacterium tuberculosis Structural Genomics Function Discovery Structural Bioinformatics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

MAESTRÍA

D.E.A. (Diplôme d'Études Approfondies) (2002 - 2003)

Universite de Paris XI (Paris-Sud) , Francia
Título de la disertación/tesis: Analysis of the regulatory network controlled by the transcription factor HAP in the baker yeast, Saccharomyces cerevisiae
Tutor/es: Agnès Delahodde
Obtención del título: 2003
Financiación:
Université Paris XI Orsay , Francia
Palabras Clave: Redes de regulación génica transcriptoma bioinformática genómica Northern blot genética molecular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (1995 - 2001)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Título de la disertación/tesis: Homeostasis, más de 140 años de observación, experimentación y modelos

Tutor/es: Luis Acerenza
Obtención del título: 2001
Palabras Clave: Biofísica modelización
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Human Genome Tour 2016: from NGS Technologies to Evolutionary and Medical Genomics (01/2016 - 01/2016)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
108 horas
Palabras Clave: Next Generation Sequencing

Macromolecular Crystallography School "From data processing to structure refinement and beyond" (01/2014 - 01/2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de San Pablo , Brasil
100 horas

'Modeling and analysis in Systems Biology' (01/2010 - 01/2010)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de Chile , Chile
25 horas
Palabras Clave: systems biology metabolic engineering
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Macromolecular Crystallography: Introduction and Applications (01/2010 - 01/2010)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
52 horas

CIMPA-UNESCO SUMMER SCHOOL: Mathematical and Computational Methods in Biolo (01/2004 - 01/2004)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Centre International de Mathématiques Pures et Appliquées , Chile
100 horas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

European Science Foundation (ESF) course: Modelling Metabolic and Signal Transduction (01/2004 - 01/2004)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / University of Oxford , Inglaterra
30 horas

EMBO Practical Course in Bioinformatics: Data Mining and Genome Sequence Analysis (11/2003 - 11/2003)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / Facultad de Ciencias y Filosofía , Perú
120 horas

Evolucion viral (PEDECIBA) (01/1999 - 01/1999)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,

Uruguay
25 horas

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Integrative methods in Structural Biology to enhance high impact research in health and disease (2016)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: British Council, Uruguay

Researcher Connect Course (2015)

Tipo: Taller

Institución organizadora: British Council, Uruguay

Thiol Metabolism and Redox Regulation of Cellular Functions (2015)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: International Centre for Genetic Engineering and Biotechnology, Uruguay

IX jornadas de la SBBM (2015)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: SBBM, Uruguay

150 years of Darwin s Evolutionary Theory: a South American celebration (2009)

Tipo: Simposio

1era. Jornada Uruguaya de Bioinformática (Local) (2008)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: Institut Pasteur Montevideo, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Tercer seminario científico de cooperación franco-sudamericana en ciencias y tecnologías de la información y las comunicaciones. (2007)

Tipo: Seminario

Institución organizadora: Programa STIC-AMSUD, Uruguay

Young researchers congress at Pasteur Institute of Paris (2007)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Instituto Pasteur de París, Francia

XIth Workshop of the BioThermoKinetics Study Group (2004)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: European Science Foundation, Inglaterra

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Systems Biology

2as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2003)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: SBBM, Uruguay

6eme congres des Etudiants de l' Institut Curie (2003)

Tipo: Congreso

Jornadas de la SUB (2002)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SUB, Uruguay

XIV International Biophysics Congress (2002)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: IUPAB, Argentina

International Symposium Modeling Complex Biophysical Processes (2002)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: International Union of Pure and Applied Biophysics, Uruguay

Simposio Internacional sobre enfermedades priónicas en el animal y el hombre (2000)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: Facultad de Ciencias, Uruguay

IX Jornadas de la SUB (2000)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SUB, Uruguay

Idiomas

Español

Entiende bien / Habla bien / Lee bien / Escribe bien

Francés

Entiende bien / Habla bien / Lee bien / Escribe bien

Inglés

Entiende bien / Habla bien / Lee bien / Escribe bien

Portugués

Entiende bien / Habla bien / Lee bien / Escribe regular

Areas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Biología y Biología de la Evolución

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Biofísica

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Bioquímica y Biología Molecular

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias - UDeLaR

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (03/1999 - a la fecha)

,7 horas semanales

Desde mi entrada a la Sección Biofísica mantuve el vínculo con el Prof. Acerenza. Asimismo, vengo desarrollando colaboraciones con Héctor Romero (laboratorio OEG) y Beatriz Alvarez (laboratorio de Enzimología)

Escalafón: No Docente

Cargo: Interino

Becario (09/2003 - 12/2003)

Asistente de Investigación ,25 horas semanales

Proyecto CSIC a cargo del Prof. Dr Luis Acerenza

Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

Becario (07/2000 - 07/2002)

Asistente de Investigación ,25 horas semanales
Proyecto CSIC "Diseño modular de sistemas metabólicos", a cargo del Prof. Dr Luis Acerenza
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Macromolecular crowding: origins and necessary conditions for its onset (07/2002 - a la fecha)

Hipótesis para el origen del "apiñamiento macromolecular", de vastas consecuencias sobre la fisicoquímica in vivo. Este rasgo universal se examina desde una perspectiva protocelular, usando modelos mínimos que capturen dinámicas a escala fisiológica y evolutiva.

3 horas semanales

Facultad de Ciencias, Laboratorio de Biología de Sistemas , Integrante del equipo

Equipo: ACERENZA, L.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Leyes de escala en biología: el caso proteico (03/2006 - a la fecha)

Exploración de relaciones superficie/volumen con el tamaño de proteínas, estado de oligomerización; establecimiento de escenarios evolutivos para los patrones observados.

3 horas semanales

Facultad de Ciencias, Laboratorio OEG , Integrante del equipo

Equipo: ROMERO, H.

Palabras clave: scaling X-ray protein structure evolution

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Diseños modulares de sistemas metabólicos (07/2000 - 07/2002)

Construcción de modelos matemáticos mínimos describiendo dinámicas de la fisiología celular y de evolución poblacional.

25 horas semanales

Facultad de Ciencias, Biofísica , Integrante del equipo

Equipo: ACERENZA, L. , AROCENA, M.

Palabras clave: modular models experimental evolution Escherichia coli

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Dinámica evolutiva de la maquinaria traduccional y búsqueda de nuevos aminoácidos traduccionales (03/2006 - 03/2008)

Departamento de Biología , Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma

Investigación

Concluido

Equipo: ROMERO, H. (Responsable) , NAYA, H. , SALINAS, G. , MUSTO, H.

Modelización de la evolución de E. coli en condiciones de laboratorio (responsable: Luis Acerenza) (09/2003 - 12/2003)

Departamento de Biología , Sección Biofísica
Investigación
Concluido
Financiación:
Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Remuneración
Equipo: ACERENZA, L. (Responsable)

Diseño modular de sistemas metabólicos (07/2000 - 07/2002)

Departamento de Biología , Sección Biofísica
Investigación
Concluido
Financiación:
Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Beca
Equipo: ACERENZA, L. (Responsable) , AROCENA, M.

