



GONZALO GREIF
CARÁMBULA

PhD

gonzalo.greif@pasteur.edu.uy

Mataojo 2020. CP 11400.
Montevideo, Uruguay.
25220910 int 125

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Nivel I (Activo)

Fecha de publicación: 19/09/2018
Última actualización SNI: 19/09/2018

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Biología Molecular / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas
Dirección: Mataojo 2020 / 11400 / Montevideo, Montevideo, Uruguay
Teléfono: (2) 25220910 / 125
Correo electrónico/Sitio Web: ggreif@pasteur.edu.uy www.pasteur.edu.uy

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2010 - 2015)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay
Título de la disertación/tesis: Estudios de expresión génica en tripanosomatidos usando secuenciación masiva (NGS).
Tutor/es: Carlos Robello y Fernando Alvarez-Valín
Obtención del título: 2015
Palabras Clave: trypanosoma Next Generation Sequencing
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2002 - 2008)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay
Título de la disertación/tesis: Respuesta adaptativa de Trypanosoma cruzi: Cambios en la expresión génica y rol del sistema proteasoma-ubiquitina.
Tutor/es: Carlos Robello/Ricardo Ehrlich
Obtención del título: 2008
Palabras Clave: trypanosoma cruzi, UPS
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (1995 - 2000)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay
Título de la disertación/tesis: Mejoramiento de la Expresión de Proteínas Heterólogas en Escherichia coli: Incidencia de la expresión de β -lactamasa en la Traslocación de Proteínas al Periplasma
Tutor/es: Mónica Marín
Obtención del título: 2000
Palabras Clave: Proteínas Recombinantes, clonación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Manejo, técnicas de administración de sustancias y obtención de muestras en ratones (01/2012 - 01/2012)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

15 horas

Palabras Clave: bioterio, experimentación animal

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Sequencing on the GAllx (01/2011 - 01/2011)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

30 horas

Palabras Clave: Secuenciación masiva

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Secuenciación masiva

NextGenerationSequencing(NGS) data analysis (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Next Generation Sequencing

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Bioinformática

Computational Methods for Next-generation Sequencing Data and Transcriptomics (01/2010 - 01/2010)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Next Generation Sequencing

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Bioinformática

Temas en Diseño y Análisis de Experimentos con Microarrays (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Microarrays

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Bioinformática

Bioinformática aplicada a Genómica y Proteómica (01/2005 - 01/2005)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Católica de Córdoba , Argentina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Curso Básico de Cultivos de Células (PEDECIBA) (01/2004 - 01/2004)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / MEC. Instituto de Investigaciones Biológicas «Clemente Estable» , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Cultivo

Celular

Temas de Biología Molecular (PEDECIBA) (01/2003 - 01/2003)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Interacciones Moleculares

Genética molecular y medicina (PEDECIBA) (01/2003 - 01/2003)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina - UDeLaR, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Medicina Molecular

Medical genetics for developing countries (01/2003 - 01/2003)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / THE INTERNATIONAL CENTRE FOR GENETIC ENGINEERING AND BIOTECHNOLOGY, Italia

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Estudios genómicos, postgenómicos y sus aplicaciones en biología humana (PEDECIBA) (01/2002 - 01/2002)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Introducción al estudio de Microarreglos de ADN (01/2002 - 01/2002)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microarreglos de ADN

Sistemas de expresión en células eucariotas utilizando vectores virales (PEDECIBA) (01/2002 - 01/2002)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

7as JORNADAS DE BIOQUIMICA Y BIOLOGIA MOLECULAR (2011)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SBBM, Uruguay

Palabras Clave: Trypanosoma vivax, secuenciación masiva

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Trypanosoma vivax

Taller sobre la estandarización y validación analítica de la qPCR para cuantificar la carga de ADN de Trypanosoma cruzi en sangre periférica de pacientes con enfermedad de Chagas (2011)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Organización Panamericana de la Salud/INGEBI-CONICET, Argentina

Palabras Clave: Trypanosoma cruzi, diagnóstico, qPCR

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

3er Annual meeting United States - Latin American Cancer Research Network (2011)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: NCI (USA), México

Palabras Clave: Cáncer, Microarrays

Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Cáncer,
Microarrays

Sequencing on the GAllx (2011)

Tipo: Otro
Institución organizadora: Illumina, Uruguay
Palabras Clave: NGS, Illumina
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Secuenciación masiva

XIII Jornadas de la SUB (2010)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Biociencias, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Congreso Interno Institut Pasteur de Montevideo (2010)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Institut PASTeur Montevideo, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

IV Reunion Sociedad Lationamericana de Tuberculosis y otras Micobacteriosis (2009)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: SLAMTB, Argentina
Palabras Clave: tuberculosis
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología
Molecular

Foro de Innovación de las Américas (2009)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: ANII, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /
Ingeniería y Tecnología / Otras Ingenierías y Tecnologías / Otras Ingenierías y Tecnologías /

Foro de Innovación de las Américas (2008)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: ANII, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ingeniería y Tecnología / Otras Ingenierías y Tecnologías / Otras Ingenierías y Tecnologías /
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /

Los desafíos del líder (2008)

Tipo: Taller
Institución organizadora: Celsius-ATGen, Uruguay

Manejo de Equipo de Microarreglos de ADN (Scanner) (2008)

Tipo: Taller
Institución organizadora: AGilent Technologies, Estados Unidos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Microarreglos de ADN

Pasantía en el Instituto de Biología Molecular de Parana (IBMP), Curitiba, Brasil (2007)

Tipo: Otro

Institución organizadora: IBMP, Brasil
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Avaliação pós-genômica da expressão gênica em parasitas (2007)

Tipo: Encuentro
Institución organizadora: IBMP, Brasil

XI Congreso Uruguayo de Patología Clínica (2006)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: SUPAC, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Manejo de equipo en pcr en tiempo real: Rotor Gene (cobett Research) (2005)

Tipo: Taller
Institución organizadora: Corbett Research, Australia
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / PCR en tiempo real

X Congreso de la Panamerican Association for Biochemistry and Molecular Biology (PABMB). (2005)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: PABMB, Argentina

Capacitación en GXP (2005)

Tipo: Taller
Institución organizadora: Infodynamics / ATGen, Uruguay

Manejo de equipo de PCR en tiempo real (Roche, Applied y Corbett) (2005)

Tipo: Taller
Institución organizadora: Artus GmbH, Alemania
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / PCR en tiempo real

II Jornadas de Bioempresarios en Sudamérica (2004)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: Amsud Pasteur, Uruguay

II Jornadas de Bioempresarios en Sudamérica (2004)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: AMSUD, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

3as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular. Montevideo, Uruguay (2004)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: SBBM, Uruguay

3as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2004)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: SBBM, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

2das Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología molecular (2003)

Tipo: Congreso
Institución organizadora: SBBM, Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Propiedad Industrial para la pequeña y mediana empresa (2003)

Tipo: Seminario
Institución organizadora: OMPI, Uruguay

Semana Hematológica (2003)

Tipo: Seminario
Institución organizadora: Hospital MACiel, Uruguay

Idiomas

Francés

Entiende muy bien / Habla bien / Lee bien / Escribe bien

Inglés

Entiende muy bien / Habla bien / Lee bien / Escribe regular

Portugués

Entiende bien / Habla regular / Lee regular /

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular

Actuación profesional

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (10/2006 - a la fecha)

Técnico adjunto, 40 horas semanales / Dedicación total
Desde mi incorporación a la UBM, desde la inauguración del IPMON, participé en la instalación y puesta en marcha de los laboratorios. Instalación del equipamiento PCR en tiempo real, Secuenciador automático y más recientemente los microarreglos de ADN. Participo en las líneas de investigación de la unidad, así como también en el área de servicio de la plataforma tecnológica.

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Epidemiología Molecular Tuberculosis (04/2007 - a la fecha)

A mediados del año 2007, la CHLA y el Institut Pasteur de Montevideo firmaron un convenio de cooperación, buscando la convergencia de ambas instituciones en un proyecto conjunto para profundizar el conocimiento de las cepas circulantes en el país, así como generar herramientas pronósticas más rápidas y de fácil implementación.
20 horas semanales

IPMON, Biología Molecular , Integrante del equipo

Equipo:

Palabras clave: tuberculosis epidemiología molecular

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Enfermedades Infecciosas / Biología Molecular

Estudios de expresión génica en tripanosomatidos usando secuenciación masiva (08/2009 - a la fecha)

Como parte de mi proyecto de Doctorado, a fines del año 2009, comenzamos el estudio de expresión génica en tripanosomatidos utilizando la tecnología de secuenciación masiva. Particularmente, comenzamos nuestro trabajo, con la secuenciación mediante la tecnología de Roche 454, de el transcriptoma de un trypanosoma africano (T.vivax). El trabajo fue publicado a fines de 2013/comienzos de 2014.

20 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Biología Molecular , Integrante del equipo

Equipo: ROBELLO, C. , ALVAREZ VALIN, F.

Palabras clave: Transcriptómica, Trypanosoma vivax

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Estrés oxidativo de Trypanosoma cruzi (03/2005 - 04/2008)

El trabajo en esta línea de investigación dió lugar a la siguiente tesis de maestría PEDECIBA en el área Biología Molecular y Celular: Respuesta adaptativa de Trypanosoma cruzi: Cambios en la expresión génica y rol del sistema proteasoma-ubiquitina. Orientador: Dr. Carlos Robello, Co-Orientador: Dr. Ricardo Ehrlich. 2008.

20 horas semanales

IPMON, Biología Molecular , Integrante del equipo

Equipo:

Palabras clave: trypanosoma cruzi estrés oxidativo UPS

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología / Biología Molecular

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

US-LACRN Perfil Molecular de Cáncer de Mama (MPBC) (03/2011 - a la fecha)

Participación en el proyecto multicéntrico US-LACRN: Perfil Molecular de Cáncer de Mama en mujeres Lationamericanas. Países participantes: México, Argentina, Brasil, Chile, Uruguay y Estados Unidos.

