



HUGO MARIO NAYA  
MONTEVERDE

Dr

[naya@pasteur.edu.uy](mailto:naya@pasteur.edu.uy)

### SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información  
Categorización actual: Nivel II (Activo)

Fecha de publicación: 18/09/2018  
Última actualización SNI: 18/09/2018

## Datos Generales

### INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioinformática / Uruguay

### DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas  
Dirección: Mataojo 2020 / 11400 / Montevideo, Montevideo, Uruguay  
Teléfono: (5982) 5220910 / 122  
Correo electrónico/Sitio Web: [naya@pasteur.edu.uy](mailto:naya@pasteur.edu.uy) [www.pasteur.edu.uy](http://www.pasteur.edu.uy)

## Formación

### Formación académica

#### CONCLUIDA

#### DOCTORADO

##### Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2000 - 2004)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay  
Título de la disertación/tesis: Aspectos evolutivos del contenido en guanina y citosina (G+C) de los genomas procariontas  
Tutor/es: Héctor Musto  
Obtención del título: 2004  
Palabras Clave: procariontas contenido GCevolución  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Computacional

#### GRADO

##### Licenciatura en Ciencias Biológicas (1995 - 1999)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay  
Título de la disertación/tesis: Factores de corrección en extensión de lactancias  
Tutor/es: Jorge Ignacio Urioste Aguerre  
Obtención del título: 1999  
Palabras Clave: extensión de lactancias genética lechera  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Mejoramiento Genético Animal

### Formación complementaria

#### CONCLUIDA

#### POSDOCTORADOS

##### (2005 - 2005)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / University of Wisconsin - Madison, Estados Unidos  
Palabras Clave: métodos Bayesianos MCMC modelo filogenético  
Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica Computacional  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

(2004 - 2004)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Stazione Zoológica de Napoli , Italia  
Palabras Clave: contenido G+C

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica Computacional

## Idiomas

### Inglés

Entiende bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe bien

### Francés

Entiende bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe bien

### Portugués

Entiende bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe regular

### Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

## Áreas de actuación

### CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Otros Tópicos Biológicos /Bioinformática

### CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Otros Tópicos Biológicos /Genómica Computacional

### CIENCIAS AGRÍCOLAS

Producción Animal y Lechería /Cría Animal /Genética Cuantitativa

## Actuación profesional

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo

### VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (01/2006 - a la fecha)

Responsable de la Unidad de Bioinformática / Dedicación total

### ACTIVIDADES

#### LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

**Análisis transcripcional en Leptospiras formadoras de biofilms (06/2012 - a la fecha)**

La leptospirosis es una infección causada por diferentes especies del género *Leptospira*. Es una enfermedad endémica que afecta a humanos y animales de producción. Recientemente, se describió la capacidad formadora de biofilms en diferentes cepas de *Leptospira*. Esta capacidad es un reconocido factor de virulencia en muchas especies bacterianas, de las cuales se conocen casi en su mayoría los mecanismos genéticos involucrados en el desarrollo de este fenotipo. Sin embargo,

en *Leptospira* la identidad y función de los genes involucrados en la formación de biofilms es prácticamente desconocida. Haciendo uso de herramientas de genómica comparativa y de la gran cantidad de información genómica que recientemente ha sido generada para diversas cepas de *Leptospira*, determinaremos el conjunto de genes asociados a la formación de biofilms. Además, mediante secuenciación masiva del transcriptoma, determinaremos el perfil de expresión de genes en diferentes etapas de formación de biofilms. Esta aproximación brindará información acerca de la funcionalidad de los genes responsables de la generación de este fenotipo y permitirá encontrar nuevos genes involucrados. Finalmente, la información obtenida será utilizada para reconstruir las vías metabólicas más importantes relacionadas a la formación de biofilms en *Leptospira* y compararla con otras especies bacterianas, lo que proporcionará información acerca de la evolución de los determinantes genéticos de este factor de virulencia. Los resultados de este Proyecto tendrán gran impacto en el conocimiento de las bases genéticas de la leptospirosis, el cual en un futuro podrá ser utilizado para mejorar los métodos terapéuticos y planes de contingencia de la enfermedad.

20 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática, Coordinador o Responsable

Equipo: SPANGENBERG L, IRAOLA G, RISTOW P

Palabras clave: *Leptospira* Biofilms Transcriptómica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica funcional

## PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

### Generación de capacidad de anotación de genomas (01/2007 - a la fecha)

20 horas semanales

Unidad de Bioinformática

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Equipo:

### Strengthening technical and human capacities for genomic services exports (URUGENOMES) (11/2014 - a la fecha)

The general objective of the project is to develop local capacity in Uruguay for the analysis of human genomic sequences, both in research and support for genomic medicine and scientific development of new products and technologies. The project will have two main components: (i) the strengthening of human capacities, and; (ii) the sequencing and analysis of human genomes in Uruguay. Component I: Strengthening Human Capacities in Uruguay for genomic services exports. The goal of this component is the formation of a group of researchers, whose training will end in a specialization in human genomics, and whom will form the core group of a new multidisciplinary laboratory on human genome based at IP Montevideo in Uruguay. This group of highly qualified technologists will be composed by graduate students (preferably PhDs) and recent postdocs with extensive expertise in genomics, bioinformatics, human genetics, population, quantitative, biological anthropology, biostatistics or other disciplines related to human genomics. In a first stage, each member of the core group will have an individual training plan comprised by general courses to be taken in Uruguay, so as to allow a leveling base that will ensure the success of a second stage, in which the researchers will participate in a set of specific tailored-made courses on the latest advances in human genomics and personalized medicine in South Korea. It is expected that this core group will in turn train at least 50 other students and technologists from Uruguay in the areas of bioinformatics, genomics and personalized medicine, as well as 15 researchers from the Latin American region. Component II: Sequencing of Human Genomes for genomic services exports. The goal of this component is to produce scientific and technical advancements in the sequencing and analysis of 80 human genomes, which will generate genome information able to unveil ancestral origins of both Amerindian and African ancestry in Uruguay, as well as to generate a series of scientific results in personalized medicine and lung cancer genomics and treatment that will be groundbreaking for the development of the field in the country. This component will be divided in 3 different stages; 1) Ancestry Sequencing Program (8 months): In this first stage, there will be a characterization at the genomic level of key individuals with (admixed) Amerindian and African ancestry in Uruguay. In this stage, a number of 20 genomes will be sequenced and the bioinformatics analysis will be performed at the IP Montevideo; 2) General Uruguayan Population Sequencing (12 months). During this second stage, the pilot-sequencing program will be extended to 30 more genomes using the validated protocols from the first stage, but now with the aim of covering the genomic variability of the whole country; 3) Genome Sequencing Medical Interest (12 months): In this third and final stage, a comprehensive program for medical genomics will be established, starting with the sequencing of 30 additional genomes, targeting cases with medical interest and high impact in Uruguay. These genomes will be solved with a much higher coverage in

order to include low frequency variants  
10 horas semanales  
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática  
Investigación  
Coordinador o Responsable  
En Marcha  
Equipo: SPANGENBERG L , ROBELLO C , FARIELLO MI  
Palabras clave: Genoma Humano Antropología genética Genómica médica  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica evolutiva  
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genómica médica

**Análisis transcripcional en Leptospiras formadoras de biofilms (02/2013 - 02/2015 )**

15 horas semanales  
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática  
Investigación  
En Marcha  
Alumnos encargados en el proyecto:  
Pregrado:2  
Maestría/Magister:1  
Equipo: SPANGENBERG L , IRAOLA G , RISTOW P  
Palabras clave: Leptospira Biofilms Transcriptómica  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología

**High-Content High-Throughput Flow cytometry: Development of a multi-application technical platform (01/2008 - 01/2010 )**

5 horas semanales  
Unidad de Bioinformática  
Desarrollo  
Coordinador o Responsable  
Concluido  
Financiación:  
Institución del exterior, Apoyo financiero  
Equipo: GARCÍA JM (Responsable) , VIDALAIN PO (Responsable) , SALL A (Responsable)

**Desarrollo de capacidades bioinformáticas en el área de anotación genómica (01/2007 - 01/2009 )**

5 horas semanales  
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática  
Investigación  
En Marcha  
Equipo: ALVAREZ-VALIN F (Responsable) , CAPDEVIELLE F  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Anotación Genómica

**Data Quality Management for Model Improvement in GWAS (01/2008 - 01/2009 )**

10 horas semanales  
Unidad de Bioinformática  
Investigación  
Coordinador o Responsable  
Concluido  
Alumnos encargados en el proyecto:  
Maestría/Magister:1  
Financiación:  
Institución del exterior, Apoyo financiero  
Equipo: RUGGIA R (Responsable)  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Integración de información heterogénea

**Merging, InduCing and Reasoning with Ontologies in BIOinformatics The MICROBIO Project (01/2007 - 01/2009 )**

20 horas semanales  
Unidad de Bioinformática  
Desarrollo  
Integrante del Equipo  
Concluido  
Equipo:

**Dominancia de un único genotipo de especies apomícticas: deriva genética o genotipos generalistas en Paspalum dilatatum (01/2007 - 07/2008 )**

4 horas semanales  
Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Bioinformática  
Desarrollo  
En Marcha  
Alumnos encargados en el proyecto:  
Pregrado:1  
Equipo: SPERANZA P (Responsable)

**Análisis de herramientas informáticas disponibles para la implementación de un LIMS en el IP - Montevideo (10/2005 - 11/2005 )**

Estudio de diferentes alternativas para la implementación de un sistema de manejo de la información de laboratorio en el Institut Pasteur de Montevideo  
Institut Pasteur de Montevideo  
Desarrollo  
Concluido  
Equipo:

**DOCENCIA**

**PEDECIBA - Maestría en Bioinformática (06/2012 - 09/2012 )**

Maestría  
Responsable  
Asignaturas:  
Bioinformática I (Algorítmica en Bioinformática), 6 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**PEDECIBA - Maestría en Bioinformática (06/2011 - 09/2011 )**