DOCENCIA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (09/2007 - 12/2007)

Perfeccionamiento

Asignaturas:

Introducción a la Genómica Computacional (PEDECIBA, responsable Dr. H. Musto). Tema cubierto: "Conceptos y métodos en bioinformática estructural para la anotación genómica (6hs)", 3 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / X-ray crystallography
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Licenciatura en Ciencias Biológicas (09/2001 - 12/2001)

Grado

Asignaturas:

Unicidad química de la biósfera y mecanismos genéticos básicos; en el seminario de introducción a la biología "Orígenes de la vida: aspectos químicos y evolución prebiótica", organizado por la Sección Biofísica., 2 horas, Teórico

Vida en condiciones extremas (2hs); en el curso "Planetología y exobiología", organizado por Julio Fernández (Dpto de Astronomía, Instituto de Física), 2 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Licenciatura en Ciencias Biológicas (03/2000 - 07/2000)

Grado

Asignaturas:

Participación en prácticos del curso curricular de Biofísica; 65hs (3 grupos, 13 semanas), 5 horas, Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Licenciatura en Ciencias Biológicas (09/1999 - 12/1999)

Grado

Asignaturas:

Unicidad química de la biósfera y mecanismos genéticos básicos; en el seminario de introducción a la biología "Orígenes de la vida: aspectos químicos y evolución prebiótica", organizado por la Sección Biofísica., 2 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

GESTIÓN ACADÉMICA

Delegado estudiantil al Consejo (12/1995 - 12/1997)

Participación en cogobierno

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2007 - a la fecha)

Investigador asociado ,52 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Uso de información estructural en anotación genómica (11/2007 - a la fecha)

La herramienta estándar para anotar genomas es la "transferencia de función por homología" a nivel de la secuencia peptídica. Dada la evolución más lenta de la estructura 3D con respecto a la secuencia, dadas dos estructuras geoméricamente similares, es posible diagnosticar homologías no detectables con las herramientas de comparación de secuencias. Los perfiles consisten en alineamientos múltiples guiados por estructuras, que atribuyen pesos (empíricos) más altos a ciertas regiones de la secuencia.

20 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática, Coordinador o Responsable

Equipo:

Palabras clave: Cristalografía de proteínas Análisis bioinformático Proteínas hipotéticas Anotación de función molecular

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Uso de estrategias genómicas para el estudio de dinámica evolutiva del gen de la flavodoxina en organismos fotosintéticos (09/2012 - 09/2014)

5 horas semanales

Desarrollo

Integrante del Equipo

Cancelado

Financiación:

Consejo Nacional de Innovación, Ciencia y Tecnología (CONICYT), Uruguay, Beca

Dirección de Ciencia y Tecnología, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ROMERO, H. (Responsable)

Structural biology and Leptospira virulence regulation: a multidisciplinary approach (09/2010 - 09/2012)

Proyecto piloto de 2 años para avanzar en la comprensión molecular y epidemiológica de la leptospirosis, una importante zoonosis que afecta la salud humana y nuestra economía.

5 horas semanales

ACTIONS CONCERTÉES INTERPASTEURIENNES (ACIP)

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:3

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: BUSCHIAZZO, A. (Responsable) , GRAÑA, M. , KO, A, PICARDEAU, M
Palabras clave: genómica epidemiología biología molecular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / cristalografía
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Relaciones estructura/función de proteínas de interés fundamental y biomédico (02/2009 - 08/2010)

Proyecto FCE2007_377
20 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Equipo: ALVAREZ, B. , ALZARI, P. , GRAÑA, M. (Responsable)
Palabras clave: Bioinformática Estructural
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Merging, InduCing and Reasoning with Ontologies in BIOinformatics - The MICROBIO Project (02/2008 - 02/2010)

<http://www.microbioamsud.net>
3 horas semanales
Instituto Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Equipo: NAYA, H. , MINEL, JL (Responsable) , ATKINSON, J. , ALONSO ALEMANY, L. ,
MONCECCHI, G. , WONSEVER, D.
Palabras clave: bioinformática Natural Language Processing Bio-Ontologías Bio-Text Mining

Data Quality Management for Model Improvement in GWAS (06/2008 - 06/2009)

Proyecto financiado por Microsoft Research. Colaboración con el INCO de Facultad de Ingeniería (Raúl Ruggia y colaboradores).
3 horas semanales
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática
Desarrollo
Integrante del Equipo
En Marcha
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: NAYA, H. (Responsable) , RUGGIA, R. (Responsable) , ETCHEVERRY, L. , GONZÁLEZ, L. ,
PERALTA, V. , MAROTTA, A. , RAGGIO, V
Palabras clave: Genome Wide Association Studies (GWAS) Quality Metrics Meta-Analysis NLP -
text mining
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

DOCENCIA

Universidade de Rio Grande do Norte (10/2017 - 10/2017)

Doctorado
Invitado
Asignaturas:
Computational tools for parasite biology, 30 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /

Licenciaturas en Biociencias (09/2016 - 10/2016)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Herramientas para el análisis de secuencias, 8 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PEDECIBA - Maestría en Bioinformática (06/2011 - 09/2011)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Bioinformática I, 6 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA Biología, Biofísica (11/2010 - 11/2010)

Grado

Invitado

PEDECIBA (11/2010 - 11/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Taller de Bioinformática, 6 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA (03/2010 - 03/2010)

Doctorado

Invitado

Asignaturas:

Expresión de proteínas recombinantes, 2 horas, Teórico

(07/2009 - 09/2009)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Bioinformática I, 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

(09/2009 - 09/2009)

Doctorado

Invitado

Asignaturas:

I Escuela Latinoamericana de Evolución, 40 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad /

(04/2009 - 07/2009)

Grado

Asignaturas:

Herramientas para el análisis de secuencias, 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /

(11/2008 - 12/2008)

Maestría

Asignaturas:

Producción de proteínas recombinantes, 20 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

(09/2008 - 12/2008)

Maestría

Asignaturas:

Introducción a la Genómica Computacional, 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

(03/2008 - 06/2008)

Grado

Asignaturas:

Herramientas para el análisis de secuencias, 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

(05/2008 - 05/2008)

Doctorado

Asignaturas:

Curso INTA-Castelar "Alineamientos de secuencias y artes afines" (<http://inta08.blogspot.com/>), 50 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

(12/2007 - 12/2007)

Perfeccionamiento

Asignaturas:

A bioinformatics approach to protein analysis (2hs); en el curso ICGEB/OPS/RELAB "Replicative & evolutionary aspects of hepatitis viruses", 4-10 diciembre, Pta del Este; organizado por Prof. Juan Cristina., horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

(09/2007 - 12/2007)

Maestría

Asignaturas:

Conceptos y métodos en bioinformática estructural para la anotación genómica (6hs). Curso

PEDECIBA "Introducción a la Genómica Computacional" (responsable: Héctor Romero), horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

EXTENSIÓN

Charla SemanaCyt09: "Evolución: Principio Unificador en Biología". Brindada una vez en el Liceo de Progreso, 29 de mayo 2009, y dos veces en el Liceo nro 2 de Juan Lacaze, 13 de agosto 2009 (05/2009 - 08/2009)

10 horas

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - FRANCIA

Institut Pasteur de Paris

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (08/2004 - 10/2007)

Doctorando ,60 horas semanales / Dedicación total

Becario (03/2004 - 07/2004)

Pasante de investigación (cooperación Fr-Uy) ,60 horas semanales / Dedicación total
Período de pasantía que desembocaría en mi inscripción al programa de doctorado.

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudios estructura/función de proteínas hipotéticas micobacterianas (doctorado) (09/2004 - 10/2007)

Instituto Pasteur París, Unidad de Bioquímica Estructural

Equipo:

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / X-ray crystallography

PASANTÍAS

(03/2004 - 08/2004)

Instituto Pasteur París, Unidad de Bioquímica Estructural

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - INGLATERRA

European Bioinformatics Institute

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (10/2006 - 12/2006)

Marie Curie PhD Bioinformatics fellowship ,60 horas semanales / Dedicación total

Obtención de una "Marie Curie PhD Fellowship in Bioinformatics" durante el doctorado en París

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Structure-based function discovery (09/2006 - 12/2006)

Inferir funciones bioquímicas de proteínas no anotadas, usando como herramienta el análisis de estructuras cristalográficas.

60 horas semanales

Institut Pasteur de Paris, Unité de Biochimie structurale , Coordinador o Responsable

Equipo:

Palabras clave: Structural Genomics bioinformática crystal structures

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática /

PASANTÍAS

(09/2006 - 12/2006)

European Bioinformatics Institute, Grupo de Janet Thornton

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 1 hora

Carga horaria de investigación: 40 horas

Carga horaria de formación RRHH: 2 horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: 4 horas

Producción científica/tecnológica

La Biología Estructural en particular la cristalografía de macromoléculas tiene edad y madurez similares a la Biología Molecular. Uruguay no cuenta con antecedentes en la disciplina. La reciente creación del Institut Pasteur de Montevideo (IPMont) introdujo dicha disciplina, creando una unidad adecuadamente equipada y ya operativa. Estos nuevos datos no tienen aún un correlato en cuanto a la orientación de científicos hacia su plena interpretación y explotación.