1 hora semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

National Institute for Health, Estados Unidos, Apoyo financiero

Equipo:

Palabras clave: Cancer de mama, Lationamerica, microarrays

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Cancer

Genómica evolutiva y funcional en tripanosomas africanos: origen de la variación antigénica (03/2012 - a la fecha)

La tripanosomiasis Africana aqueja a unos 5 millones de personas del África subsahariana (enfermedad del sueño). También afecta la ganadería, teniendo un fuerte impacto económico en diversos países. En Sudamérica dos especies de tripanosomas africanos (T.vivax, T.evansi) fueron introducidos alrededor de 1850, afectando hoy zonas tropicales y templadas de nuestro continente. Estos tripanosomas se caracterizan por presentar una densa cubierta celular compuesta por 1e7 moléculas de glicoproteínas variables de superficie (VSGs). Estas glicoproteínas son la base de la variación antigénica que permite a estos parásitos evadir la respuesta inmune del mamífero. Lo logran cambiando periódicamente el gen VSG que es expresado a partir de un repertorio de 1500 genes VSG diferentes. Este proyecto tiene dos objetivos fundamentales: caracterizar la organización genómica de los genes VSG en T.vivax, tanto del Sitio de Expresión como del repertorio de genes silenciosos y obtener la secuencia genómica completa (y su anotación) de la

variante sudamericana de *T. vivax*. Procuraremos dichos objetivos utilizando secuenciación profunda y diversas aproximaciones Bioinformáticas. Elegimos *T. vivax* como modelo pues análisis de filogenia molecular indican que ocupa una posición evolutiva clave, es descendiente directo del ancestro común de los tripanosomas africanos, por tanto su estudio contribuirá a elucidar el origen de uno de los mecanismos de evasión inmune más fascinantes de la naturaleza. La reciente disponibilización del genoma de una variante Africana de *T.vivax*, junto a nuestros resultados, permitirá realizar estudios de genómica comparativa, que contribuirán a entender el patrón y dinámica de diversificación de los genes VSGs.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ROBELLO, C., RODRIGUEZ, M., ALVAREZ-VALIN, F. (Responsable)

Palabras clave: trypanosoma, variación antigénica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Trypanosoma

Alternativas tecnológicas de alto impacto para el diagnóstico temprano y vigilancia de tuberculosis bovina (10/2014 - a la fecha)

El diagnóstico de la TBb se realiza a través de la prueba de tuberculina, tes mediante el cual se mide la reacción de hipersensibilidad retardada al PPD bovis (Derivado proteico purificado) de *M.bovis*. Esta prueba presenta una sensibilidad del 77 al 95 % y una especificidad del 90%, implicando que más del 10% de los animales no son detectados. Las desventajas de esta prueba son el error en la interpretación por parte del operador, la reacción cruzada con micobacterias ambientales, la anergia hasta en un 20% de los casos por infecciones recientes, severas o generalizadas, manejo excesivo de los animales y el requerimiento de un intervalo mínimo de 60 días entre las prueba. La utilización de otras pruebas de diagnóstico, fundamentalmente in vitro, detectando tanto inmunidad celular como humoral a fin de completar la detección de animales enfermos de los establecimientos, permitirá tanto conocer mejor el impacto de la misma en los rodeos como la eliminación de animales positivos, no quedando en el predio animales falsos negativos que continuaran difundiendo la enfermedad. El desarrollo de pruebas moleculares de diagnóstico, permira contar con un test, aunque significativamente más costoso, pero más sensible y específico. La comparación de las diferentes pruebas resultará fundamental a fin de poder establecer la estrategia diagnóstica más eficiente y aplicable a cada situación epidemiológica. La tipificación molecular de las cepas aisladas es una herramienta para poder realizar estudios epidemiológicos de diferentes cepas y su variabilidad, así como también determinar cuántos tipos de cepas son las causantes de los casos de Tuberculosis . La genotipificación permite también la comparación de familias de *M. bovis* en las bases de datos internacionales existentes. Los métodos de genotipado son variados y se diferencian en su poder de discriminación y en el marcador genético utilizado.

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Equipo: ROBELLO, C., NAYA, H., NUÑEZ, A. (Responsable), GIL, A., SUANES, A., NEGRIN, N., CASTRO, M., GARIN, A., PIAGGIO, J., EASTON, MC

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

SECUENCIACIÓN MASIVA DE ESTIRPES DEL VIRUS INFLUENZA A: SU IMPACTO EN LA FORMULACIÓN DE VACUNAS, RESISTENCIA ANTI-VIRAL, VIRUS EMERGENTES Y MEDIDAS DE SALUD PÚBLICA. (03/2012 - a la fecha)

Un número muy importante de virus de enorme importancia médica, incluido Virus Influenza A (VIA), poseen un genoma constituido por ARN. Estos virus replican a una tasa de mutación extremadamente alta y exhiben una significativa diversidad genética. Esta diversidad permite a la población viral emerger y adaptarse rápidamente a nuevos ambientes y huéspedes, así como evolucionar hacia la resistencia a vacunas y drogas antivirales. Por los últimos 30 años, la teoría de las cuasiespecies ha proveído el marco teórico para comprender la evolución de virus ARN. Una cuasiespecie es una nube de mutantes compuesta por diversas variantes que están fuertemente relacionadas genéticamente, interactúan cooperativamente a nivel funcional y colectivamente contribuyen a las características de la población. El estudio de las cuasiespecies virales y su evolución tiene profundas implicancias para nuestra comprensión de la enfermedad viral. Por primera vez, las últimas tecnologías de secuenciación masiva nos proveen de una invaluable oportunidad de obtener y estudiar una detallada caracterización de cuasiespecies virales, que no

era posible lograr sin el uso de estas tecnologías. La aplicación de las mismas al estudio de cuasiespecies de VIA pandémicos, en nuestro país y en la región, permitirá contribuir al mejoramiento de las vacunas recomendadas para el hemisferio sur, la caracterización de resistencia a los actuales o nuevos antivirales contra VIA, así como contribuir a una detallada epidemiología molecular y el desarrollo de medidas de salud pública eficaces y apropiadas en una emergencia de VIA. El virus Influenza A (VIA) pertenece a la familia Orthomyxoviridae. VIA infecta a muchas especies, incluidos los seres humanos, otros mamíferos y las aves silvestres y domésticas. La mayor parte de la morbi-mortalidad causada por los VIA puede ser evitada por la vacunación anual. Sin embargo, dicha medida no está asociada con una completa protección, en parte debido a la continua evolución de la estructura antigénica del virus. La frecuente generación de nuevas variantes antigénicas de VIA ha determinado que la vigilancia de VIA sea un objetivo de salud pública prioritario a escala mundial. Comprender el grado de variabilidad genética y antigénica de VIA, así como una detallada caracterización genética y antigénica de las estirpes de VIA que circulan en nuestro país y en la región sudamericana, es esencial para la planificación de una respuesta efectiva para el control de esta enfermedad, así como para el diseño de nuevas vacunas apropiadas y efectivas para el hemisferio sur contra este importante patógeno. Por lo que antecede, el objetivo general del presente proyecto es utilizar técnicas de secuenciación masiva a efectos de establecer el grado de variabilidad genética y antigénica, así como su modo de evolución, de poblaciones de cuasiespecies de VIA que circulan en Uruguay y en la región, en especial de virus pandémicos, establecer las relaciones genéticas y antigénicas entre las estirpes de estas poblaciones y las estirpes vacunales, así como detectar marcadores de resistencia a los actuales o nuevos agentes anti-virales contra VIA.

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ROBELLO, C., MORATORIO, G., MORENO, P., CRISTINA, J. (Responsable)

Palabras clave: Influenza, secuenciado masivo

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Trypanosoma vivax : un modelo para comprender el origen de la variación antigénica en tripanosomas (03/2007 - 03/2010)

La tripanosomiasis Africana (enfermedad del sueño) aflige a unos 5 millones de personas y tiene un fuerte impacto sanitario y/o económico en los países afectados pues también perjudica la ganadería (variante llamada Nagana). Los tripanosomas africanos presentan una cubierta celular que contiene 107 moléculas de glicoproteínas variables de superficie (VSGs). Estas glicoproteínas son la base de la variación antigénica la cual permite a estos parásitos evadir la respuesta inmune de mamíferos. Lo logran cambiando en forma secuencial el gen VSG que es expresado, a partir de un repertorio de 1000 genes diferentes. Un aspecto remarcable es que las distintas proteínas VSG presentan identidades aminoacídicas inferiores al 20%. Tan baja identidad dificulta la identificación de nuevos genes Institución Monto aprobado Fecha desde Fecha hasta Responsable VSG usando los métodos tradicionales basados en homología. Proponemos identificar el repertorio de genes VSG en Trypanosoma vivax (introducido en Sudamérica a mediados del siglo XIX y se expandió rápidamente), desarrollando aplicaciones bioinformáticas basadas en métodos conocidos como ? machine learning?. Estos métodos usan un ?set de entrenamiento? consistente en un grupo de secuencias conocidas a partir del cual extraen ?propiedades estadísticas? que permiten clasificar nuevas secuencias que no sabemos a que categoría pertenecen. Este proyecto tiene como objetivo central la construcción de dicho set de entrenamiento en T.vivax usando VSGs aisladas partir de ARNm. Estudios filogenéticos ubican a T.vivax como descendiente directo del ancestro de los tripanosomas africanos, por lo que la identificación y análisis de sus genes VSG ayudará a elucidar el origen de uno de los mecanismos de evasión inmune más eficientes.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ROBELLO, C. (Responsable), ALVAREZ-VALIN, F.

Palabras clave: Trypanosoma vivax, transcriptómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Trypanosoma, Secuenciación masiva

DIRECCIÓN Y ADMINISTRACIÓN

Consejero del Instituto PAsteur (01/2011 - 07/2011)

10 horas semanales

DOCENCIA

(11/2014 - 11/2014)

Doctorado

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Functional Genomics in biomedicine: 3rd Edition. Host-Pathogen interaction., 60 horas, Teórico-Práctico

Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

(11/2012 - 11/2012)

Doctorado

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Biología Molecular de Tripanosomatidos, 60 horas, Teórico-Práctico

(07/2012 - 08/2012)

Doctorado

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

"Generation of libraries for next generation sequencing", 60 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Secuenciación masiva

PEDECIBA (11/2011 - 12/2011)

Doctorado

Asignaturas:

Functional genomics in biomedicine (2nd edition), 60 horas, Teórico-Práctico

(03/2009 - 04/2009)

Doctorado

Asignaturas:

Functional Genomics in Biomedicine, 40 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular / Microarreglos de ADN/Biología Molecular

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

(10/2014 - 10/2014)

Entrenamiento interno en el manejo del equipo de secuenciado masivo MiSeq Illumina

20 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

(06/2011 - 06/2011)

United States-Latin America Cancer Research Network Microarray Training Workshop

16 horas semanales

PASANTÍAS

(10/2014 - 10/2014)

40 horas semanales

(03/2014 - 03/2014)

20 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

SECTOR EMPRESAS/PRIVADO - EMPRESA PRIVADA - URUGUAY

ATGen SRL

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (04/2001 - 11/2009)

,60 horas semanales

Socio Fundador de ATGen Sistemas Moleculares (www.atgen.com.uy). Integrante del Departamento de Investigación y Desarrollo y supervisor del área Producción (Abril 2001-Julio 2005). Desde Julio de 2005 me desempeño como Asesor Científico de ATGen-Celsius, dentro del área de Investigación y Desarrollo. Me desempeño asimismo como Jefe de Producción y supervisor técnico en el área de Servicios. Participación activa en la puesta en marcha del sistema de gestión de calidad de ATGen Sistemas Moleculares. El proceso finalizó con la obtención de la certificación ISO 9001-2000 y utilización de normas GMP (Mercosur y FDA) en agosto de 2007.