Maestría  
Responsable  
Asignaturas:  
Bioinformática I (Algorítmica en Bioinformática), 6 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**CP - FAgro (03/2011 - 05/2011 )**

Maestría  
Organizador/Coordinador  
Asignaturas:  
Introducción a la Genética Cuantitativa, 6 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Cuantitativa

**PEDECIBA - Maestría en Bioinformática (10/2010 - 12/2010 )**

Maestría  
Responsable  
Asignaturas:  
Taller de Bioinformática, 5 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Maestría por PEDECIBA (06/2010 - 09/2010)**

Maestría

Responsable

Asignaturas:

Bioinformática I (Algorítmica en Bioinformática), 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**CP - FAgro (03/2010 - 05/2010)**

Maestría

Responsable

Asignaturas:

Introducción a los Modelos Lineales en Genética Cuantitativa, 4 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

**PEDECIBA (10/2009 - 12/2009)**

Maestría

Responsable

Asignaturas:

Taller de Bioinformática, 5 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Bioinformática

**CP - FAgro (08/2009 - 10/2009)**

Maestría

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Bases de la Genética Cuantitativa, 4 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

**Maestría en Ciencias Biológicas (PEDECIBA) (09/2008 - 11/2008)**

Maestría

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Introducción a la Genómica Computacional, 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Bioinformática

**EMBO (06/2008 - 07/2008)**

Doctorado

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Advanced Course on Bioinformatics and Comparative Genome Analysis, 10 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**INTA (05/2008 - 06/2008)**

Doctorado

Responsable

Asignaturas:

Alineamiento de secuencias, 50 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**INTA (05/2008 - 05/2008 )**

Doctorado  
Responsable  
Asignaturas:  
Alineamiento de secuencias, 60 horas, Teórico-Práctico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**PEDECIBA (08/2007 - 11/2007 )**

Maestría  
Organizador/Coordinador  
Asignaturas:  
Introducción a la Genómica Computacional, 6 horas, Teórico-Práctico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

**Maestría en Ciencias Biológicas (PEDECIBA) (06/2007 - 07/2007 )**

Maestría  
Responsable  
Asignaturas:  
Introducción a la programación de aplicaciones bioinformáticas en bash, 6 horas, Teórico-Práctico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**CP - FAgro (05/2007 - 06/2007 )**

Maestría  
Responsable  
Asignaturas:  
Linear Models in Quantitative Genetics, 8 horas, Teórico-Práctico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Cuantitativa  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

**INTA (04/2007 - 04/2007 )**

Doctorado  
Asignaturas:  
Herramientas bioinformáticas para genómica comparativa de procariotas, 60 horas, Teórico-Práctico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

**INTA (04/2007 - 04/2007 )**

Doctorado  
Responsable  
Asignaturas:  
Herramientas bioinformáticas para genómica comparativa de procariotas, 60 horas, Teórico-Práctico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

(06/2006 - 06/2006 )

Doctorado

Asignaturas:

The first joint Pasteur/Wellcome Trust course on genomics in South America, horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

#### **OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE**

**Escuela Latinoamericana de Genética Humana (Caxias do Sul - Brasil) (04/2011 - 04/2011 )**

60 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

**Third Meeting STIC-AMSUD, Taller de Bioinformática y Sistemas de Información Biológica (11/2007 - 11/2007 )**

30 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

#### **SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PRIVADO - UNIVERSIDAD ORT URUGUAY - URUGUAY**

Universidad ORT Uruguay - Facultad de Ingeniería

#### **VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**

**Funcionario/Empleado (03/2012 - a la fecha)**

Profesor titular ,4 horas semanales

#### **ACTIVIDADES**

##### **DOCENCIA**

**Licenciatura en Biotecnología (03/2012 - a la fecha)**

Grado

Asignaturas:

Bioinformática I, 4 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Licenciatura en Biotecnología (07/2012 - 08/2012 )**

Grado

Asignaturas:

Bioinformática II, 4 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

#### **SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY**

Facultad de Agronomía - UDeLaR

#### **VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**



**Funcionario/Empleado (11/2011 - a la fecha)**

Profesor Agregado ,5 horas semanales  
Escalafón: Docente  
Grado: Grado 4  
Cargo: Efectivo

**Funcionario/Empleado (11/2001 - 12/2006)**

Asistente. Grupo Mejoramiento Genético Animal ,40 horas semanales

**ACTIVIDADES****LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN****Genómica Cuantitativa (11/2011 - a la fecha )**

La línea de trabajo que comenzamos a desarrollar pretende incorporar el uso de información genómica en la selección de animales domésticos. Para ello se trabaja en las metodologías que permiten el uso de la información obtenida a través de las tecnologías de marcadores densos (SNPs) o de secuenciación masiva. Al mismo tiempo se desarrolla la formación de un grupo especializado en bioinformática de animales domésticos.