Sin formación específica en cristalografía, trabajé directamente con cristalógrafos durante mi doctorado. Pude así familiarizarme con una serie de criterios, en particular para evaluar la calidad de los datos, o la pregunta biológica que se pretende responder con estructuras tridimensionales (3D) y de forma similar, la pertinencia de la respuesta dada por un enfoque estructural. El análisis de esta información apela al intenso uso de herramientas computacionales. Mi tesis se centró en descubrir funciones bioquímicas partiendo de la estructura 3D. Esto fue hecho para proteínas hipotéticas micobacterianas cuyas estructuras fueron resueltas en el marco de la Genómica Estructural. Dicho trabajo se enmarcó en el área Bioinformática, más específicamente Bioinformática Estructural. (Las comillas señalan la difusa definición de dichas disciplinas.)

Como ocurre con el problema del plegamiento proteico, no existe aún teoría para la función molecular: dada una predicción funcional, no podemos medir cuán cerca o lejos estamos de la realidad. Predicciones funcionales exitosas suelen resultar del estudio comparativo de secuencias y estructuras. No disponemos aún de un protocolo automático y generalizado, siendo el análisis detallado el principal generador de hipótesis funcionales. La proliferación de estructuras 3D de proteínas sin anotación funcional, valida este tipo de emprendimiento, por cierto de bajos requerimientos materiales. En efecto, esta área requiere esencialmente científicos a gusto con la investigación a ciegas (guiada por datos, con pocas hipótesis previas), dispuestos a transitar lenguajes de diversas disciplinas, en particular física, química, biología y sus combinaciones. Dicho perfil corresponde con mi itinerario. La significación de mi trabajo podría resumirse en la capacidad de explotar datos disponibles y de gran potencia, susceptibles de guiar y/o coadyuvar programas experimentales. Naturalmente, esto me lleva a colaborar con colegas de diversas disciplinas, e.g., biólogos moleculares, físicos, matemáticos e informáticos. (Noviembre 2007.)

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Deep sequencing discovery of causal mtDNA mutations in a patient with unspecific neurological disease (Completo, 2018)

Spangenberg, L. , GRAÑA, M. , Mansilla, S. , Robello, C , Greif, G. , Quijano, C , Raggio, V. , Naya, H. Mitochondrion, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genómica - Bioinformática - Clínica

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Genómica - Bioinformática - Clínica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15677249

<https://doi.org/10.1016/j.mito.2018.09.004>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Functional diversity of secreted cestode Kunitz proteins: Inhibition of serine peptidases and blockade of cation channels (Completo, 2017)

FLÓ, M. , MARGENAT, M. , PELLIZA, L. , GRAÑA, M. , DURÁN, R. , BáEZ, A. , SALCEDA, E. , SOTO, E. , ALVAREZ, B. , FERNÁNDEZ, C.

PLOS Pathogens, v.: 13(2) e1006169 , 2017

Palabras clave: Parasitology

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15537366

DOI: [10.1371/journal.ppat.1006169](https://doi.org/10.1371/journal.ppat.1006169)

<http://journals.plos.org/plospathogens/article?id=10.1371/journal.ppat.1006169>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Bacterial kinesin light chain (Bklc) links the Btub cytoskeleton to membranes (Completo, 2017)

AKENDENGUE, L , TRÉPOUT, S , GRAÑA, M. , VOEGELE, A , JANKE, C , RAYNAL, B , CHENAL, A , MARCO, S , WEHENKEL, A

Scientific Reports, v.: 7 45668 , 2017

Palabras clave: structural biology

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: UK

ISSN: 20452322

DOI: [10.1038/srep45668](https://doi.org/10.1038/srep45668)

<http://www.nature.com/articles/srep45668>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Arabidopsis HAP2/GCS1 is a gamete fusion protein homologous to somatic and viral fusogens (Completo, 2017)

VALANSI, C , MOI, D , LEIKINA, E , MATVEEV, E , GRAÑA, M. , CHERNOMORDIK, LV , ROMERO, H. , AGUILAR, PS , PODBILEWICZ, B

Journal of Cell Biology, v.: 216(3) p.:571 - 581, 2017

Palabras clave: Structural Bioinformatics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: United States

ISSN: 00219525

DOI: [10.1083/jcb.201610093](https://doi.org/10.1083/jcb.201610093)

<http://jcb.rupress.org/content/216/3/571>

Preview en Cell ("What Came First the Virus or the Egg?")

<http://dx.doi.org/10.1016/j.cell.2017.02.012> Seleccionado en F1000 (DOI:

10.3410/f.727254634.793528651)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Transcriptome Sequencing Reveals Wide Expression Reprogramming of Basal and Unknown Genes in Leptospira biflexa Biofilms (Completo, 2016)

IRAOLA, G. , SPANGENBERG L , LOPEZ BASTOS, B. , GRAÑA, M. , VASCONCELOS, L. , ALMEDA,

A, GREIF, G, ROBELLO, C, RISTOW, P., NAYA, H.

mSphere, v.: 1 2 e00042, p.:1 - 16, 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: US

ISSN: 23795042

DOI: [10.1128/mSphere.00042-16](https://doi.org/10.1128/mSphere.00042-16)

<http://msphere.asm.org/content/1/2/e00042-16.abstract>

3697G>A in MT-ND1 is a causative mutation in mitochondrial disease (Completo, 2016)

SPANGENBERG, L, GRAÑA, M., GREIF, G, SUAREZ-RIVERO, JM, KRYSZTALC, K, TAPIÉ, A., BOIDI, M, FRAGA, V, LEMES, A, GUEÇAIMBURÚ, R, CERISOLA, A, SÁNCHEZ-ALCÁZAR, JA, ROBELLO, C, RAGGIO, V, NAYA, H.

Mitochondrion, v.: 28 p.:54 - 59, 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Genómica - Bioinformática - Clínica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15677249

DOI: [10.1016/j.mito.2016.03.006](https://doi.org/10.1016/j.mito.2016.03.006)

[https://linkinghub.elsevier.com/retrieve/pii/S1567-7249\(16\)30016-2](https://linkinghub.elsevier.com/retrieve/pii/S1567-7249(16)30016-2)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Ciliary Entry of the Hedgehog Transcriptional Activator Gli2 Is Mediated by the Nuclear Import Machinery but Differs from Nuclear Transport in Being Imp- α / β 1-Independent (Completo, 2016)

TORRADO, B, GRAÑA, M., BADANO, J. L., IRIGOÍN, F.

PLoS ONE, 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 19326203

DOI: [10.1371/journal.pone.0162033](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0162033)

<http://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0162033>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

α -Dendrotoxin inhibits the ASIC current in dorsal root ganglion neurons from rat (Completo, 2015)

BÁEZ, A., SALCEDA, E., FLÓ, M., GRAÑA, M., FERNÁNDEZ, C., VEGA, R., SOTO, E.

Neuroscience Letters, 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03043940

DOI: [10.1016/j.neulet.2015.08.034](https://doi.org/10.1016/j.neulet.2015.08.034)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S030439401530104X>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A new class of thioredoxin-related protein able to bind iron-sulfur clusters (Completo, 2015)

BISIO, H, BONILLA, M., MANTA, B., GRAÑA, M., SALZMAN, V., AGUILAR, P., GLADYSHEV, VN, COMINI, MA, SALINAS, G.

Antioxidants & redox signaling, 24 4, p.:205 - 216, 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: US

ISSN: 15230864

DOI: [10.1089/ars.2015.6377](https://doi.org/10.1089/ars.2015.6377)

<http://online.liebertpub.com/doi/10.1089/ars.2015.6377>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Environmental selection pressures related to iron utilization are involved in the loss of the flavodoxin gene from the plant genome (Completo, 2015)

PIERELLA KARLUSICH, J.J. , CECCOLI, R.D. , GRAÑA, M. , ROMERO, H. , CARRILLO, N.