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

desarrollo de kits de diagnóstico de enfermedades genéticas en humanos (04/2001 - 11/2009)

Desde la creación de la empresa, el área de I+D viene desarrollando kits de diagnóstico de enfermedades de origen genético basados en la PCR. En los dos últimos años se comenzó una nueva etapa en la empresa, con la incorporación de la tecnología de PCR en tiempo real (adquiriendo el primer equipo de PCR en tiempo real en el país). ATGen cuenta en la actualidad con más de 12 productos comercializados a nivel nacional e internacional.

20 horas semanales

ATGen, I+D , Integrante del equipo

Equipo:

Palabras clave: Kits

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas / PCR, Real Time PCR

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Productos de diagnóstico, cuantificación y análisis de ácidos nucleicos por PCR en Tiempo Real (03/2007 - 08/2008)

30 horas semanales

Desarrollo

Integrante del Equipo

Concluido

Equipo: SANGUINETTI, C (Responsable) , COTA, G. , DE LOS SANTOS, J.

Palabras clave: PCR Real Time

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Desarrollo de productos biotecnológicos para detección precoz de enfermedades humanas (06/2002 - 03/2005)

60 horas semanales

Desarrollo

Integrante del Equipo

Concluido

Equipo: SANGUINETTI, C (Responsable) , TUCCI, P

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

DOCENCIA

(07/2003 - 07/2003)

Perfeccionamiento

Asignaturas:

PCR: una nueva herramienta en el diagnóstico, 20 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas / biología molecular

EXTENSIÓN

Responsable del CTAG (Centro Técnico de Análisis Genéticos) (05/2002 - 06/2007)

ATGen, I+D

10 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas / Secuenciación

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

ATGen, I+D (10/2007 - 11/2007)

Capacitación en Diagnóstico clínico basado en técnicas de amplificación de ácidos nucleicos
40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Enfermedades Infecciosas / Biología Molecular

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas / biología molecular

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PRIVADO - UNIVERSIDAD CATÓLICA DEL URUGUAY DÁMASO ANTONIO LARRAÑAGA - URUGUAY

UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2004 - 07/2008)

Docente ,1 hora semanal

Realización de cursos de Introducción a la Bioinformática para el Grupo de Bioinformática.

Participación en una tesis de grado como co-orientador y participación en 2 tribunales del trabajo final de la carrera de Ingeniería en Informática

ACTIVIDADES

DOCENCIA

(03/2005 - 11/2007)

Grado

Asignaturas:

Introducción a la Bioinformática, 4 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformática

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias - UDeLaR

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (01/2004 - 12/2006)

Ayudante Grado 1 Sección Bioquímica ,20 horas semanales
Sección Bioquímica del Departamento de Biología Celular y Molecular.
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudio de Degradación de Proteínas por el Sistema Proteasoma Ubiquitina (01/2004 - 12/2006)

Esta línea de investigación se llevó adelante utilizando como modelo Trypanosoma cruzi y su vinculo con el estrés oxidativo. Dió lugar a una tesis de maestría defendida en abril de 2008.

20 horas semanales

Facultad de Ciencias, Sección Bioquímica , Integrante del equipo

Equipo:

Palabras clave: estrés oxidativo ubiquitina trypanosoma

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

DOCENCIA

Licenciatura en Ciencias Biológicas (01/2004 - 12/2006)

Grado

Asignaturas:

Bioquímica General, 20 horas, Práctico

Biología Molecular, 20 horas, Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Licenciatura en Bioquímica (01/2004 - 12/2006)

Grado

Asignaturas:

Bioquímica I, 20 horas, Teórico-Práctico

Genética Molecular, 20 horas, Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (03/2006 - 03/2006)

Maestría

Asignaturas:

Análisis de la expresión génica durante el desarrollo de platelmintos, 20 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (11/2005 - 11/2005)

Maestría

Asignaturas:

Técnicas moleculares y radioisotópicas aplicadas al diagnóstico de patologías humanas, 20 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (10/2005 - 10/2005)

Maestría

Asignaturas:

Control de Calidad de proteínas: Plegamiento o Degradación, 20 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

EXTENSIÓN

Participación del Claustro por Orden de Egresados (01/2004 - 12/2006)

Facultad de Ciencias, Claustro

2 horas

SECTOR ENSEÑANZA TÉCNICO-PROFESIONAL/SECUNDARIA/PÚBLICO - ADMINISTRACIÓN NACIONAL DE EDUCACIÓN PÚBLICA - URUGUAY

Centro Regional de Profesores

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (10/2004 - 03/2005)

Docente, 20 horas semanales

Responsable del curso Bioquímica, Biología Celular y Genética

ACTIVIDADES

DOCENCIA

(10/2004 - 03/2005)

Técnico nivel superior

Asignaturas:

Bioquímica, Biología Celular y Genética., 20 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

EXTENSIÓN

Charlas a alumnos de Liceo de Flores (12/2004 - 12/2004)

CERP, Bioquímica y Biología Molecular

2 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas

Carga horaria de investigación: 40 horas

Carga horaria de formación RRHH: Sin horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: Sin horas

Producción científica/tecnológica

Desde mi formación de grado y posgrado he trabajado en el área de la Biología Molecular aplicada en las Ciencias de la Salud enfocado principalmente en el área del desarrollo, con aportes en el área básica.

En el año 2001 formamos, junto con tres investigadores de la Facultad de Ciencias la empresa ATGen Sistemas Moleculares. Debido al éxito de esta iniciativa biotecnológica, la empresa se incorporó al grupo Celsius en el año 2005. En dicha empresa continúe trabajando hasta fines de 2009, desempeñándome como responsable de la división de Investigación y Desarrollo. Como parte de la empresa, participé activamente en la formulación de proyectos financiados y tuve una participación activa en el proceso de certificación ISO 9001:2000 y GMP, obteniendo un perfil diferencial en mi formación.

En el área de investigación enfocada al desarrollo, profundicé mi formación al incorporarme en Octubre de 2006 a la Unidad de Biología Molecular (UBM) del Institut Pasteur de Montevideo. Respecto a la investigación básica, abordé el estudio de la respuesta del parásito *Trypanosoma cruzi* al estrés oxidativo mediado por peróxido de hidrógeno. Estos estudios dieron lugar a la tesis de Maestría: "Respuesta adaptativa de *Trypanosoma cruzi*: Cambios en la expresión génica y rol del sistema proteasoma-ubiquitina" realizada bajo la orientación del Dr. Robello y del Dr. Ehrlich, obteniendo el título de Magíster en Ciencias Biológicas.

En 2007, a través de un Convenio con la Comisión Honoraria de Lucha AntiTuberculosis y el IPM, trabajamos generando herramientas de utilidad en el diagnóstico y pronóstico de la tuberculosis a nivel molecular y por otra parte realizar un aporte a nivel de la epidemiología molecular. En este contexto se han publicado varios artículos en revistas arbitradas nacionales e internacionales.

En 2015, bajo la orientación de los Doctores Carlos Robello y F. Alvarez Valin obtuve el título de Doctor en Ciencias con la tesis: "Genómica funcional y evolutiva de tripanosomas africanos: el modelo *Trypanosoma vivax*". En esta tesis se abordó, el estudio de la expresión génica en tripanosomátidos -centrandonos particularmente en el *Trypanosoma vivax*, una zoonosis emergente en la región-. En 2013 fue aceptado y publicado un artículo con parte de este trabajo del cual soy primer autor. A principios de 2015, también como primer autor, publicamos un nuevo artículo sobre la adaptación de este parásito africano a nuestro continente. Este artículo ha sido recomendado en Faculty of 1000. Actualmente, el trabajo con tripanosomas africanos en américa es mi línea de investigación principal.

En 2016 ingreso como investigador Pedeciba. En la actualidad continuo la línea de investigación desarrollada durante el doctorado y participo activamente en la línea de investigación en TB humana de nuestro laboratorio.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Deep sequencing discovery of causal mtDNA mutations in a patient with unspecific neurological disease (Completo, 2018)

Spangenberg, L. , GRAÑA, M., Mansilla, S., JENNYFER MARTÍNEZ , Tapié, A., GREIF, G., Montano, N., VAGLIO A, Guecaimburu, R., ROBELLO, C., CASTRO, L.; Castro, L.A. , Quijano, C., Raggio, V. , Naya, Hugo

Mitochondrion, 2018

Palabras clave: Mitocondrias Enfermedad mitocondrial ngs

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Biología Molecular

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15677249

DOI: [10.1016/j.mito.2018.09.004](https://doi.org/10.1016/j.mito.2018.09.004)

<https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1567724918300084>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Asthma diagnosis using integrated analysis of eosinophil microRNAs (Completo, 2018)

Rodrigo-Muñoz JM, Cañas JA, Sastre B, REGO N., GREIF, G., Rial M., Mahillo-Fernández I, Fernández-Nieto M, Mora I, Barranco P, Quirce S, Sastre J, Del Pozo V
Allergy, 2018

Palabras clave: asthma; biomarker; diagnosis; eosinophil; microRNA

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Biología Molecular

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 01054538

DOI: [10.1111/all.13570](https://doi.org/10.1111/all.13570)

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/30040124>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Whole genome sequencing of the monomorphic pathogen *Mycobacterium bovis* reveals local differentiation of cattle clinical isolates. (Completo, 2018)

LASERRE, M., FRESIA, P., GREIF, G., IRAOLA, G., CASTRO-RAMOS, M., JUAMBELTZ, A., NUÑEZ, A., NAYA, H., ROBELLO, C., BERNÁ, L.