5 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo:

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genómica funcional

**PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO****Disminución de fibras pigmentadas en Corriedale por vías genéticas (03/2005 - 03/2008 )**

2 horas semanales

PDT

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Equipo: KREMER R (Responsable) , URIOSTE JI (Responsable)

**Fibras coloreadas en Corriedale (03/2002 - 03/2004 )**

5 horas semanales

Facultad de Agronomía - Facultad de Veterinaria. CSIC

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: KREMER R (Responsable) , URIOSTE JI (Responsable)

**Evaluación genética de reproductores ABERDEEN ANGUS (03/2002 - 03/2004 )**

ARU - SCAAU - Fac. Agronomía - INIA

Desarrollo

En Marcha

Equipo: URIOSTE JI (Responsable)

**Mejoras al modelo de evaluación de leche en la raza Holando en Uruguay, corrección por heterogeneidad de varianzas (01/2002 - 12/2002 )**

10 horas semanales

ARU - SCHU - Fac. Agronomía - INML - INIA

Desarrollo

Integrante del Equipo  
Concluido  
Equipo: URIOSTE JI (Responsable)

## **DOCENCIA**

### **Maestría en Ciencia Animal (03/2012 - 05/2012 )**

Maestría  
Organizador/Coordinador  
Asignaturas:  
Introducción a los Modelos Lineales en Genética Cuantitativa, 6 horas, Teórico-Práctico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Modelos lineales

### **(03/2001 - 12/2005 )**

Grado

Asignaturas:  
Zootecnia, horas  
Mejoramiento Genético en Bovinos de Carne. EEMAC, horas  
Bovinos de Carne. EEMAC, horas

## **CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS**

### **Facultad de Agronomía, Departamento de Producción Animal y Pasturas (01/2003 - 03/2004)**

Descripción de diferentes tipos de pigmentación en la zona del vellón y no vellón en una majada experimental Corriedale

## **GESTIÓN ACADÉMICA**

### **Miembro (03/2004 - a la fecha )**

Colegio de Posgrados

### **SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY**

## **VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**

### **Colaborador (10/2013 - a la fecha)**

Área Biología, Docente Grado 4 ,60 horas semanales

## **ACTIVIDADES**

## **DOCENCIA**

### **(06/2007 - 07/2007 )**

Doctorado

Asignaturas:  
Introducción a la programación de aplicaciones bioinformáticas en bash, 8 horas, Teórico-Práctico

### **(08/2006 - 11/2006 )**

Doctorado

Asignaturas:  
Introducción a la Genómica Computacional, 4 horas, Teórico-Práctico

### **(03/2000 - 12/2005 )**

Maestría

Asignaturas:

Genómica e introducción a las herramientas de bioinformática, horas  
Genética molecular, aspectos básicos y aplicados, horas

## **GESTIÓN ACADÉMICA**

### **Consejo Científico del Área Biología (Suplente) (04/2009 - a la fecha )**

PEDECIBA  
Participación en consejos y comisiones

### **Coordinador (02/2010 - a la fecha )**

Maestría en Bioinformática  
Gestión de la Enseñanza  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

### **Coordinador alterno (03/2009 - 02/2010 )**

Maestría en Bioinformática  
Gestión de la Enseñanza  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

## **SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/ENSEÑANZA SUPERIOR - BRASIL**

Universidade Federal da Bahia

### **VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**

#### **Profesor visitante (06/2012 - a la fecha)**

Profesor Visitante Especial ,5 horas semanales

## **ACTIVIDADES**

### **LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN**

#### **Formación de biofilms en Leptospiras (03/2012 - a la fecha)**

La leptospirosis es una infección causada por diferentes especies del género *Leptospira*. Es una enfermedad endémica que afecta a humanos y animales de producción. Recientemente, se describió la capacidad formadora de biofilms en diferentes cepas de *Leptospira*. Esta capacidad es un reconocido factor de virulencia en muchas especies bacterianas, de las cuales se conocen casi en su mayoría los mecanismos genéticos involucrados en el desarrollo de este fenotipo. Sin embargo, en *Leptospira* la identidad y función de los genes involucrados en la formación de biofilms es prácticamente desconocida. Haciendo uso de herramientas de genómica comparativa y de la gran cantidad de información genómica que recientemente ha sido generada para diversas cepas de *Leptospira*, procuramos determinar el conjunto de genes asociados a la formación de biofilms. El conocimiento de los genes que son diferencialmente expresados durante la formación de biofilms en leptospiras tendrá implicaciones importantes en el conocimiento de los mecanismos que confieren el fenotipo patogénico, además de aportar información básica acerca de las bases moleculares implicadas en la formación de biofilms bacterianos. También puede tener derivaciones en el desarrollo de biotecnologías, a través del desarrollo de nuevas estrategias de inmunoprotección y biofarmacológicas.