Genome Biology and Evolution, v.: 7 3 , p.:750 - 767, 2015

Palabras clave: flavodoxin

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Oxford

ISSN: 17596653

DOI: [10.1093/gbe/evw031](https://doi.org/10.1093/gbe/evw031)

<https://academic.oup.com/gbe/article-lookup/doi/10.1093/gbe/evw031>

Scopus® WEB OF SCIENCE®

Inhibition of Mycobacterium tuberculosis PknG by non catalytic rubredoxin domain specific modification: reaction of an electrophilic nitro-fatty acid with the Fe-S center (Completo, 2013)

GIL, M. , GRAÑA, M. , SCHOPFER, FJ , WAGNER, T. , DENICOLA, A. , FREEMAN, BA , ALZARI, PM ,

BATTHYÁNY, C , DURÁN, R.

Free Radical Biology and Medicine, 2013

Palabras clave: Protein kinase

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 08915849

DOI: [10.1016/j.freeradbiomed](https://doi.org/10.1016/j.freeradbiomed)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S089158491300302X>

Scopus® WEB OF SCIENCE®

The redox properties of the unique heme in cystathionine β -synthase (Completo, 2013)

CUEVASANTA E , CARBALLAL, S. , GRAÑA, M. , ALVAREZ, B.

, v.: 9 1-4 , p.:27 - 34, 2013

Palabras clave: cystathionine β -synthase heme

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Enzimología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Enzimología

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: ISSN: 2191-2491

ISSN:

<http://www.degruyter.com/view/j/irm.2013.9.issue-1-4/issue-files/irm.2013.9.issue-1-4.xml>

Characterization of CCDC28B reveals its role in ciliogenesis and provides insight to understand its modifier effect on Bardet-Biedl syndrome (Completo, 2013)

CARDENAS-RODRIGUEZ, M. , OSBORN, D. , IRIGOÍN, F. , GRAÑA, M. , BEALES, P. , ROMERO, H. ,

BADANO, J.L.

Human Genetics, v.: 132 1 , p.:91 - 105, 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología del Desarrollo /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03406717

DOI: [10.1007/s00439-012-1228-5](https://doi.org/10.1007/s00439-012-1228-5)

<http://dx.doi.org/10.1007/s00439-012-1228-5>

Scopus® WEB OF SCIENCE®

The eisosome core is composed of BAR domain proteins (Completo, 2011)

OLIVERA-COUTO, A , GRAÑA, M. , HARISPE, L , AGUILAR, PS

Molecular Biology of the Cell, v.: 22 p.:2360 - 2372, 2011

Palabras clave: eisosomes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 10591524

DOI: [10.1091/mbc.E10-12-1021](https://doi.org/10.1091/mbc.E10-12-1021)

<http://www.molbiolcell.org/content/22/13/2360.full>

doi:10.1091/mbc.E10-12-1021

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Identifying associations between amino acid changes and meta information in alignments (Completo, 2011)

SPANGENBERG L , BATTKE F , GRAÑA, M. , NIESELT K , NAYA, H.

Bioinformatics (Oxford, England), 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 13674803

DOI: [10.1093/bioinformatics/btr476](https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btr476)

<http://bioinformatics.oxfordjournals.org/content/early/2011/08/16/bioinformatics.btr476.abstract>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Identification of relations between risk factors and their pathologies or health conditions by mining scientific literature (Completo, 2010)

HAMON, T , GRAÑA, M. , RAGGIO, V , GRABAR, N. , NAYA, H.

MEDINFO 2010 Proceedings of the 13th World Congress on Medical and Health Informatics, v.: 160 p.:964 - 968, 2010

Areas de conocimiento:

Ingeniería y Tecnología / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Sistemas de Automatización y Control / Procesamiento de Lenguaje Natural

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 09269630

DOI: [10.3233/978-1-60750-588-4-964](https://doi.org/10.3233/978-1-60750-588-4-964)

Scopus®

Structural and enzymatic insights into the ATP-binding and autophosphorylation mechanism of a sensor histidine kinase (Completo, 2010)

TRAJTENBERG, F. , GRAÑA, M. , RUÉTALO, N , BOTTI, H , BUSCHIAZZO, A.

Journal of Biological Chemistry, v.: 285 32 , p.:24892 - 24903, 2010

Palabras clave: X-ray crystallography Bacterial Signal Transduction Enzyme structure Protein engineering

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Cristalografía de proteínas

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00219258

DOI: [10.1074/jbc.M110.128405](https://doi.org/10.1074/jbc.M110.128405)

<http://www.jbc.org/content/285/32.toc>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The crystal structure of Mycobacterium tuberculosis LppA, a lipoprotein confined to pathogenic mycobacteria (Completo, 2010)

GRAÑA, M. , BELLINZONI, M. , BELLALOU, J. , HAOUZ, A. , MIRAS, I. , BUSCHIAZZO, A. , WINTER, N. , ALZARI, P.M.

Proteins: Structure, Function and Genetics, v.: 78 3 , p.:769 - 772, 2010

Palabras clave: Structural Genomics Bioinformatics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: USA
ISSN: 08873585
DOI: [10.1002/prot.22603](https://doi.org/10.1002/prot.22603)
<http://www3.interscience.wiley.com/journal/122581559/abstract>
Published Online: 31 Aug 2009
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structure of Mycobacterium tuberculosis Rv2714, a representative of a duplicated gene family in Actinobacteria (Completo, 2009)

GRAÑA, M., BELLINZONI, M., MIRAS, I., FIEZ-VANDAL, C., HAOUZ, A., SHEPARD, W., BUSCHIAZZO, A., ALZARI, P.M.
Acta Crystallographica Section F: Structural Biology and Crystallization Communications, v.: 65 10, p.:972 - 977, 2009
Palabras clave: Structural Genomics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: USA
ISSN: 17443091
DOI: [10.1107/S1744309109035027](https://doi.org/10.1107/S1744309109035027)
<http://scripts.iucr.org/cgi-bin/paper?S1744309109035027>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

A family of diverse kunitz inhibitors from Echinococcus granulosus involved in host-parasite cross-talk (Completo, 2009)

GONZÁLEZ, S., FLÓ, M., MARGENAT, M., DURÁN, R., GONZÁLEZ-SAPIENZA, G., GRAÑA, M., PARKINSON, J., MAIZELS, R.M., SALINAS, G., ALVAREZ, B., FERNÁNDEZ, C.
PLoS ONE, v.: 4 9, 2009
Palabras clave: Immunology
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19326203
DOI: [10.1371/journal.pone.0007009](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0007009)
<http://www.plosone.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.pone.0007009>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Mechanisms determining cell membrane expression of different $\gamma\delta$ TCR chain pairings (Completo, 2009)

BOUCONTET, L., GRAÑA, M., ALZARI, P., PEREIRA, P.
European Journal of Immunology, v.: 39 7, p.:1937 - 1946, 2009
Palabras clave: $\gamma\delta$ T cells T cell receptors chain pairing membrane expression
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Inmunología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00142980
DOI: [10.1002/eji.200939345](https://doi.org/10.1002/eji.200939345)
onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1002/eji.200939345/pdf
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Redox Potential of Truncated Human Cystathionine B-Synthase (Completo, 2008)

CARBALLAL, S., MADZELAN, P., ZINOLA, C.F., GRAÑA, M., RADJ, R., BANERJEE, R., ALVAREZ, B.
Biochemistry, v.: 47 10, p.:3194 - 3201, 2008

Palabras clave: enzymology redox potential electrochemistry crystal structures

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Métodos de Investigación en Bioquímica /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Físico-Química, Ciencia de los Polímeros,
Electroquímica /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00062960

<http://pubs.acs.org/cgi-bin/abstract.cgi/bichaw/2008/47/i10/abs/bi700912k.html>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Protein Kinases and Phosphatases : Physiological Roles and Therapeutic Potential (Completo, 2008)

WEHENKEL, A. , BELLINZONI, M. , GRAÑA, M. , DURÁN, R. , VILLARINO, A. , FERNANDEZ, P. ,
ANDRE-LEROUX, G. , ENGLAND, P. , TAKIFF, H. , CERVENANSKY, C. , COLE, S.T. , ALZARI, P.M.
Biochimica et Biophysica Acta-Protein Structure and Molecular Enzymology, v.: 1784 1 , p.:193 -
202, 2008

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis Ser/Thr protein phosphorylation

kinases/phosphatases drug design

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Holanda

ISSN: 01674838

[https://linkinghub.elsevier.com/retrieve/pii/S1570-9639\(07\)00190-2](https://linkinghub.elsevier.com/retrieve/pii/S1570-9639(07)00190-2)

The crystal structure of M. leprae ML2640c defines a large family of putative S-adenosylmethionine-dependent methyltransferases in mycobacteria (Completo, 2007)

GRAÑA, M. , BUSCHIAZZO, A. , HAOUZ, A. , MIRAS, I. , WEHENKEL, A. , BONDET, V. , SHEPARD,
W. , SCHAEFFER, F. , COLE, S.T. , ALZARI, P.M.