BMC Genomics, v.: 19 1 2, 2018

Palabras clave: Tuberculosis bovina Epidemiología Genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Epidemiología Molecular

ISSN: 14712164

DOI: [10.1186/s12864-017-4249-6](https://doi.org/10.1186/s12864-017-4249-6)

<https://bmcgenomics.biomedcentral.com/track/pdf/10.1186/s12864-017-4249-6?site=bmcgenomics.biomedcen>

site=bmcgenomics.biomedcen

Disponible online: <https://bmcgenomics.biomedcentral.com/track/pdf/10.1186/s12864-017-4249-6?site=bmcgenomics.biomedcentral.com>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The first case report of trypanosomiasis caused by *Trypanosoma evansi* in Uruguay (Completo, 2018)

FARAL-TELLO, P., GREIF, G., SCARDOELLI VIANNA, C., HERNANDEZ, A., BASMADJIÁN, Y., ROBELLO, C.

Veterinary Parasitology: Regional Studies and Reports, v.: 11 p.:19 - 21, 2018

Palabras clave: Trypanosomas Surra Animal trypanosomiasis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / ISSN: 24059390

DOI: [10.1016/j.vprsr.2017.11.002](https://doi.org/10.1016/j.vprsr.2017.11.002)

<https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S2405939017301302>

Disponible online 2017. Publicada Jan 2018

Whole-genome characterization of Uruguayan strains of avian infectious bronchitis virus reveals extensive recombination between the two major South American lineages. (Completo, 2017)

MARANDINO, A., TOMÁS, G., PANZERA, Y., GREIF, G., PARODI-TALICE, A., HERNÁNDEZ, M., TECHERA, C., HERNÁNDEZ, D., PERÉZ, R.

Infection, Genetics and Evolution, 2017

Palabras clave: Genomic evolution, Infectious bronchitis virus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Salud Animal Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15671348

DOI: [10.1016/j.meegid.2017.07.009](https://doi.org/10.1016/j.meegid.2017.07.009)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Genomic and clinical evidence uncovers the enterohepatic species *Helicobacter valdiviensis* as a potential human intestinal pathogen (Completo, 2017)

FRESIA, P., COLLADO, L., GREIF, G., JARA, R., SIERRA, R., IRAOLA, G.

Helicobacter, 2017

Palabras clave: Helicobacter, Genomics, Human Pathogen

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / ISSN: 10834389

DOI: [10.1111/hel.12425](https://doi.org/10.1111/hel.12425)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Transcriptomic analysis reveals metabolic switches and surface remodeling as key processes for stage transition in *Trypanosoma cruzi* (Completo, 2017)

BERNÁ, L., CHIRIBAO, M., GREIF, G., RODRIGUEZ, M., ALVAREZ-VALIN, F., ROBELLO, C. PeerJ, 2017

Palabras clave: trypanosoma transcriptomics molecular biology

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21678359
DOI: [10.7287/peerj.preprints.2782v1](https://doi.org/10.7287/peerj.preprints.2782v1)
<https://peerj.com/preprints/2782/>
Pre-print link: <https://peerj.com/preprints/2782/> Link artículo final:
<https://peerj.com/articles/3017/>
Scopus' WEB OF SCIENCE™

Autochthonous Outbreak and Expansion of Canine Visceral Leishmaniasis, Uruguay (Completo, 2017)

FARAL-TELLO, P., SATRAGNO, D., CANNEVA, B., VERGER, L., LOZANO, A., VITALE, E., GREIF, G., SOTO, C., ROBELLO, C., BASMADJIÁN, Y.
Emerging Infectious Diseases, v.: 23 3, 2017
Palabras clave: Leishmania, Epidemiology, Molecular Biology
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 10806040
DOI: [10.3201/eid2303.160377](https://doi.org/10.3201/eid2303.160377)
https://wwwnc.cdc.gov/eid/article/23/3/16-0377_article
Disponible online: https://wwwnc.cdc.gov/eid/article/23/3/16-0377_article
Scopus' WEB OF SCIENCE™

Translational cancer research comes of age in Latin America (Completo, 2016)

LLERA, A.S., PODHAJECER, O., BREITENBACH, M. M., SANTINI, L., MULLER, B., DANERINAVARRO, A., VELÁZQUEZ, C.A., ARTAGAVEYTIA, N., GOMEZ, J., FRECH, M.S., GREIF, G., BROWN, T., GROSS, T.
Science Translational Medicine, v.: 7 319, 2016
Palabras clave: cancer, biología molecular, latinoamerica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19466234
DOI: [10.1126/scitranslmed.aad5859](https://doi.org/10.1126/scitranslmed.aad5859)
<http://stm.sciencemag.org/content/7/319/319fs50.short>
Al tratarse de un artículo presentado en el marco de un proyecto multicéntrico la lista completa de autores puede descargarse desde aquí:
<http://stm.sciencemag.org/content/suppl/2015/12/22/7.319.319fs50.DC1> Incluí como coautores, los colaboradores de la red referentes de cada país.
Scopus' WEB OF SCIENCE™

3697G>A in MT-ND1 is a causative mutation in mitochondrial disease. (Completo, 2016)

SPANGENBERG, L., GRAÑA, M., GREIF, G., SUAREZ-RIVERO JM, KRYSZTAL K, TAPIÉ A, BOIDI, M, FRAGA, V, LEMES, A, GUEÇAIMBURÚ, R, CERISOLA, A, SÁNCHEZ-ALCÁZAR, JA, ROBELLO, C., RAGGIO, V., NAYA, H.
Mitochondrion, 2016
Palabras clave: Clinical genomics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
ISSN: 15677249
DOI: [10.1016/j.mito.2016.03.006](https://doi.org/10.1016/j.mito.2016.03.006)
Abstract Mitochondrial diseases are a group of clinically heterogeneous disorders that can be difficult to diagnose. We report a two and a half year old girl with clinical symptoms compatible with Leigh disease but with no definitive diagnosis. Using next generation sequencing we found that mutation 3697G>A was responsible for the patient's clinical symptoms. Corroboration was performed via segregation analysis in mother and sister and by evolutionary analysis that showed that the mutation is located in a highly conserved region across a wide range of species. Functional analyses corroborated the mutation effect and indicated that the pathophysiological alterations were partially restored by Coenzyme Q10. In addition, we proposed that the presence of the mutation at high frequencies causes the phenotype in the patient, while other family members with intermediate levels of heteroplasmy are symptoms-free.
Scopus' WEB OF SCIENCE™

The Anolis Lizard Genome: An Amniote Genome without Isochores? (Completo, 2016)

CONSTANTINI, M., GREIF, G., ALVAREZ-VALIN, F., BERNARDI, G.
Genome Biology and Evolution, 2016
Palabras clave: Anolis, isochores, genome evolution

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 17596653

DOI: [10.1093/gbe/evw056](https://doi.org/10.1093/gbe/evw056)

<http://gbe.oxfordjournals.org/content/early/2016/03/17/gbe.evww056.long>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Transcriptome sequencing reveals wide expression reprogramming of basal and unknown genes in *Leptospira biflexa* biofilms (Completo, 2016)

SPANGENBERG, L., IRAOLA, G., LOPES BASTOS, B., GRAÑA, M., VASCONCELOS, L., ALMEIDA, A., GREIF, G., ROBELLO, C., RISTOW, P., NAYA, H.
mSphere, 2016

Palabras clave: Leptospira, biofilms, transcriptomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

ISSN: 23795042

DOI: [10.1128/mSphere.00042-16](https://doi.org/10.1128/mSphere.00042-16)

In this work we describe the first transcriptome based on RNA-seq technology focused on studying transcriptional changes associated to biofilm growth in a member of the genus *Leptospira*. As many pathogenic species of this genus can survive inside the host but also persist in environmental water mostly forming biofilms, identifying the molecular basis of this capacity can impact on the understanding of how leptospires are able to fulfill a complete life cycle that alternates between adaptation to host and hostile external environmental conditions. We identified several genes and regulatory networks that can be the kick-off for deepen in the molecular mechanisms involving bacterial persistence via biofilm formation; understanding this is important for the future development of tools for controlling leptospirosis.

Analytical Validation of Quantitative Real-Time PCR Methods for Quantification of *Trypanosoma cruzi* DNA in Blood Samples from Chagas Disease Patients. (Completo, 2015)

RAMÍREZ JC, CURA CI, DA CRUZ MOREIRA O, LAGES-SILVA E, JUIZ, N, VELÁZQUEZ E, RAMÍREZ JD, ALBERTI A, PAVIA P, FLORES-CHÁVEZ MD, MUÑOZ-CALDERÓN A, PÉREZ-MORALES D, SANTALLA J, MARCOS DA MATTA GUEDES P, PENEAU J, MARCET P, PADILLA C, CRUZ-ROBLES D, VALENCIA E, CRISANTE GE, GREIF, G., ZULANTAY I, COSTALES JA, ALVAREZ-MARTÍNEZ M, MARTÍNEZ NE, VILLARROEL R, VILLARROEL S, SÁNCHEZ Z, BISIO M, PARRADO R, MARIA DA CUNHA GALVÃO L, JÁCOME DA CÂMARA AC, ESPINOZA B, ALARCÓN DE NOYA B, PUERTA C, RIARTE A, DIOSQUE P, SOSA-ESTANI S, GUHL F, RIBEIRO I, AZNAR C, BRITTO C, YADÓN ZE, SCHIJMAN AG

Journal of Molecular Diagnostics, v.: 17 5, p.:605 - 615, 2015

Palabras clave: PCR tiempo real, diagnóstico, chagas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15251578

DOI: [10.1016/j.jmoldx.2015.04.010](https://doi.org/10.1016/j.jmoldx.2015.04.010)

Artículo publicado como resultado de las tareas realizadas en el marco del Taller sobre la estandarización y validación analítica de la qPCR para cuantificar la carga de ADN de *Trypanosoma cruzi* en sangre periférica de pacientes con enfermedad de Chagas, realizado en Buenos Aires, Argentina, en la fecha del 12 al 17 de diciembre de 2011

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A rural worker infected with a bovine-prevalent genotype of *Campylobacter fetus* subsp. *fetus* supports zoonotic transmission and inconsistency of MLST and whole-genome typing. (Completo, 2015)

BETANCOR, L., IRAOLA, G., CALLEROS, L., GADEA, P., ALGOTA, G., GALEANO, S., MUXÍ, P., GREIF, G., PEREZ, R.