20 horas semanales

UFBA-Salvador, Instituto de Biología , Integrante del equipo

Equipo: SPANGENBERG L , IRAOLA G , RISTOW P

Palabras clave: *Leptospira* Biofilms

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología

## **DOCENCIA**

### **Programa de pós-graduação em genética e biodiversidade (10/2014 - 11/2014 )**

Doctorado  
Responsable  
Asignaturas:  
Curso Teórico-Práctico em Genômica e Evolução, 40 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Programa de posgraduação em genética e biodiversidade (10/2013 - 11/2013 )**

Doctorado  
Responsable  
Asignaturas:  
BIOINFORMÁTICA PARA ANÁLISE DE GENOMAS DE PROCARIOTOS, 51 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Programa de posgraduação em genética e biodiversidade (06/2013 - 06/2013 )**

Perfeccionamiento  
Responsable  
Asignaturas:  
INTRODUÇÃO À BIOINFORMÁTICA PARA ANÁLISE DE GENOMAS DE PROCARIOTOS, 20 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Programa de posgraduação em genética e biodiversidade (11/2012 - 11/2012 )**

Especialización  
Responsable  
Asignaturas:  
Ferramentas bioinformáticas para análises de expressão gênica, 40 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY**

Facultad de Ciencias - UDeLaR

**VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**

**Colaborador (05/2000 - 07/2000)**

Asist. Lab Org. y Evolución del Genoma ,20 horas semanales  
Escalafón: Docente  
Grado: Grado 1  
Cargo: Interino

**ACTIVIDADES**

**PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO**

**Dinámica evolutiva de la maquinaria traduccional de nuevos aminoácidos (06/2006 - 06/2008 )**

2 horas semanales  
PDT  
Investigación  
Integrante del Equipo  
En Marcha  
Equipo: ROMERO H (Responsable) , GRAÑA M

**Estudio sobre la relación entre el contenido en GC genómico y la respiración aerobia y anaerobia en organismos**

## **procariotas y eucariotas (01/2001 - 12/2001 )**

Laboratorio de Organización y Evolución del Genoma. DINACYT

Investigación

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: MUSTO H (Responsable) , ROMERO H

## **DOCENCIA**

**(03/2000 - 12/2003 )**

Grado

Asignaturas:

Biología Molecular, horas

## **PASANTÍAS**

**(08/2002 - 09/2002 )**

Univ. Pierre et Marie Curie, Paris VI, Atelier Bio Informatique

40 horas semanales

## **CARGA HORARIA**

Carga horaria de docencia: 4 horas

Carga horaria de investigación: 30 horas

Carga horaria de formación RRHH: 20 horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: 6 horas

## **Producción científica/tecnológica**

Nuestra área de trabajo se centra en el análisis de datos biológicos. Las nuevas tecnologías en el área de biología molecular han llevado a enormes desafíos en el manejo de la información, producto del volumen de la misma y su heterogeneidad. En este contexto, los métodos de análisis y de integración de la información constituyen un área muy activa de la biología computacional. En particular, resulta de nuestro interés la información generada mediante chips de SNPs de alta densidad, los métodos de análisis de estos datos, el tratamiento de los datos faltantes, el registro de metadatos y posibilidades de integración de diferentes estudios a través de propiedades de calidad definidas sobre los mismos. Otras áreas de trabajo incluyen análisis de datos en Citometría de Flujo de Alto Rendimiento, y genómica funcional, particularmente algoritmos de predicción de genes blanco para microRNAs.

Una línea de trabajo relativamente marginal, involucra la genómica evolutiva. Parte importante de nuestro trabajo anterior consistió en la búsqueda de posible factores eco-fisiológicos que afectan el contenido G+C de los organismos procariotas. En este sentido, mostramos la asociación existente entre aerobiosis y alto contenido G+C y aportamos tres posibles hipótesis seleccionistas que los podrían estar explicando. Contribuimos además con algunos manuscritos al debate alrededor de la importancia de la temperatura óptima de crecimiento en el contenido G+C de los procariotas, tanto a nivel general como de algún grupo específico. En este contexto, en lo metodológico, aportamos el modelo mixto filogenético bayesiano como forma de estimar correlaciones filogenéticas entre caracteres, además de la estimación de la incidencia de otros factores evolutivos. Otros aportes en esta línea de trabajo incluyen análisis composicionales de genomas particulares, la descripción de posibles artefactos metodológicos y dos métodos para predecir el contenido G+C genómico en procariotas a partir de una muestra de genes.

Otros trabajos comprenden el análisis de información y estimación de parámetros genéticos en el área de mejoramiento genético animal. En particular, recientemente describimos y comparamos el uso de modelos Poisson y Poisson con Exceso de Ceros (ZIP) en el modelado del número de lunares en ovinos como variable Proxy del número de fibras pigmentadas por animal. A pesar de la dificultad en el tratamiento genético/estadístico del número de lunares su medición es mucho más sencilla y barata que la medición del número de fibras por lo que podría integrarse fácilmente en programas de mejora.

En la actualidad, como responsable de la Unidad de Bioinformática del Institut Pasteur de Montevideo, nuestras responsabilidades incluyen brindar servicios en bioinformática a la comunidad científica y especialmente el análisis de datos de las plataformas de microarrays y secuenciación masiva.

Recientemente comenzamos a ejecutar (como responsable del mismo) el proyecto Genoma Humano Uruguay (URUGENOMES), el que tiene como objetivos el desarrollo de capacidades nacionales en el área de genómica humana, tanto a nivel de antropología biológica como en el área de genómica médica. Al mismo tiempo, intensificamos nuestro trabajo en genómica de patógenos bacterianos, desarrollando métodos de predicción y evolución de la patogenicidad.