Protein Science, v.: 16 9 , p.:1896 - 1904, 2007

Palabras clave: Structural Genomics Bioinformatics Function Discovery X-ray crystallography

Mycobacterium leprae

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 09618368

<http://www.proteinscience.org/cgi/content/abstract/16/9/1896>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The crystal structure of Rv0813c from Mycobacterium tuberculosis reveals a new family of FABP-like proteins in bacteria (Completo, 2007)

SHEPARD, W. , HAOUZ, A. , GRAÑA, M. , BUSCHIAZZO, A. , BETTON, JM , COLE, S.T. , ALZARI,
P.M.

Journal of Bacteriology, v.: 189 5 , p.:1899 - 1904, 2007

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis Structural Genomics Bioinformatics Function

Discovery X-ray crystallography

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00219193

<http://jb.asm.org/cgi/content/full/189/5/1899?view=long&pmid=17172346>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The crystal structure of Mycobacterium tuberculosis adenylate kinase in complex with two molecules

of ADP and Mg²⁺ supports an associative mechanism for phosphoryl transfer (Completo, 2006)

BELLINZONI, M. , HAOUZ, A. , GRAÑA, M. , MUNIER-LEHMANN, H. , SHEPARD, W. , ALZARI, P.M.

Protein Science, v.: 15 6 , p.:1489 - 1493, 2006

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis X-ray crystallography Catalytic mechanism

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 09618368

<http://www.proteinscience.org/cgi/content/abstract/15/6/1489>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

On the origins of a crowded cytoplasm (Completo, 2006)

ACERENZA, L. , GRAÑA, M.

Journal of Molecular Evolution, v.: 63 5 , p.:583 - 590, 2006

Palabras clave: Bacterial evolution macromolecular crowding systems biology modular models

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Holanda

ISSN: 00222844

<http://www.springerlink.com/content/9788684347gtu403/>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

A model combining cell physiology and population genetics to explain Escherichia coli laboratory evolution. (Completo, 2001)

GRAÑA, M. , ACERENZA, L.

BMC Evolutionary Biology (e-resource), v.: 1 12 , p.:1 - 9, 2001

Palabras clave: modular models experimental evolution complexity lumping

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Inglaterra

ISSN: 14712148

<http://www.biomedcentral.com/1471-2148/1/12>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

LIBROS

Études structure/fonction de protéines hypothétiques mycobactériennes (Libro publicado Texto integral , 2018)

GRAÑA, M.

Número de páginas: 180

Edición: ,

Editorial: Éditions universitaires européennes., UE

Tipo de publicación: Investigación

En prensa

Escrito por invitación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica Estructural

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN: 978-613-8-44242-4

Me contactaron en noviembre 2018 para publicar mi tesis de doctorado, argumentando que les interesaba cubrir mejor el tema estructura/función de macromoléculas biológicas. Es un sistema de publicación 'ambientalmente amigable': imprime a pedido y tiene un catálogo de autores, disponible en <https://www.editions-ue.com/>.

The Minimal Cell. The Biophysics of Cell Compartment and the Origin of Cell Functionality (Participación , 2010)

ACERENZA, L. , GRAÑA, M.

Edición: ,

Editorial: Springer, Heidelberg

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN: 9789048199433

<http://www.springer.com/biomed/book/978-90-481-9943-3>

Disponible a partir de noviembre 2010

Capítulos:

On the minimal requirements for the emergence of cellular crowding

Organizadores: Pier Luigi Luisi & Pasquale Stano

Página inicial 51, Página final 64

Procesos Biofísicos Complejos (Participación , 2003)

ACERENZA, L. , AROCENA, M. , GRAÑA, M. , ORTEGA, F.

Edición: ,

Editorial: DIRAC, Montevideo

Palabras clave: Bacterial evolution Modularity in Biochemical Systems Metabolic Control Analysis Signal Transduction

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN:

Capítulos:

Modelos modulares de procesos celulares

Organizadores: Julio Hernández & Andrés Pomi

Página inicial 79, Página final 97

Bulletin du Museum d`histoire naturelle de Marseille (Participación , 2002)

ACERENZA, L. , GRAÑA, M.

Número de volúmenes: 60

Edición: ,

Editorial: Museum d`histoire naturelle de Marseille, Marseille

Palabras clave: modular models experimental evolution complexity lumping

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN:

www.museum-marseille.org/mesogee-60-2002-pass.pdf

Capítulos:

Un modele minimum pour expliquer l`augmentation parallele due volume cellulaire et du taux de croissance au cours de l`evolution bacterienne en laboratoire

Organizadores:

Página inicial 7, Página final 12

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Identification and initial characterization of novel fusexins (2018)

Resumen

GRAÑA, M. , Moi, D. , Romero, H. , Aguilar PS , Podbilewicz, B.

Evento: Internacional

Descripción: EMBO Workshop Membrane Fusion in Health and Disease
Ciudad: Cambridge
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Medio de divulgación: Internet

The singular evolutionary history of HAP2 (2018)

Resumen
GRAÑA, M., Moi, D , Romero, H , Aguilar PS , Podbilewicz, B.

Evento: Internacional
Descripción: EMBO Workshop Membrane Fusion in Health and Disease
Ciudad: Cambridge
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Medio de divulgación: Internet

Fusexins, a family of somatic, sexual and viral cell fusion proteins (2018)

Resumen
GRAÑA, M., Moi, D , Romero, H , Aguilar PS , Podbilewicz, B.

Evento: Internacional
Descripción: EMBO Workshop Membrane Fusion in Health and Disease
Ciudad: Cambridge
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Medio de divulgación: Internet

FUSEXINS, a family of sexual, somatic and viral cell fusion proteins (2017)

Resumen
GRAÑA, M., Podbilewicz, B. , Valansi, C. , Moi, D. , Leikina, E. , Matveev, E. , Chernomordik, L. V. , Romero, H. , Aguilar, P. S.

Evento: Internacional
Descripción: MOLECULAR BIOLOGY OF THE CELL
Ciudad: Philadelphia
Año del evento: 2017
Anales/Proceedings: AMER SOC CELL BIOLOGY / EMBO
Volumen: 28
Publicación arbitrada
Medio de divulgación: Internet
<https://ascb-embo2017.ascb.org/minisymph24/>

Disappearance of the flavodoxin gene from the plant genome may be caused by ecosystem-specific negative selection in the algal precursor (2013)

Resumen
PIERELLA, J. , CECCOLI, R. , GRAÑA, M. , ROMERO, H. , CARRILLO, N.

Evento: Internacional
Descripción: 4to. Congreso Argentino de Bioinformática y Biología Computacional (4CAB2C) y 4ta. Conferencia Internacional de la Sociedad Iberoamericana de Bioinformática (SolBio)
Ciudad: Rosario, Argentina
Año del evento: 2013
Medio de divulgación: Internet

The Heme in Human Cystathionine β -Synthase: Kinetics of Reduction and Reoxidation (2012)

Resumen expandido
CARBALLAL, S. , CUEVASANTA E , MARMISOLLE, I. , KABIL, O. , GHERASIM, C. , BALLOU, D. P. , GRAÑA, M. , BANERJEE, R. , ALVAREZ, B.