European Journal of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (E), 2015

Palabras clave: campylobacter genome

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

ISSN: 14354373

DOI: [10.1007/s10096-015-2393-y](https://doi.org/10.1007/s10096-015-2393-y)

<http://link.springer.com/article/10.1007%2Fs10096-015-2393-y>

Scopus®

Kinetoplast adaptations in American strains from *Trypanosoma vivax* (Completo, 2015)

GREIF, G., RODRIGUEZ, M., REYNA-BELLO, A., ROBELLO, C., ALVAREZ-VALIN, F.
Mutation Research - Fundamental and Molecular Mechanisms of Mutagenesis, v.: 773 p.:69 - 82,
2015

Palabras clave: trypanosoma, kinetoplastid, evolución, genómica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 13861964

DOI: [10.1016/j.mrfmmm.2015.01.008](https://doi.org/10.1016/j.mrfmmm.2015.01.008)

http://www.sciencedirect.com/science?_ob=ArticleListURL&_method=list&_ArticleListID=-729918789&_sort

Recomendado en Faculty of 1000. ABSTRACT The mitochondrion role changes during the digenetic life cycle of African trypanosomes. Owing to the low abundance of glucose in the insect vector (tsetse flies) the parasites are dependent upon a fully functional mitochondrion, capable of performing oxidative phosphorylation. Nevertheless, inside the mammalian host (bloodstream forms), which is rich in nutrients, parasite proliferation relies on glycolysis, and the mitochondrion is partially redundant. In this work we perform a comparative study of the mitochondrial genome (kinetoplast) in different strains of *Trypanosoma vivax*. The comparison was conducted between a West African strain that goes through a complete life cycle and two American strains that are mechanically transmitted (by different vectors) and remain as bloodstream forms only. It was found that while the African strain has a complete and apparently fully functional kinetoplast, the American *T. vivax* strains have undergone a drastic process of mitochondrial genome degradation, in spite of the recent introduction of these parasites in America. Many of their genes exhibit different types of mutations that are disruptive of function such as major deletions, frameshift causing indels and missense mutations. Moreover, all but three genes (A6-ATPase, RPS12 and MURF2) are not edited in the American strains, whereas editing takes place normally in all (editable) genes from the African strain. Two of these genes, A6-ATPase and RPS12, are known to play an essential function during bloodstream stage. Analysis of the minicircle population shows that its diversity has been greatly reduced, remaining mostly those minicircles that carry guide RNAs necessary for the editing of A6-ATPase and RPS12. The fact that these two genes remain functioning normally, as opposed to that reported in *Trypanosoma brucei*-like trypanosomes that restrict their life cycle to the bloodstream forms, along with other differences, is indicative that the American *T. vivax* strains are following a novel evolutionary pathway.

Scopus

First case of *Mycobacterium heckeshornense* cavitary lung disease, in Latin America and Caribbean region (Completo, 2015)

COITINHO, C., GREIF, G., VAN INGEN, J., LASERRA, PAULA, ROBELLO, C., RIVAS, C.

New Microbes and New Infections, 2015

Palabras clave: Tuberculosis, *Mycobacterium*, Case Report

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Tuberculosis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20522975

DOI: [j.nmni.2015.12.003](https://doi.org/10.1016/j.nmni.2015.12.003)

<http://www.newmicrobesnewinfections.com/article/S2052-2975%2815%2900110-9/abstract>

Publication History Published Online: December 18, 2015 Accepted: December 9, 2015 Received: October 30, 2015

Whole-Genome Sequencing of an Isoniazid-Resistant Clinical Isolate of *Mycobacterium tuberculosis* Strain MtURU-002 from Uruguay (Completo, 2014)

BERNÁ, L., IRAOLA, G., GREIF, G., COITINHO, C., RIVAS, C., NAYA, H., ROBELLO, C.

Genome Announcements, v.: 17 4, 2014

Palabras clave: Tuberculosis, MDR

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Tuberculosis,

Secuenciación masiva

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

DOI: [10.1128/genomeA.00655-14](https://doi.org/10.1128/genomeA.00655-14)

<http://genomea.asm.org/content/2/4/e00655-14.long>

Genome Sequence of the Native Apiculate Wine Yeast *Hanseniaspora vineae* T02/19AF. (Completo, 2014)

GIORELLO, F.M., BERNÁ, L., GREIF, G., CAMESASCA, L., SALZMAN, V., MEDINA, K., ROBELLO, C., GAGGERO, C., AGUILAR, P.S., CARRAU, F.

Genome Announcements, v.: 2 3 , 2014

Palabras clave: Secuenciado masivo, Genoma, levadura, vino

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biotecnología, Secuenciación masiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 21698287

DOI: [10.1128/genomeA.00530-14](https://doi.org/10.1128/genomeA.00530-14)

<http://genomea.asm.org/content/2/3/e00530-14.long>

ABSTRACT The use of novel yeast strains for winemaking improves quality and provides variety including subtle characteristic differences in fine wines. Here we report the first genome of a yeast strain native to Uruguay, *Hanseniaspora vineae* T02/19AF, which has been shown to positively contribute to aroma and wine quality.

Rapidly progressing tuberculosis outbreak in a very low risk group. (Completo, 2013)

COITHINO, CECILIA , GREIF, G. , ROBELLO, C. , LASERRA, PAULA, WILLERY, E. , SUPPLY, P.

European Respiratory Journal, 2013

Palabras clave: Tuberculosis, outbreak

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Tuberculosis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 09031936

DOI: [10.1183/09031936.00150413](https://doi.org/10.1183/09031936.00150413)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Transcriptome analysis of the bloodstream stage from the parasite *Trypanosoma vivax* (Completo, 2013)

GREIF, G. , PONCE DE LEÓN, M , LAMOLLE, G. , RODRIGUEZ, M. , PIÑEYRO, MD. , TAVARES-MARQUES, LM , REYNA-BELLO, A. , ROBELLO, C. , ALVAREZ-VALIN, F.

BMC Genomics, v.: 14 p.:149 2013

Palabras clave: *Trypanosoma vivax*, RNAseq, transcriptoma

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 14712164

DOI: [10.1186/1471-2164-14-149](https://doi.org/10.1186/1471-2164-14-149)

<http://www.biomedcentral.com/>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Molecular analysis of isoniazid-resistant *Mycobacterium tuberculosis* isolates in Uruguay (Completo, 2012)

GREIF, G. , COITHINO, CECILIA , RIVAS, C , VAN INGEN, J. , ROBELLO, C.

International Journal of Tuberculosis and Lung Disease, v.: 16 7 , p.:947 - 949, 2012

Palabras clave: Tuberculosis, Genotipado

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Tuberculosis

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 10273719

Trabajo aceptado para publicación, disponible online:

[http://www.ingentaconnect.com/content/iatld/ijtld/pre-](http://www.ingentaconnect.com/content/iatld/ijtld/pre-prints/ijtld110559;jsessionid=a8jf2ak14basp.victoria)

[prints/ijtld110559;jsessionid=a8jf2ak14basp.victoria](http://www.ingentaconnect.com/content/iatld/ijtld/pre-prints/ijtld110559;jsessionid=a8jf2ak14basp.victoria)

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/22507192>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Primeros casos de tuberculosis pulmonar por *Mycobacterium bovis*. Una zoonosis reemergente en Uruguay (Completo, 2012)

RIVAS, C , GREIF, G. , COITHINO, CECILIA , ARAÚJO, LUIS , LASERRA, PAULA, ROBELLO, C.

Revista Médica Del Uruguay, v.: 28 3 , p.:49 - 54, 2012

Palabras clave: tuberculosis, bovis, humano

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Tuberculosis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 03033295

latindex

Identification of Mycobacterium tuberculosis complex by polymerase chain reaction of Exact Tandem Repeat-D fragment from mycobacterial cultures (Completo, 2012)

COITHINO, CECILIA , GREIF, G. , ROBELLO, C. , RIVAS, C

International Journal of Mycobacteriology, v.: 13 , p.:146 - 148, 2012

Palabras clave: tuberculosis, Identification, Diagnosis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 22125331

DOI: [10.1016/j.ijmyco.2012.07.002](https://doi.org/10.1016/j.ijmyco.2012.07.002)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S2212533112000647>

C. Coitinho, G. Greif, C. Robello, J. van Ingen, C. Rivas Identification of Mycobacterium tuberculosis complex by polymerase chain reaction of Exact Tandem Repeat-D fragment from mycobacterial cultures International Journal of Mycobacteriology, Available online 27 August 2012

<http://dx.doi.org/10.1016/j.ijmyco.2012.07.002> Article history Received 21 June 2012 Accepted

22 July 2012 Available online 27 August 2012

Estrogen up-regulation of semaphorin 3F correlates with sympathetic denervation of the rat uterus (Completo, 2011)

RICHERI, A. , CHALAR, C. , MARTÍNEZ, G. , GREIF, G. , BIANCHIMANO, P. , BRAUER, M.

Autonomic neuroscience, 2011

Palabras clave: Sex hormones; Axon degeneration

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / neurociencias

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15660702

DOI: [10.1016](https://doi.org/10.1016)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1566070211003456>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Prenatal and postnatal characterization of a de novo xq22.1 terminal deletion (Completo, 2006)

VAGLIO, A. , GREIF, G. , BERNAL M , SANGUINETTI, C , MECHOSO B , QUADRELLI A , TUCCI, P ,

MILUNSKY JM , HUANG XL , PAGANO S , QUADRELLI R

Genetic Testing, v.: 104 , p.:272 - 276, 2006

Palabras clave: X Deletion

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Biología Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: USA

ISSN: 10906576

Scopus® WEB OF SCIENCE™

NO ARBITRADOS

Whole-Genome Sequences of Mycobacterium bovis Strain MbURU-001, Isolated from Fresh Bovine Infected Samples. (Completo, 2015)

LASSERRE, M. , BERNÁ, L. , GREIF, G. , DÍAZ-VIRAQUÉ, F. , IRAOLA, G. , NAYA, H. , CASTRO-

RAMOS, M. , JUAMBELTZ, A. , ROBELLO, C.

Genome Announcements, v.: 5 2015

Palabras clave: Tuberculosis bovina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

DOI: [10.1128/genomeA.01237-15](https://doi.org/10.1128/genomeA.01237-15)

Complete Genome Sequence of Mycobacterium tuberculosis Strain MtrURU-001, Isolated from Rapidly Progressing Outbreak in Uruguay. (Completo, 2014)

GREIF, G. , IRAOLA, G. , BERNÁ, L. , COITHINO, CECILIA , RIVAS, C , NAYA, H. , ROBELLO, C.

Genome Announcements, v.: 2 1 , 2014

Palabras clave: Tuberculosis, Genome

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología / Tuberculosis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

DOI: [10.1128/genomeA01220-13](https://doi.org/10.1128/genomeA01220-13)

<http://genomea.asm.org/content/2/1/e01220-13.full.pdf+html?sid=7572065c-4fdd-49f5-8c55-17555d5314d7>

Manuscripts submitted to genomeA will be editorially reviewed for appropriate content

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Genome-wide DNA methylation of a proliferative CLL subset reveals upregulation of antiapoptosis/proliferation and drug resistance related genes (2015)

Completo

ABREU, C. , PALACIOS, F , PRIETO, D. , MORANDE, P. , GREIF, G. , FERNANDEZ CALERO, T. , GABÚS, R. , DIGHIRO, G. , OPPEZZO, P.