## Producción bibliográfica

### ARTÍCULOS PUBLICADOS

#### ARBITRADOS

##### **Whole genome sequencing of the monomorphic pathogen *Mycobacterium bovis* reveals local differentiation of cattle clinical isolates (Completo, 2018)**

NAYA H, Laserre M, Fresia P, GREIF, G., IRAOLA G., Castro-Ramos M, Juanbeltz A, Alvaro NÚÑEZ FERNANDEZ, ROBELLO, C., BERNA, L.

BMC Genomics, v.: 19 1, 2018

Palabras clave: Bovine tuberculosis Comparative genomics Phylogenetics Genetically monomorphic bacteria

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Microbiología

ISSN: 14712164

DOI: [10.1186/s12864-017-4249-6](https://doi.org/10.1186/s12864-017-4249-6)

[https://www.scopus.com/inward/record.url?eid=2-s2.0-](https://www.scopus.com/inward/record.url?eid=2-s2.0-85039847133&partnerID=40&md5=bc9b6efdd4e3373dc82)

[85039847133&partnerID=40&md5=bc9b6efdd4e3373dc82](https://www.scopus.com/inward/record.url?eid=2-s2.0-85039847133&partnerID=40&md5=bc9b6efdd4e3373dc82)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

##### **Gene expression analysis of human adipose tissue-derived stem cells during the initial steps of in vitro osteogenesis (Completo, 2018)**

Waloski-Robert A, Batti Angulski AB, LUCIA SPANGENBERG, Shigunov P, Tiemy Pereira J, Loiacono Bettés PS, NAYA H, Correa A, DALLAGIOVANNA, B., Stimamiglio MA

Scientific Reports, v.: 8 1, 2018

Palabras clave: adipose tissue-derived stem cells in vitro osteogenesis

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología del Desarrollo / Genética de la diferenciación

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20452322

DOI: [10.1038/s41598-018-22991-6](https://doi.org/10.1038/s41598-018-22991-6)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

##### **On the interplay among ambient temperature, basal metabolic rate and body mass (Completo, 2018)**

NAYA, D.E., NAYA H, White CR

American Naturalist, 2018

Palabras clave: basal metabolic rate body mass

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ecofisiología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00030147

DOI: <https://doi.org/10.1086/698372>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

##### **Prediction of Complex Traits: Robust Alternatives to Best Linear Unbiased Prediction (Completo, 2018)**

NAYA H, Gianola D, Cecchinato A, Schön CC

Frontiers in Genetics, 2018

Palabras clave: Best Linear Prediction Robust Linear Models

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Estadística

Medio de divulgación: Internet

Escrito por invitación

ISSN: 16648021

DOI: <https://doi.org/10.3389/fgene.2018.00195>

Scopus®

**Climate change and body size trends in aquatic and terrestrial endotherms: does habitat matter? (Completo, 2017)**

NAYA H

PLoS ONE, v.: 12 8 , 2017

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología / Ecofisiología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 19326203

DOI: [10.1371/journal.pone.0183051](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0183051)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Distinct *Campylobacter fetus* lineages adapted as livestock pathogens and human pathobionts in the intestinal microbiota (Completo, 2017)**

Iraola G , Forster SC , Kumar N , Lehours P , Bekal S , García-Peña FJ , Paolicchi F , Morsella C , Hotzel H , Hsueh PR , Vidal A , Lévesque S , Yamazaki W , Balzan C , Vargas A , Piccirillo A , Chaban B , Hill JE , BETANCOR L , Collado L , Truysers I , Midwinter AC , Dagi HT , Mégraud F , CALLEROS L , Pérez R , NAYA H , Lawley TD

Nature Communications, 2017

Palabras clave: *Campylobacter*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Microbiología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Microbiología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20411723

DOI: [10.1038/s41467-017-01449-9](https://doi.org/10.1038/s41467-017-01449-9)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Modelling female fertility traits in beef cattle using linear and non-linear models (Completo, 2017)**

NAYA H , PEÑAGARICANO F , URIOSTE JI

Journal of Animal Breeding and Genetics (E), 2017

Palabras clave: beef cattle fertility non-linear models

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Internet

Escrito por invitación

ISSN: 14390388

**Understanding evolutionary variation in basal metabolic rate: An analysis in subterranean rodents (Completo, 2017)**

LUNA F , NAYA H , NAYA DE

Comparative Biochemistry and Physiology A-Molecular and Integrative Physiology, v.: 206 p.:87 - 94, 2017

Palabras clave: basal metabolic rate subterranean rodents

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ecofisiología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 10956433

DOI: [10.1016/j.cbpa.2017.02.002](https://doi.org/10.1016/j.cbpa.2017.02.002)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**lncRNAs are associated with polysomes during adipose-derived stem cell differentiation (Completo, 2017)**

DALLAGIOVANNA B , PEREIRA IT , ORIGA-ALVES AC , SHIGUNOV P , NAYA H , SPANGENBERG L

Gene, v.: 610 p.:103 - 111, 2017

Palabras clave: polysomes long non-coding RNA adipose-derived

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781119

DOI: [10.1016/j.gene.2017.02.004](https://doi.org/10.1016/j.gene.2017.02.004)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Brain size and thermoregulation during the evolution of the genus Homo (Completo, 2016)**