Evento: Internacional
Año del evento: 2012
Anales/Proceedings: FREE RADICAL BIOLOGY AND MEDICINE

Volumen:53
Serie: S2
ISSN/ISBN: 08915849
Publicación arbitrada
Editorial: ELSEVIER SCIENCE INC
Ciudad: NEW YORK, NY 10010-1710 USA
Palabras clave: Biochemistry Endocrinology & Metabolism
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Papel
DOI: 10.1016/j.freeradbiomed.2012.10.393

Lifestyle, gene repertory and base composition bias in spirochetes (2010)

Resumen

REGO, N , GRAÑA, M. , LAMOLLE, G , ALVAREZ-VALIN, F , NAYA, H.

Evento: Internacional
Descripción: ISCB Latin-America
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Otros
<http://www.iscb.org/iscb-la2010-program#AcceptedAbstracts>

Una mirada computacional y experimental a la función molecular de los eisosomas (2010)

Resumen

OLIVERA-COUTO, A, GRAÑA, M. , HARISPE, L , AGUILAR, PS

Evento: Nacional
Descripción: XIII Jornadas de la SUB
Ciudad: Piriápolis
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Papel

Estudio Estructural y Funcional del Termosensor DesK de Bacillus subtilis (2010)

Resumen

TRAJTENBERG, F. , ALBANESI, D , RUÉTALO, N , GRAÑA, M. , LARRIEUX, N , BOTTI, H , ALZARI, P. , DE MENDOZA, D , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional
Descripción: XIII Jornadas de la SUB
Ciudad: Piriápolis
Año del evento: 2010
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Papel

Scaling properties of biopolymers assessed through protein crystal structures (2009)

Resumen

GRAÑA, M. , ROMERO, H. , DANS, P. , NAYA, H.

Evento: Internacional
Descripción: ISCB SCS5
Ciudad: Stockholm
Año del evento: 2009
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /
Medio de divulgación: Otros
<http://www.iscb.org/ismbeccb2009/index.php>

Structural Insights into Bacterial Signal Transduction (2009)

Resumen

GRAÑA, M., TRAJTENBERG, F., BUSCHIAZZO, A., ALZARI, P., NAYA, H.

Evento: Internacional

Descripción: 17th Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB) & 8th European Conference on Computational Biology (ECCB)

Ciudad: Stockholm

Año del evento: 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Medio de divulgación: Otros

<http://www.iscb.org/ismbeccb2009/index.php>

Data Combinability in GWAS Meta-Analysis (2009)

Resumen

NAYA, H., ETCHEVERRY, L., GRAÑA, M., RAGGIO, V., MAROTTA, A., GONZÁLEZ, A., ABIN, I., RAMOS DEL CAMPO, V., SERRA, F., RUGGIA, R.

Evento: Internacional

Descripción: ISMB-ECCB 2009

Ciudad: Stockholm

Año del evento: 2009

Publicación arbitrada

Palabras clave: Genome Wide Association Studies Meta-Analysis; Combinability

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

http://www.iscb.org/ismbeccb2009/poster_list.php?cat=A

Poster A21 Hugo Naya, Lorena Etcheverry, Martín Graña, Víctor Raggio, Adriana Marotta, Agustín Gonzalez, Inés Abin, Valentina Ramos del Campo, Flavia Serra, Raúl Ruggia.

Hot or not? Lifestyle of ancestral prokaryotes (2008)

Resumen expandido

ROMERO, H., GRAÑA, M., NAYA, H., MUSTO, H.

Evento: Internacional

Descripción: XX International congress of genetics

Ciudad: Berlín

Año del evento: 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Papel

Data Quality Management for model improvement in GWAS (2008)

Resumen expandido

ETCHEVERRY, L., GRAÑA, M., MAROTTA, A., NAYA, H., RAGGIO, V., RUGGIA, R.

Evento: Internacional

Descripción: 2008 Microsoft eScience Workshop

Ciudad: Indianapolis, USA

Año del evento: 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Otros
<http://research.microsoft.com/en-us/events/escience2008/>

Reactividad con oxígeno y potencial redox del hemo de la cistationina (2007)

Resumen

CARBALLAL, S. , MADZELAN, P. , ZINOLA, F. , GRAÑA, M. , RADI, R. , BANERJEE, R. , ALVAREZ, B.

Evento: Nacional

Descripción: XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias,

Ciudad: Minas

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: XII Jornadas de la SUB

Palabras clave: enzimología electroquímica metabolismo redox CBS

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Físico-Química, Ciencia de los Polímeros, Electroquímica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / bioinformática estructural

Medio de divulgación: Otros

Mycobacterial Ser/Thr protein kinases and phosphatases: physiological roles and therapeutic potential (2007)

Resumen expandido

WEHENKEL, A. , BELLINZONI, M. , GRAÑA, M. , DURÁN, R. , ANDRE, G. , VILLARIÑO, A. , ENGLAND, P. , CERVEÑANSKY, C. , ALZARI, P.M.

Evento: Internacional

Descripción: 5th International Conference: Inhibitors of Protein Kinases

Ciudad: Varsovia

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: 5th International Conference: Inhibitors of Protein Kinases

Palabras clave: protein crystallography ser/thr protein kinases

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / cristalografía

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Otros

<http://ipk.icm.edu.pl/2007/>

Charla invitada (a cargo del Prof. Pedro Alzari)

Exploring Surface-to-Volume Ratios and other Properties within Thousands of X-ray Structures (2006)

Resumen

ROMERO, H. , GRAÑA, M. , DANS, P. , NAYA, H.

Evento: Internacional

Descripción: 5th European Conference on Computational Biology

Ciudad: Eilat

Año del evento: 2006

Palabras clave: scaling x-ray protein structures

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.eccb06.org/>

Scaling in Biology: exploring surface-to-volume ratios and other properties within thousands of X-ray structures (2006)

Resumen

GRAÑA, M. , ROMERO, H. , DANS, P. , NAYA, H.

Evento: Local

Descripción: Young researchers congress at Pasteur Institute

Ciudad: París

Año del evento: 2006

Palabras clave: scaling x-ray protein structures

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Otros

Structure-based function discovery: the case of the hypothetical protein ML2640 from Mycobacterium leprae (2006)

Resumen

GRAÑA, M., HAOUZ, A., ALZARI, P.M.

Evento: Local

Descripción: Young researchers congress at Pasteur Institute

Ciudad: París

Año del evento: 2006

Palabras clave: Structural Genomics Function Discovery protein crystallography mycobacterial complex

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / cristalografía

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Internet

A model for physiological and genetic adaptation in E. coli explaining several experimental patterns of evolution (2004)

Resumen

GRAÑA, M., ACERENZA, L.

Evento: Internacional

Descripción: XIth Workshop of the BioThermoKinetics Study Group

Ciudad: Oxford

Año del evento: 2004

Palabras clave: Systems Biology Modular Models Evolution

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Otros

<http://btk2004.brookes.ac.uk/>

Análisis de redes regulatorias controladas por el complejo transcripcional HAPen S. cerevisiae (2003)

Resumen

GRAÑA, M., DELAHODDE, A., BOLOTIN-FUKUHARA, M.

Evento: Nacional

Descripción: 2as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM)

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2003

Palabras clave: Regulación Génica Transcriptoma Northern Blot

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Otros

<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/portada%20actas.htm>

Starting from physiology to model bacterial evolution (2003)

Resumen

ACERENZA, L. , GRAÑA, M.

Evento: Internacional

Descripción: 4th International Conference on System Biology (ICSB 2003)

Ciudad: St Louis

Año del evento: 2003

Anales/Proceedings: 4th International Conference on Systems Biology (ICSB2003)

Palabras clave: complexity lumping mathematical modelling systemic approaches

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

Un modele modulaire pour l'adaptation physiologique et génétique chez E. coli (2003)

Resumen

GRAÑA, M. , ACERENZA, L.