Evento: Internacional

Descripción: XVI International Workshop on Chronic Lymphocytic Leukemia 2015

Ciudad: Sydney, Australia

Año del evento: 2015

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

Adaptación de Trypanosoma vivax americano a la transmisión mecánica: remodelación del kinetoplasto (2015)

Resumen

RODRIGUEZ, M. , GREIF, G. , REYNA-BELLO, A. , ROBELLO, C. , ALVAREZ-VALIN, F.

Evento: Internacional

Descripción: Sociedad Argentina de Protozoología XXVII Reunión Anual

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2015

Anales/Proceedings: Libro de Resúmenes

Palabras clave: trypanosoma vivax, kinetoplasto

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Papel

Trabajo seleccionado para presentación oral. Presentación en poster.

Transcriptome sequencing reveals extensive expression reprogramming of basal metabolism and novel genes during biofilm formation in the saprophyte Leptospira biflexa Transcriptome sequencing reveals extensive expression reprogramming of basal metabolism and novel genes during biofilm formation in the saprophyte Leptospira biflexa (2014)

Completo

NAYA, H. , IRAOLA, G. , SPANGENBERG, L. , BASTOS, B. , GRAÑA, M. , VASCONCELLOS, L. , ALMEIDA, A. , GREIF, G. , RISTOW, P.

Evento: Internacional

Descripción: Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network

Ciudad: París

Año del evento: 2014

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Bioinformática

Medio de divulgación: Internet

Trabajo presentado de forma oral en el Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network

Genome-wide characterization of Mycobacterium tuberculosis outbreaks in the low-risk uruguayan population (2014)

Completo

IRAOLA, G. , GREIF, G. , BERNÁ, L. , COITINHO, C. , RIVAS, C. , NAYA, H. , ROBELLO, C.

Evento: Internacional

Descripción: Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network

Ciudad: PARIS
Año del evento: 2014
Palabras clave: tuberculosis, secuenciado masiva, epidemiologia
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Bioinformática/Epidemiología
Medio de divulgación: Otros
Trabajo seleccionado para presentación oral en el Scientific Symposium of the Institut Pasteur
International Network

First case of Mycobacterium heckeshornense cavitary lung disease in the Americas and Caribbean Region (2014)

Completo
COITINHO, C. , GREIF, G. , ROBELLO, C. , LASERRA, PAULA, RIVAS, C

Evento: Internacional
Descripción: 35th Annual Congress of the European Society of Mycobacteriology (ESM 2014)
Ciudad: Viena
Año del evento: 2014
Palabras clave: Mycobacterias No Tuberculosas
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Tuberculosis/Epidemiología
Medio de divulgación: Otros
Trabajo seleccionado para presentación oral en el 35th Annual Congress of the European Society
of Mycobacteriology (ESM 2014).

Diversidad de pequeños ARNs secretados por células tumorales y no tumorales en distintas fracciones extracelulares: estudios preliminares por NGS (2013)

Completo
TOSAR, JP , SANGUINETTI, J , BONILLA, B. , GREIF, G. , CAYOTA, A.

Evento: Nacional
Descripción: VIII SBBM (Facultad de Ciencias, Montevideo, 12-13 de setiembre de 2013)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Internet
http://www.iibce.edu.uy/SBBM/Docs/jornadas/jornadas2013/2013_CONFERENCIAS%20Y%20PRESE

Development of a real time PCR assay using SYBR Green chemistry for bovine leukemia virus detection (2011)

Resumen
RAMA G , MORATORIO, G. , GREIF, G. , OBAL, G. , BIANCHI S. , TOMÉ L , CARRION, F. , MEIKLE, A. , PRITSCH, O.

Evento: Internacional
Descripción: 15th International Conference on Human Retroviruses: HTLV and Related Viruses 5-8 June 2011
Ciudad: Leuven and Gembloux, Belgium
Año del evento: 2011
Anales/Proceedings: Retrovirology 2011 doi: 10.1186/1742-4690-8-S1-A17
Volumen:8
Fascículo: 1
Serie: A17
Publicación arbitrada
Palabras clave: BLV, Real Time, Diagnóstico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Internet
<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC3112642/>

Primer análisis epidemiológico molecular de cepas de Mycobacterium tuberculosis resistentes a drogas aisladas en Uruguay e identificación de una nueva especie. (2010)

Completo
GREIF, G. , RIVAS, C , COITHINO, CECILIA , ROBELLO, C.

Evento: Nacional
Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2010
Palabras clave: tuberculosis
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas / Tuberculosis
Medio de divulgación: Internet
<http://www.pasteur.edu.uy/sub/>

Molecular analysis of drug resistant strains of Mycobacterium tuberculosis in Uruguay, and the identification of a new specie. (2009)

Completo
GREIF, G. , ROBELLO, C. , RIVAS, C , COITHINO, CECILIA

Evento: Internacional
Descripción: IV Reunion SLAMTB (Sociedad Lationamericana de Tuberculosis y otras Micobateriosis)
Ciudad: Rosario, ARgentina
Año del evento: 2009
Palabras clave: Tuberculosis, Biologia Molecular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular
Medio de divulgación: Papel

Estrogen regulation of semaphorin expression in the rat uterus (2008)

Resumen
RICHERI, A. , CHALAR, C. , BIANCHIMANO, P. , GREIF, G. , BRAUER, M.

Evento: Internacional
Descripción: EMBO Workshop Semaphorin Function and Mechamisms of Action
Ciudad: París
Año del evento: 2008
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

Estrogen regulation of semaphorin expression in the uterus (2007)

Completo
RICHERI, A. , CHALAR, C. , BIANCHIMANO, P. , GREIF, G. , BRAUER, M.

Evento: Internacional
Descripción: VII Congreso Mundial de Neurociencia, IBRO
Ciudad: Melbourne
Año del evento: 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Papel
www.ibro2007.org

Ubiquitinación de proteínas en respuesta al estrés oxidativo en Trypanosoma cruzi (2007)

Completo
GREIF, G. , PARODI, A. , ROBELLO, C.

Evento: Internacional
Descripción: Workshop: Avaliaçao pós-genômica da expressao génica em parasitas
Ciudad: Curitiba
Año del evento: 2007
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

Análisis de respuestas al estrés físico-químico en Trypanosoma cruzi (2006)

Completo
PARODI, A., GREIF, G., ROBELLO, C.

Evento: Nacional
Descripción: V Jornadas de la SBBM
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2006
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Papel

A DNA aptamer developed by selex against ubiquitin recognizes specific protein populations in cellular extracts (2005)

Resumen
GREIF, G., SEÑORALE, M.

Evento: Internacional
Descripción: X Congreso de la Panamerican Association for Biochemistry and Molecular Biology (PABMB)
Ciudad: Pinamar
Año del evento: 2005
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

Desarrollo y caracterización de aptámeros con alta afinidad por ubiquitina (2005)

Resumen
GREIF, G., SEÑORALE, M.

Evento: Nacional
Descripción: XI Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Lavalleja
Año del evento: 2005
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

Aportes para un sistema de trazabilidad de organismos genéticamente modificados (ogms) y derivados mediante herramientas moleculares (2005)

Completo
GREIF, G.

Evento: Nacional
Descripción: INNOVA
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2005
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

Prevalencia de polimorfismos farmacogenéticos del citocromo P450 (CYP) 2c9 en la población Montevideana (2004)

Resumen
ECHARTE, L., TUCCI, P., GREIF, G., SANGUINETTI, C

Evento: Internacional
Descripción: 12 Edición de Farmapolis
Ciudad: Florianópolis
Año del evento: 2004
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

ADN cincuenta (2003)

Completo
GREIF, G.

Evento: Internacional
Descripción: 2das Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2003
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Otros

Producción técnica

PRODUCTOS

Kit para genotipado de gen FV Leiden por PCR en tiempo real (2008)

Prototipo, Otra
DE LOS SANTOS, J., GREIF, G., COTA, G., SANGUINETTI, C
Kit para genotipado de gen FV Leiden por PCR en tiempo real
País: Uruguay
Disponibilidad: Restringida
Institución financiadora: ATgen Sistemas Moleculares / Proyecto PDT S/E/INI/06/054
Palabras clave: PCR Real Time
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Biología Molecular
Medio de divulgación: Internet
El kit fue desarrollado con el co-financiamiento de la DICYT a través del proyecto PDT S/E/INI/06/054. El mismo fue desarrollado siguiendo las normas ISO 9001:2000, y comenzará a producirse bajo normas GMP. El registro ante el MSP se realizará antes de finalizar el presente año. Es el primer desarrollo de la empresa con la tecnología de PCR en tiempo real.

Toxo (2004)

Otro, Otra
TUCCI, P., GREIF, G., SANGUINETTI, C
Kit para determinación de presencia de Toxoplasma Gondii en muestras biológicas
País: Uruguay
Disponibilidad: Irrestringida
Producto con aplicación productiva o social: Aplicación Médica: Determinación de presencia de T. gondii en muestras biológicas
Institución financiadora: ATGen Sistemas Moleculares
Palabras clave: Toxoplasma
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Biología Molecular
Medio de divulgación: Internet
www.atgen.com.uy
Más información sobre el kit en www.atgen.com.uy El kit se encuentra registrado en el MSP

PreFRAXA (2002)

Otro, Otra
GREIF, G., TUCCI, P., SANGUINETTI, C
Desarrollo de kit PreFRAXA
País: Uruguay
Disponibilidad: Irrestringida
Producto con aplicación productiva o social: Identificación de individuos que NO presentan la mutación asociada al síndrome de X Frágil
Institución financiadora: ATGen Sistemas Moleculares
Palabras clave: X frágil
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Biología Molecular
Medio de divulgación: Internet
www.atgen.com.uy
www.atgen.com.uy

Kits para identificación de polimorfismos puntuales asociados a riesgos de desarrollo de patologías en humanos. (2001)

Otro, Otra
GREIF, G., TUCCI, P., SANGUINETTI, C
Kits de diagnóstico molecular basados en PCR
País: Uruguay
Disponibilidad: Irrestringida
Producto con aplicación productiva o social: Identificación de polimorfismos genéticos asociados con patologías en humanos
Institución financiadora: ATGen Sistemas Moleculares
Palabras clave: Kits diagnóstico molecular
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Biología Molecular
Medio de divulgación: Internet
www.atgen.com.uy

Los kits que se comercializan y producen en ATGen (bajo normas GMP -Mercosur, FDA-) fueron desarrollados por el núcleo fundador de la empresa. Los kits son los siguientes: FV (kit para identificación de mutación de FV de Leiden) FII (kit para identificación de mutación 20210 en gen del Factor II) Hemocromatosis hereditaria (consiste en dos kits, uno para la determinación de la mutación C282Y y otro para la mutación H63D, ambos en el gen HFE) Metil (consiste en dos kits, uno para la determinación de la mutación C677 y otro para la determinación de la mutación A1298T en el gen MTHFR) ApoE (kit para determinación de variaciones alélicas del gen ApoE) Todos estos kits se encuentran además, registrados en el MSP (Montevideo, Uruguay). Se puede encontrar más información sobre ellos y con qué patologías se asocian cada uno de ellos en la página web de la empresa (www.atgen.com.uy). Otros productos han sido desarrollados y se encuentran también en la web.