NAYA DE , NAYA H , LESSA EP

Comparative Biochemistry and Physiology A-Molecular and Integrative Physiology, 2016

Palabras clave: brain size thermoregulation Homo sapiens

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 10956433

DOI: [10.1016/j.cbpa.2015.09.017](https://doi.org/10.1016/j.cbpa.2015.09.017)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Transcriptome sequencing reveals wide expression reprogramming of basal and unknown genes in *Leptospira biflexa* biofilms (Completo, 2016)**

IRAOLA G , SPANGENBERG L , LOPES-BASTOS B , GRAÑA M , VASCONCELOS L , ALMEIDA A , GREIF G , ROBELLO C , RISTOW P , NAYA H

mSphere, 2016

Palabras clave: *Leptospira biflexa* Transcriptomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Microbiología genómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 23795042

DOI: [10.1128/mSphere.00042-16](https://doi.org/10.1128/mSphere.00042-16)

**3697G>A in MT-ND1 is a causative mutation in mitochondrial diseases (Completo, 2016)**

SPANGENBERG L , GRAÑA M , GREIF G , SUAREZ-RIVERO JM , KRYSZTAL K , TAPIÉ A , BOIDI M , FRAGA V , LEMES A , GUEÇAIMBURÚ R , CERISOLA A , SÁNCHEZ-ALCÁZAR JA , ROBELLO C , RAGGIO V , NAYA H

Mitochondrion, 28 , p.:54 - 59, 2016

Palabras clave: mitochondrial genome MT-ND1 3697G>A

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genómica médica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 15677249

DOI: [10.1016/j.mito.2016.03.006](https://doi.org/10.1016/j.mito.2016.03.006)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

***Campylobacter geochelonis* sp. nov. isolated from the western Hermann's tortoise (*Testudo hermanni hermanni*) (Completo, 2016)**

PICCIRILLO A , NIERO G , CALLEROS L , PEREZ R , NAYA H , IRAOLA G

International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (E), 2016

Palabras clave: *Campylobacter geochelonis* systematic microbiology

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Microbiología genómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 14665034

DOI: [10.1099/ijssem.0.001219](https://doi.org/10.1099/ijssem.0.001219)

**Do Molecular Markers Inform About Pleiotropy? (Completo, 2015)**

DE LOS CAMPOS G , GIANOLA D , TORO MA , NAYA H , SCHÖN CC , SORENSEN D

Genetics, 2015

Palabras clave: GWAS Pleiotropy Molecular Markers

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Estadística

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00166731

DOI: [pii:genetics.115.179978](https://doi.org/pii:genetics.115.179978)



Scopus

**Profiling of small RNA cargo of extracellular vesicles shed by *Trypanosoma cruzi* reveals a specific extracellular signature (Completo, 2015)**

FERNANDEZ-CALERO T, GARCÍA-SILVA MR, PENA A, ROBELLO C, PERSSON H, ROVIRA C, NAYA H, CAYOTA A

Molecular and Biochemical Parasitology, 2015

Palabras clave: *Trypanosoma cruzi* small RNAs extracellular vesicles

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01666851

DOI: [10.1016/j.molbiopara.2015.03.003](https://doi.org/10.1016/j.molbiopara.2015.03.003)

Scopus WEB OF SCIENCE™

**Whole-Genome Sequences of *Mycobacterium bovis* Strain MbURU-001, Isolated from Fresh Bovine Infected Samples (Completo, 2015)**

LASERRE M, BERNÁ L, GREIF G, DÍAZ-VIRAQUÉ F, IRAOLA G, NAYA H, CASTRO-RAMOS M, JUANBELTZ A, ROBELLO C

Genome Announcements, 2015

Palabras clave: *Mycobacterium tuberculosis*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología genómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

DOI: [10.1128/genomeA.01237-15](https://doi.org/10.1128/genomeA.01237-15)

**First complete mitochondrial genome of the South American annual fish *Austrolebias charrua* (Cyprinodontiformes: Rivulidae): peculiar features among cyprinodontiforms mitogenomes (Completo, 2015)**

GUTIERREZ V, REGO N, NAYA H, GARCÍA G

BMC Genomics, 2015

Palabras clave: mitochondrial genome *Austrolebias charrua* Cyprinodontiformes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 14712164

DOI: [10.1186/s12864-015-2090-3](https://doi.org/10.1186/s12864-015-2090-3)

Scopus WEB OF SCIENCE™

**Genetic parameters of objectionable fibers and of their associations with fleece traits in Corriedale sheep (Completo, 2015)**

SANCHEZ AL, URIOSTE JI, PEÑAGARICANO F, NEIMAUR K, SIENRA I, NAYA H, KREMER R

Journal of Animal Science, 2015

Palabras clave: fibras pigmentadas Corriedale sheeps

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Zootecnia

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00218812

DOI: [10.2527/jas.2015-9619](https://doi.org/10.2527/jas.2015-9619)