Evento: Nacional

Descripción: 6ème congrès de l'association des Etudiants de l'Institut Curie

Ciudad: París

Año del evento: 2003

Palabras clave: experimental evolution E. coli mathematical modelling

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Internet

A modular model for physiological and genetic adaptation in E coli (2002)

Resumen

ACERENZA, L. , GRAÑA, M.

Evento: Internacional

Descripción: Latin American Congress of Biomathematics

Ciudad: Guanajuato

Año del evento: 2002

Palabras clave: modular models experimental evolution E. coli

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

Invitación al "Latin American Congress of Biomathematics" para presentación oral de trabajo publicado en BMC Evol Biol (2001), a cargo de L. Acerenza.

Acerca del vínculo entre alta concentración macromolecular y fitness: un modelo modular mínimo de E. coli (2002)

Resumen

GRAÑA, M. , ACERENZA, L.

Evento: Nacional

Descripción: X Jornadas of Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Solís

Año del evento: 2002

Anales/Proceedings: Actas X Jornadas of Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: macromolecular crowding Modelos modulares evolución celular

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Medio de divulgación: Papel

Modular modelling of complex cellular processes (2002)

Completo

ACERENZA, L. , AROCENA, M. , GRAÑA, M. , ORTEGA, F.

Evento: Internacional

Descripción: International Symposium Modeling Complex Biophysical Processes

Ciudad: Colonia

Año del evento: 2002

Anales/Proceedings: Procesos Biofísicos Complejos

Editorial: DIRAC

Ciudad: Montevideo

Palabras clave: Modelos Enfoques modulares Control metabólico evolución

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

Cell Physiology + Population Genetics = Bacterial Evolution in E Coli (2002)

Resumen

GRAÑA, M. , ACERENZA, L.

Evento: Internacional

Descripción: XIV International Biophysics Congress

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2002

Palabras clave: Bacterial evolution systems biology modular models complexity aggregation

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Medio de divulgación: Internet

A minimal model that explains certain features of bacterial evolution in laboratory experiments (2001)

Completo

GRAÑA, M. , ACERENZA, L.

Evento: Internacional

Descripción: 5th Days of Biological Evolution, Museum of Natural History

Ciudad: Marseille

Año del evento: 2001

Palabras clave: Bacterial evolution modular models complexity lumping

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

Producción técnica

TRABAJOS TÉCNICOS

Data Quality Management for Model Improvement in Genome Wide Association Studies: Annual Report (2009)

Informe o Pericia técnica

GRAÑA, M. , NAYA, H.

Informar a dbGap (NCBI) del uso de datos confidenciales

País: Estados Unidos
Idioma: Inglés
Ciudad: Montevideo
Disponibilidad: Restricta

Número de páginas: 3
Institución financiadora: Microsoft Research
Palabras clave: Genome-Wide Association Studies
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Otras Producciones

PROGRAMAS EN RADIO O TV

(H)ablando ciencia (2017)

GRAÑA, M., Héctor Romero
Entrevista
País: Uruguay
Idioma: Español
Web: <http://radiopedal.uy/news/corr-xleo-las-ramas-la-evolucion/>
Emisora: Radiopedal
Fecha de la presentación: 07/09/2017
Tema: Por las ramas de la evolución
Ciudad: Montevideo

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva & Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica. FONDO ARGENTINO SECTORIAL (FONARSEC) (2013 / 2013)

Argentina
Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva & Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica. FONDO ARGENTINO SECTORIAL (FONARSEC)
Cantidad: Menos de 5
Invitación a evaluar proyecto en bioinformática (~U\$S 300000) de la convocatoria "EMPRETECNO PAEBT" del 2013.

Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva & Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica. FONDO ARGENTINO SECTORIAL (FONARSEC) (2013 / 2013)

Argentina
Cantidad: Menos de 5

ANII (2010 / 2017)

Uruguay
ANII
Cantidad: Menos de 5
Proyectos FCE - edición 2010 Becas doctorado - 2015 Becas de movilidad - 2017

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

COMITÉ EDITORIAL

Journal of Biomedicine and Biotechnology (2011 / 2011)

Cantidad: Menos de 5

<http://www.hindawi.com/journals/jbb/reviewers/10/>

Journal of Molecular Evolution (2009 / 2009)

Cantidad: Menos de 5

GENE (Elsevier) (2006 / 2014)

Cantidad: De 5 a 20
2006-2009 2014

Physiol. Genomics (American Physiological Society) (2006 / 2006)

Cantidad: Menos de 5

REVISIONES

Journal of Biological Chemistry (2013 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

IX Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2014 / 2015)

Revisiones
Uruguay

Integrante de la mesa-simposio 'proteínas', 16 de octubre 2015. Selección de presentaciones orales y evaluación de trabajos enviados a la SBBM.

Bioinformatics and Comparative Genome Analysis (2010)

Francia

Participación en el proceso de selección de las candidaturas (~170 en total).
http://www.pasteur.fr/~tekaia/BCGA2010/TALKS/Tekaia_BCGA2010_Acknowledgements.pdf

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Bectas Doctorado ANII (2015)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5

CESBE POSNAC 2012 (2012 / 2012)

Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII
Noviembre 2012. Convocatoria a becas de posgrado.

JURADO DE TESIS

Maestría (2017 / 2017)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA), Uruguay
Nivel de formación: Maestría

Maestría en Bioinformática (2017 / 2017)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Nivel de formación: Maestría

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

GRADO

Estudios estructura-función de una proteína tipo tiorredoxina en *E. granulosus* (2015)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay

Programa: Licenciatura en Bioquímica

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Gonzalo Collazo

País/Idioma: Uruguay, Español

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Enzimología
Revisión bibliográfica sobre versatilidad del plegamiento tiorredoxina (TRX). Purificación y ensayos de cristalización de la TRP de *Echinococcus granulosus*. Pasantía realizada en el Instituto Pasteur Montevideo.

OTRAS

AtlasCBS (2015)

Iniciación a la investigación

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Tipo de orientación: Asesor/Orientador

Nombre del orientado: Alvaro Ingold

País/Idioma: Uruguay, Español

Web: <https://www.ebi.ac.uk/chembl/atlasCBS/intro.jsp>

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Alvaro Ingold es un ingeniero de sistemas egresado de la ORT que sintió curiosidad por la academia, en particular la investigación en bioinformática. Durante el 2015-2016 trabajó en IPMon montando una versión local del AtlasCBS, trabajo que contó con el apoyo del Dr Celerino Abad-Zapatero de la UChicago. Luego, Alvaro fue aceptado para ingresar a la prestigiosa maestría de bioinformática en el ETH de Suiza, donde reside actualmente.

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Evolución de la familia de proteínas MARCKS: rol de MARCKS-like 1 durante la neurulación (2018)

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Sección Biología Celular , Uruguay

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Lucía Veloz

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Evolución Proteínas intrínsecamente desordenadas Biología celular Bioinformática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología del Desarrollo

Esta tesis PEDECIBA comenzó formalmente en septiembre/octubre 2018. Se desarrolla en Facultad de Ciencias e Institut Pasteur Montevideo con Flavio Zolessi como tutor principal, con un componente bioinformático que se realizará en la Unidad de Bioinformática bajo mi supervisión.

(A definir) (2012)

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay
Programa: Maestría en Bioinformática
Nombre del orientado: Adrián Boado
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: bioinformática
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Calmette-Yersin (2017)

(Internacional)

Institut Pasteur Paris

Beca otorgada para efectuar una estadía de un mes en el Institut Pasteur de Paris.

Travel Fellowship (2014)

(Internacional)

CCP4 - CqBEM - IUCr - FAPESP

Pasaje y estadía (7/04 al 17/04) para la Macromolecular Crystallography School 2014 "From data processing to structure refinement and beyond", Instituto de Física de São Carlos/USP, São Paulo, Brasil

Fellowship 'Modeling and analysis in Systems Biology' (2010)

(Internacional)

Universidad de Chile

Investigador Grado 3 del Área Biología (2010)

(Nacional)

PEDECIBA

octubre

Travel fellowship, ISMB/ECCB 2009 conference (Stockholm) (2009)

(Internacional)

National Science Foundation (NSF)

NSF, Division of Biological Infrastructure and Directorate for Computer & Information Science & Engineering

Investigador nivel I, SNI (2009)

(Nacional)

ANII

Pasteur-Weizmann Fellowship (2007)

(Internacional)

Pasteur-Weizmann Foundation

Beca de cierre de doctorado (3 meses).