Otras Producciones

CURSOS DE CORTA DURACIÓN DICTADOS

Functional genomics and its applications in biomedicine: 3rd edition. Host-Pathogen interaction. (2014)

GREIF, G.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Docente
Unidad: Unidad de Biología Molecular
Duración: 1 semanas
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur Montevideo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Generation of Libraries for Next Generation Sequencing (2012)

GREIF, G.
Otro
País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Web: http://www.pasteur.edu.uy/news/generation_libraries_next_generation_sequencing
Tipo de participación: Docente
Unidad: Unidad de Biología Molecular
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur Montevideo
Ciudad: Montevideo, Uruguay
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo and the Masters in Bioinformatics Program of PEDECIBA, Montevideo (Uruguay), UNU BIOLAC and ANII.
Palabras clave: Secuenciación masiva
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Secuenciación masiva
Información adicional: Course Description The general idea of the course is to start developing a trained regional community capable of applying next generation sequencing technologies to solve diverse problems in the rapidly evolving area of biomedicine and biotechnology. Consequently the target audience is primarily postgraduate students and postdocs working in research labs interested in applying next generation sequencing approaches to their subjects of study, or already working on them. The course will be focused on practical issues, learning hands on the basic

procedures for the generation of different sequencing libraries with a special emphasis on Illumina technology. This technology has been recently made available at the Institut Pasteur Montevideo, generating the need to train young researchers from the region in the expanding possibilities offered by this system. In collaboration with the Masters of Bioinformatics Program of PEDECIBA, this course will deliver basic protocols for diverse applications in short lectures, providing opportunities for their discussion in seminars. A practical hands on sessions will guide participants through the entire process of a next generation sequencing run, generating libraries of different samples, sequencing them in the Illumina equipment, and perform a basic analysis of the results obtained. Organizers Dr. Carlos Rovira - Oncology Department - Lund University Dr. José F. Tort - School of Medicine (UdelaR) & Bioinformatics Masters PEDECIBA Teaching Team Dr. Carlos Rovira - Oncology Department - Lund University Dr. José F. Tort - School of Medicine (UdelaR) & Bioinformatics Masters PEDECIBA Dr. Carlos Robello - Molecular Biology Unit - IP Montevideo MSc. Natalia Rego - Bioinformatics Unit - IP Montevideo MSc. Pablo Smircich - Bioinformatics Masters PEDECIBA - School of Medicine (UdelaR) MSc. Gonzalo Greif - Molecular Biology Unit - IP Montevideo MSc. Gabriela Libisch - Molecular Biology Unit - IP Montevideo Lic. Pilar Zorrilla - Molecular Biology Unit - IP Montevideo

Curso Biología Biología Molecular de Tripanosomátidos (2012)

GREIF, G.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Español
Tipo de participación: Docente
Lugar: Institut Pasteur Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Trypanosoma cruzi

US-Latin America Cancer Research Network Microarray Training Workshop (2011)

GREIF, G.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Docente
Unidad: Unidad de Biología Molecular
Duración: 1 semanas
Lugar: Institut Pasteur Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur Montevideo/National Cancer Institute
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Functional genomics and its applications in Biomedicine (2011)

GREIF, G.
Extensión extracurricular
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Web: www.pasteur.edu.uy
Tipo de participación: Docente
Unidad: Unidad de Biología Molecular
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur Montevideo
Ciudad: Montevideo, Uruguay
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur Montevideo
Palabras clave: Genómica Funcional
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Información adicional: Curso dictado bi-anualmente por la Unidad de Biología Molecular del Institut Pasteur Montevideo. En esta edición se focalizó en NGS. Participaron docentes de USA (J. DeGregori, M. Casas), Suecia (C. Rovira, J. Vallon, A. Kvist) y Francia (P. Glasser), además de profesores nacionales invitados (R. Agrelo, A. Cayota, H. Naya, N. Rego, R. García), e integrantes de nuestro laboratorio (G. Libisch, P. Zorrilla). El curso fue organizado por C. Robello y C. Rovira

Curso básico de tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs (2011)

GREIF, G.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Español
Tipo de participación: Docente
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur Montevideo
Palabras clave: Secuenciado masivo, miRNA
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Secuenciación masiva

Genómica funcional en Biomedicina (2009)

GREIF, G.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Web: <http://www.pasteur.edu.uy/>
Tipo de participación: Docente
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut PASTeur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut PASTeur Montevideo
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Fundamentos y aplicaciones biológicas de la espectroscopía de fluorescencia (2008)

GREIF, G.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Español
Tipo de participación: Docente
Unidad: Facultad de ciencias
Duración: 1 semanas
Lugar: Facultad de Ciencias
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Facultad de Ciencias
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microarrays, Secuenciación, PCR RT

PCR en tiempo real: sus aplicaciones en el diagnóstico clínico (2007)

GREIF, G.
Extensión extracurricular
País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Otros
Tipo de participación: Organizador
Unidad: IPMON
Duración: 1 semanas
Lugar: IPMON
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: IPMON/Facultad de Ciencias
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microarrays, Secuenciación, PCR RT

Tecnologías moleculares para el diagnóstico clínico (2005)

GREIF, G.
Extensión extracurricular

País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Otros
Tipo de participación: Docente
Unidad: Facultad de Química
Duración: 1 semanas
Lugar: Facultad de Química
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: UdEP Facultad de Química
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microarrays, Secuenciación, PCR RT

Seminario Teórico-Práctico RT PCR en tiempo real (2005)

GREIF, G.
Extensión extracurricular
País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Otros
Tipo de participación: Docente
Unidad: Facultad de ciencias
Duración: 1 semanas
Lugar: Facultad de ciencias
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Sección Bioquímica (Facultad de Ciencias) y el Departamento de Bioquímica (Facultad de Veterinaria)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Tecnologías moleculares para el diagnóstico clínico (2004)

GREIF, G.
Perfeccionamiento
País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Otros
Tipo de participación: Docente
Unidad: Facultad de Química
Duración: 1 semanas
Lugar: Facultad de Química
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Educación Permanente, Facultad de Química, Universidad de la República
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microarrays, Secuenciación, PCR RT

DESARROLLO DE MATERIAL DIDÁCTICO O DE INSTRUCCIÓN

PCR en tiempo real: sus aplicaciones en el diagnóstico clínico (2007)

GREIF, G.

País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: CD-Rom
CD interactivo para curso de mismo nombre
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microarrays, Secuenciación, PCR RT

Tecnologías moleculares para el diagnóstico clínico (2005)

GREIF, G.

País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: CD-Rom

CD interactivo para curso del mismo nombre

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Microarrays, Secuenciación, PCR RT

Biología Molecular y Diagnóstico en Salud Humana (2004)

GREIF, G.

País: Uruguay

Idioma: Español

Medio divulgación: CD-Rom

Cd interactivo para curso del mismo nombre

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

PCR: una nueva herramienta en el diagnóstico (2003)

GREIF, G.

País: Uruguay

Idioma: Español

Medio divulgación: CD-Rom

CD interactivo para curso del mismo nombre

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Información adicional: Dictado de teórico y responsable de un módulo práctico. Curso organizado por AUTELA y ATGen con el apoyo de la Facultad de Ciencias, Universidad de la República. 18 al 20 de Julio de 2003. Salto, Uruguay.

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

MOVILIDAD PARA CAPACITACION/Subtipo de Beca: CAMPOS PRIORITARIOS Campo Prioritario: Genómica integrativa (2009 / 2009)

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

ANII

Secuenciación masiva de genoma de Trypanosoma vivax Descripción del Proyecto de Investigación: La capacitación propuesta tiene como objetivo la secuenciación masiva del genoma Trypanosoma vivax y como corolario el aprendizaje de la tecnología de secuenciación masiva denominada Pirosecuenciación (454 Life Sciences, Roch). La duración de esta pasantía será de un mes y permitirá la obtención de datos de secuencias crudas utilizando el sistema de pirosecuenciación del genoma del parásito y un análisis primario de las mismas, para terminar su análisis y anotación junto al equipo de bioinformática que trabaja en el proyecto

JURADO DE TESIS

Maestría Pedeciba (2016)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Defensa de tesis de Maestría - Lorena Becco Título: Señales características de transcritos de origen nuclear que codifican productos mitocondriales en Trypanosoma cruzi Tribunal: Presidente: Dr. Fernando Álvarez Vocales: Dres. Gonzalo Greif y José Sotelo-Silveira Directora de tesis: Dra. Beatriz Garat

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

GRADO

Respuesta celular humana frente a la infección por Trypanosoma cruzi (2013)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Programa: Licenciatura en Bioquímica
Nombre del orientado: Alejandra García
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Sistemas Inteligentes para aplicaciones médicas (2006)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay Dámaso Antonio Larrañaga
/ UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías, Uruguay
Programa: Ingeniería en Informática
Nombre del orientado: Alfonso María Inthamoussu Pereyra
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformática

Aplicabilidad de Algoritmos Genéticos para la inferencia de reglas de resistencia a drogas (2006)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay Dámaso Antonio Larrañaga
/ UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías, Uruguay
Programa: Ingeniería en Informática
Nombre del orientado: Rafael Hermida
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformática

OTRAS

Pasantía Pedeciba (2016)

Otras tutorías/orientaciones
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut
Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Natalia Manisse
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: NGS, secuenciación, metagenómica
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Desarrollo y validación de un protocolo de PCR en tiempo real como prueba diagnóstica post-mortem para Mycobacterium Bovis. (2017)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Veterinaria -
UDeLaR, Uruguay
Programa: Maestría en Salud Animal
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Arturo Juambeltz
Medio de divulgación: Otros
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: tuberculosis
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Salud Animal