Fondo Clemente Estable (2007)

(Nacional)

ANII

Proyecto FCE_2007_377, ejecutado durante 2008-2009. "Relaciones estructura-función en proteínas de interés fundamental y/o biomédico".

Marie-Curie Fellowship (2006)

(Internacional)

EMBL-EBI

Estadía de 3 meses en el EBI. [Fellowship for PhD training in Bioinformatics, awarded by the European Commission Marie Curie Host Fellowship for Early Stage Training.]

Beca de pasantía en el Instituto Pasteur de París (2004)

(Internacional)

Programa de cooperación Francia-Uruguay

Pasantía exploratoria de 3 meses (mar-jul 2004). Motivó inscripción a PhD.

Student fellowship, CIMPA course (Valdivia-Chile) (2004)

(Internacional)

CIMPA (Centre International de Mathématiques Pures et Appliquées)

Beca completa

Student fellowship for ESF course (2004)

(Internacional)

ESF (European Science Foundation)

Beca completa.

Student fellowship for EMBO course (Lima, Perú) (2003)

(Internacional)

EMBO (European Molecular Biology Organisation)

Beca completa

Bourse d'accueil (2002)

(Internacional)

Université Paris-Sud

Beca otorgada para el año escolar 2002-2003 (DÉA).

PRESENTACIONES EN EVENTOS

ISCB Student Council Symposium 5 (2009)

Simposio

Scaling properties of biopolymers assessed through protein crystal structures

Suecia

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 12

Nombre de la institución promotora: ISCB

Palabras Clave: Bioinformatics Biological Scaling X-ray Structures

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática

IPMont Journal and Seminar Club (2009)

Seminario

Day to day proteins' life and evolution: six steps with many outcomes

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur Montevideo

Palabras Clave: Bioinformatics Information theory structural biology genomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática

17th ISMB Conference & 8th ECCB (2009)

Congreso

Structural Insights into Bacterial Signal Transduction

Suecia

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 60

Nombre de la institución promotora: ISCB
Palabras Clave: Structural Bioinformatics Information theory Bacterial Signal Transduction
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática
Poster

Ciclo de Seminarios 2008 sobre Genómica y Bioinformática (2008)

Seminario
Abundancia, disponibilidad, potencia y utilidad de la información estructural
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: FC-INIA-IPMont-IIBCE-LATU

Primera Jornada Uruguaya de Bioinformática (2008)

Encuentro
Análisis estructural en proteínas de interés fundamental y/o biomédico
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur Montevideo - Facultad de Ciencias
Palabras Clave: Bioinformática Estructural
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Young researchers congress at Pasteur Institute (2006)

Congreso
Scaling in Biology: exploring surface to volume ratios and other properties within thousands of Xray structures
Francia
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur Paris
Palabras Clave: Structural Bioinformatics Scaling Laws in Biology
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Young researchers congress at Pasteur Institute (2006)

Congreso
Structure-based function discovery: the case of the hypothetical protein ML2640 from Mycobacterium leprae
Francia
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur Paris
Palabras Clave: Structural Genomics Hypothetical Proteins Functional Annotation
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Structural Biology
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

XIth Workshop of the BioThermoKinetics Study Group (2004)

Taller
A model for physiological and genetic adaptation in E. coli explaining several experimental patterns of evolution.
Inglaterra
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: European Science Foundation

Palabras Clave: systems biology mathematical modelling evolutionary patterns
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Systems Biology

6eme congres Association des Etudiants Institut Curie (2003)

Congreso
Un modele modulaire pour adaptation physiologique et genetique chez E. coli
Francia
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: Institut Curie

2as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM) (2003)

Encuentro
Analysis of regulatory nets controlled by the transcriptional complex HAP in baker yeast
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: SBBM
Palabras Clave: microarrays transcriptional networks northern blot validation
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / genética molecular

X Jornadas of Sociedad Uruguaya de Biociencias (2002)

Congreso
Acerca del vínculo entre alta concentración macromolecular y fitness: un modelo modular mínimo de E. coli
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: SUB

XIV International Biophysics Congress (2002)

Congreso
Cell Physiology + Population Genetics = Bacterial Evolution in E Coli
Argentina
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: International Union for Pure and Applied Biophysics

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Mecanismos de transmisión estímulos-respuesta en sistemas de señalización bacterianos (2018)

Candidato: Juan Andrés Imelio
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
GRAÑA, M., Horacio Botti, AMARELLE V.
Biología Celular y Molecular / Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular
Comisión de Admisión y Seguimiento (CAS)

Identificación del mecanismo de apertura pH dependiente de la envoltura del virus zika y otros flavivirus (2018)

Candidato: Martín Soñora
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
GRAÑA, M., Margot PAULINO ZUNINI
Doctorado en Biología / Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Integrante de la CAS.

Señalización en bacterias: ¿qué determina la dirección en la transmisión de la señal? (2017)

Candidato: Juan Andrés Imelio

Tipo Jurado: Tesis de Maestría

GRAÑA, M., ALVAREZ, B., AMARELLE V.

PEDECIBA / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Identificación de proteínas presentes en vesículas extracelulares con potencial fusogénico basado en su similitud con fusógenos virales (2017)

Candidato: Daniela Megrián

Tipo Jurado: Tesis de Maestría

GRAÑA, M., Romero, H., ALICIA FERNÁNDEZ

PEDECIBA / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

Delegado investigador al Consejo Científico del Área (CCA) PEDECIBA Biología y representante del CCA a la Subcomisión de Ingreso y Seguimiento (2017-2018; 2019-2020). Para que exista y funcione el programa de postgrado PEDECIBA, es fundamental que los investigadores nos turnemos en el esfuerzo de gestión. El trabajo en PEDECIBA puede ser ingrato, pero en el último período del CCA logramos ordenar la secretaría (incluyendo la construcción de una base de datos) y seguimos trabajando en la fluidez del vínculo con agencias financiadoras. Probablemente el próximo período vea algunas cosechas a nivel de funcionamiento del programa de postgrado en general. En el IPMon, participo de actividades de divulgación científica (visitas guiadas, charlas y jornadas abiertas). A diferencia de PEDECIBA, el retorno de este trabajo es inmediato y muy satisfactorio. Seguimos aprendiendo y trabajando para que estas actividades continúen y mejoren. Muy recientemente, me vi involucrado con la cooperación regional francesa y varios grupos académicos de la región: Argentina, Bolivia, Brasil, Chile, Colombia, Perú, más el grupo AUGM. Estamos concretando acciones modestas pero constantes para consolidar cooperaciones regionales, principalmente bajo el formato de cursos de alto nivel así como prolongar cooperaciones científicas existentes. El rol protagónico que ha tenido IPMon en los últimos años en materia de cursos regionales de buen nivel, hizo que se nos considerara la sede natural para coordinar estas acciones. Concretamente estamos planeando un curso de Bioinformática en Bolivia para el 2019.

Información adicional

La expresión regular "martin grana or [grana and acerenza] or [grana and naya]" colecta todos los artículos indexados en PubMed (<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed>).

<https://scholar.google.com/citations?user=ZkJUUGgAAAAJ&hl=en&oi=ao>

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	60
Artículos publicados en revistas científicas	28
Completo	28
Trabajos en eventos	28
Libros y Capítulos	4
Libro publicado	1
Capítulos de libro publicado	3
PRODUCCIÓN TÉCNICA	2

Trabajos técnicos	1
Otros tipos	1
EVALUACIONES	14
Evaluación de proyectos	3
Evaluación de eventos	2
Evaluación de publicaciones	5
Evaluación de convocatorias concursables	2
Jurado de tesis	2
FORMACIÓN RRHH	4
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	2
Tesis/Monografía de grado	1
Iniciación a la investigación	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	2
Tesis de maestría	2