GRADO

Búsqueda de marcadores moleculares de valor pronóstico en patogenicidad y virulencia en pacientes con

Tuberculosis pulmonar (2017)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Programa: Licenciatura en Bioquímica
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Joaquín Hurtado
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: tuberculosis
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Iniciativas Biotecnológicas en Uruguay (2004)

Comité Uruguayo del Programa AMSUD Pasteur

categoría A Pyme Innovadora 2004 (2004)

Red ProPymes

Premio Arroba empresa Biotecnológica (2003)

Milenium 21

PRESENTACIONES EN EVENTOS

Segundas Jornadas de Actualización en Parasitología y Micología. (2018)

Seminario
Tripanosomatideos de importancia en salud pública en Uruguay.
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 5
Nombre de la institución promotora: Departamento de Parasitología y Micología. Facultad de Medicina. UDELAR
Palabras Clave: Parasitología tripanosomas salud
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología

Taller de estudio del Complejo Mycobacterium Tuberculosis (2018)

Encuentro
Exposición en seminario científico
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 16
Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur Montevideo/Facultad de Ciencias
Palabras Clave: Tuberculosis
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud / Biología Molecular

DIES ProGRANT Proposal Writing for Research Grants (2017)

Seminario
DIES ProGRANT Proposal Writing for Research Grants
Argentina
Tipo de participación: Otros
Carga horaria: 40
Nombre de la institución promotora: Universidad de Köln, Alemania
Palabras Clave: Escritura Proyectos de investigación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Participación en taller organizado por la Universidad de Köln (Alemania) para la escritura de proyectos de investigación. El taller se desarrollo en 3 fases: - 1 semana presencial (40 hs) 3 al 7 de abril (Buenos Aires) - E-learning: Abril-Junio de 2017 - 1 semana presencial (40 hs) 30 de octubre al 4 de noviembre (Buenos Aires). Topics cubiertos: - estructura de proyectos - analisis FODA de proyectos de investigación - Diseño de propuestas de acuerdo a estandares internacionales - Identificación de oportunidad de fondos - habilidades en evaluación de proyectos

Reunion Conjunta de Sociedades de Biociencias (2017)

Congreso

Reunion Conjunta de Sociedades de Biociencias

Argentina

Tipo de participación: Otros

Carga horaria: 40

Nombre de la institución promotora: XXIX Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Protozoología (SAP)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Congreso Argentino de Biociencias, organizado por: LXII Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación CLinica (SAIC) LIII REunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación Bioquímica y Biología Molecular (SAIB) Reunión de la Sociedad ARgentina de Andrología (SAA) XLVI Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Biofísica (SAB) XIX Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Biología (SAB) XLIX Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Farmacología Experimentail (SAFE) Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Fisiología (SAFIS) Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Hematología (SAH) XXIX Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Protozoología (SAP)

Simposio Internacional sobre temas de actualidad en la interacción huesped-patogeno (2016)

Simposio

Simposio Internacional sobre temas de actualidad en la interacción huesped-patogeno

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 24

Nombre de la institución promotora: FOCEM

Palabras Clave: Trypanosoma vivax, micobacterias

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Presentación oral: Micobacterias y Tripanosomas: dos ejemplos de estudio de interacción hospedero-patógeno En el marco del simposio "Simposio Internacional sobre temas de actualidad en la interacción huesped-patogeno" organizado por FOCEM entre el 10 y 12 de Agosto de 2016 en Asunción, Paraguay.

Lesihmaniasis: Nueva zoonosis para Uruguay (2015)

Encuentro

Lesihmaniasis: Nueva zoonosis para Uruguay

Uruguay

Tipo de participación: Otros

Carga horaria: 4

Palabras Clave: lesihmania, epidemiología

XXVII Reunion Anual de la Sociedad Argentina de Protozoología (2015)

Congreso

Adaptación de Trypanosoma vivax americano a la transmisión mecánica: remodelación del kinetoplasto

Argentina

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 24

Palabras Clave: trypanosoma vivax, kinetoplasto

Terceras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética del Uruguay (2014)

Congreso

Experiencias de la Plataforma Illumina de Secuenciado Masivo del Instituto Pasteur Montevideo Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 2
Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética

VII Meeting of the SLAM-TB (2014)

Congreso
Whole genome sequencing of Mycobacterium tuberculosis clinical cases: perspectives in molecular epidemiology
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 30
Nombre de la institución promotora: Sociedad Latinoamericana de tuberculosis y otras micobacterias
Palabras Clave: tuberculosis, secuenciado masiva, epidemiologia
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Tuberculosis, Secuenciación masiva

XXV Reunión Científica Anual de la Sociedad Argentina de Protozoología y Enfermedades Parasitarias (2012)

Congreso
TALLER INTERNACIONAL DE VALIDACION ANALITICA DE PCR EN TIEMPO REAL PARA LA CUANTIFICACION DE CARGA PARASITARIA EN INDIVIDUOS CON ENFERMEDAD DE CHAGAS
Argentina
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: XXV Reunión Científica Anual de la Sociedad Argentina de Protozoología y Enfermedades Parasitarias
Palabras Clave: trypanosoma cruzi, diagnostico, pcr en tiempo real
2012 TALLER INTERNACIONAL DE VALIDACION ANALITICA DE PCR EN TIEMPO REAL PARA LA CUANTIFICACION DE CARGA PARASITARIA EN INDIVIDUOS CON ENFERMEDAD DE CHAGAS. XXV Reunión Científica Anual de la Sociedad Argentina de Protozoología y Enfermedades Parasitarias. Juan Carlos Ramirez, Carolina Cura, Otacilio C Moreira, Christine Aznar, Elsa Velázquez, Juan D Ramirez, Anahí Alberti, Paula Pavia, Eliane Lages, María D Flores, Arturo Muñoz, Deyanira Pérez, José Santalla, Paulo Guedes, Paula Marcet, Julie Peneau, Carlos Padilla, David C Robles, Edward Valencia, Gladys E Crisante, Gonzalo Greif, Inés Zulantay, Jaime Costales, Miriam Álvarez, Norma E Martínez, Rodrigo Villarroel, Zunilda Sánchez, Natalia Juiz, Margarita Bisio, Parrado Rudy, Constanza F Britto, Zaida E Yadon, Alejandro G. Schijman

Red de Institutos Pasteur de las Americas (2012)

Congreso
Transcriptome analysis of the bloodstream stage from the parasite Trypanosoma vivax.
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Palabras Clave: Trypanosoma vivax, RNAseq, transcriptoma
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular
2012. RIIP. Transcriptome analysis of the bloodstream stage from the parasite Trypanosoma vivax. Gonzalo Greif, Miguel Ponce de Leon, Guillermo Lamolle, Matías Rodríguez, Dolores Piñeyro, Lucinda Tabares, Armando Reyna, Carlos Robello, Fernando Alvarez Valin.

Curso básico de tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs (2011)

Taller
Curso básico de tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 40
Nombre de la institución promotora: Institut Pasteur Montevideo
Palabras Clave: Bioinformática Secuenciación masiva
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformatica
Charla en taller: Curso básico de tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs

Biobanking and Molecular Profiling Training Workshop (2010)

Simposio
Biobanking and Molecular Profiling Training Workshop
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 24
Nombre de la institución promotora: Programa Nacional de Control de Cáncer, MSP.
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular
Exposición oral sobre las capacidades de la Unidad de Biología Molecular del IPMON, en cuanto a la plataforma de genómica integrativa.

XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias. (2007)

Congreso
Presentación Oral: Ubiquitinación de proteínas en respuesta al estrés oxidativo en *Trypanosoma cruzi*.
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: SUB
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Apoyo al Diagnóstico y Tratamiento del HIV-SIDA. Eliminación de ambigüedades en datos clínicos utilizando agentes con modelo de usuarios (2006)

Candidato: Martín Mari
Tipo Jurado: Tesis/Monografía de grado
OCAMPO, E., GREIF, G.
Ingeniería en Informática / Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay
Dámaso Antonio Larrañaga / UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud / Bioinformática

Análisis de tratamientos para pacientes con VIH, en base a la integración de consultas sobre su resistencia a droga (2006)

Candidato: Gonzalo Lema
Tipo Jurado: Tesis/Monografía de grado
GREIF, G.
Ingeniería en Informática / Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay
Dámaso Antonio Larrañaga / UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud / Bioinformática

Aplicación de Sistemas Inteligentes para integración de repositorios de resistencias a drogas antiretrovirales detectadas en tratamientos de VIH (2006)

Candidato: Martín Canale
Tipo Jurado: Tesis/Monografía de grado
GREIF, G.
Ingeniería en Informática / Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay
Dámaso Antonio Larrañaga / UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud / Bioinformática

Aplicación de un Sistema Multiagente para la determinación de resistencia a drogas en niños con HIV positivo (2005)

Candidato: Rafael Hermida
 Tipo Jurado: Tesis/Monografía de grado
 GREIF, G.
 Ingeniería en Informática / Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay
 Dámaso Antonio Larrañaga / UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Uruguay
 País: Uruguay
 Idioma: Español
 Areas de conocimiento:
 Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /
 Bioinformática

Aplicación de un Sistema Multiagente para la determinación de resistencia a drogas en niños con HIV positivo (2005)

Candidato: Alfonso Inthamoussu
 Tipo Jurado: Tesis/Monografía de grado
 GREIF, G.
 Ingeniería en Informática / Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay
 Dámaso Antonio Larrañaga / UCUDAL - Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Uruguay
 País: Uruguay
 Idioma: Español
 Areas de conocimiento:
 Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /
 Bioinformática

Información adicional

Socio Fundador de la Sociedad Uruguaya para el Progreso de la Ciencia y la Tecnología (SupCYT).
 Socio de la Sociedad Uruguaya de Biociencias desde enero de 2002. Socio de la Seccional de
 Bioquímica y Biología Molecular de la Sociedad Uruguaya de Biociencias desde agosto de 2002.
 Realización de talleres de Ciencias en el Sector Primaria del Colegio Latinoamericano. Entre agosto
 y setiembre de 2000 y en Julio de 2001. (29/09/2008) (26/07/2011)

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	45
Artículos publicados en revistas científicas	27
Completo	27
Trabajos en eventos	18
PRODUCCIÓN TÉCNICA	20
Productos tecnológicos	4
Otros tipos	16
EVALUACIONES	2
Evaluación de convocatorias concursables	1
Jurado de tesis	1
FORMACIÓN RRHH	6
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	4
Tesis/Monografía de grado	3
Otras tutorías/orientaciones	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	2
Tesis de maestría	1
Tesis/Monografía de grado	1