Scopus

**Incidence and relationships of black skin spots in the fleece area and pigmentation traits in commercial Corriedale flocks (Completo, 2014)**

NAYA H, URIOSTE JI, PEÑAGARICANO F, LÓPEZ-CORREA R, KREMER R

Small Ruminant Research, v.: 120 1, p.:64 - 70, 2014

Palabras clave: Sheep pigmentation spots wool

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Zootecnia

ISSN: 09214488

DOI: [10.1016/j.smallrumres.2014.05.002](https://doi.org/10.1016/j.smallrumres.2014.05.002)

[http://www.smallruminantresearch.com/article/S0921-4488\(14\)00141-2/abstract](http://www.smallruminantresearch.com/article/S0921-4488(14)00141-2/abstract)

Scopus WEB OF SCIENCE™

**Mining of public sequencing datasets supports a non-dietary origin for putative foreign miRNAs: underestimated effects of contamination in NGS (Completo, 2014)**

TOSAR ROVIRA JP , ROVIRA C , NAYA H , CAYOTA A

RNA (New York, N.Y.), 2014

Palabras clave: microRNAs

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica funcional

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 13558382

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Complete genome sequence of Mycobacterium tuberculosis strain MtURU-001, isolated from a rapidly progressing outbreak in Uruguay (Completo, 2014)**

GREIF G , IRAOLA G , BERNÁ L , COITINHO C , RIVAS CM , NAYA H , ROBELLO C

Genome Announcements, v.: 2 1, 2014

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis complete genome

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica evolutiva

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología

ISSN: 21698287

<http://genomea.asm.org/content/2/1/e01220-13.full>

**Liver functional genomics in beef cows on grazing systems: novel genes and pathways revealed (Completo, 2014)**

LAPORTA J , ROSA GJM , NAYA H , CARRIQUIRY M

Physiological Genomics, v.: 46 4 , p.:138 - 147, 2014

Palabras clave: Microarrays liver functional genomics cows

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Nutrición

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 10948341

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Extracellular vesicles shed by Trypanosoma cruzi are linked to small RNA pathways, life cycle regulation, and susceptibility to infection of mammalian cells (Completo, 2014)**

GARCÍA-SILVA MR , DAS NEVES RF , CABRERA-CABRERA F , SANGUINETTI J , MEDEIROS LC , ROBELLO C , NAYA H , FERNANDEZ-CALERO T , SOUTO-PADRON T , DE SOUZA W , CAYOTA A

Parasitology Research, v.: 113 1 , p.:285 - 304, 2014

Palabras clave: Trypanosoma cruzi small RNAs

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 09320113

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Activation of the PI3K/AKT pathway by microRNA-22 results in CLL B-cell proliferation (Completo, 2014)**

PALACIOS F , ABREU C , PRIETO D , MORANDE P , RUIZ S , FERNANDEZ-CALERO T , NAYA H , LIBISCH G , ROBELLO C , LANDONI AI , GABUS R , DIGHIRO G , OPPEZZO P

Leukemia, 2014

Palabras clave: microRNAs CLL Leukemia PI3K/AKT pathway

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Ecofisiología

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 08876924

DOI: [10.1038/leu.2014.158](https://doi.org/10.1038/leu.2014.158)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Polysome profiling shows the identity of human adipose-derived stromal/stem cells in detail and clearly distinguishes them from dermal fibroblasts (Completo, 2014)**

ZYCH J , SPANGENBERG L , STIMAMIGLIO M , ABUD AP , SHIGUNOV P , MARCHINI FK ,

KULIGOVSKY C , COFRÉ AR , SCHITTINI AV , AGUIAR AM , SENEGAGLIA A , BROFMAN PR , GOLDENBERG S , DALLAGIOVANNA B , NAYA H , CORREA A

Stem Cells and Development, v.: 23 22 , p.:2791 - 2802, 2014

Palabras clave: stem cells polysomes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica funcional

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 15473287

DOI: [10.1089/scd.2013.0496](https://doi.org/10.1089/scd.2013.0496)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Whole Genome Sequencing of an isoniazid resistant clinical isolate of Mycobacterium tuberculosis Strain MtURU-002 from Uruguay (Completo, 2014)**

BERNÁ L , IRAOLA G , GREIF G , COITINHO C , RIVAS CM , NAYA H , ROBELLO C

Genome Announcements, v.: 2 4 , 2014

Palabras clave: Mycobacterium tuberculosis isoniazid resistance

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Bioquímica y Biología Molecular / Microbiología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

evolutiva

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

DOI: [10.1128/genomeA.00655-14](https://doi.org/10.1128/genomeA.00655-14)

**Genomic evidences for the emergence and evolution of pathogenicity and niche preferences in the genus Campylobacter (Completo, 2014)**

IRAOLA G , PEREZ R , NAYA H , PAOLICCHI F , PASTOR E , VALENZUELA S , CALLEROS L ,

VELILLA A , HERNANDEZ M , MORSELLA C

Genome Biology and Evolution, 2014

Palabras clave: Campylobacter pathogenicity evolution

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 17596653

DOI: [10.1093/gbe/evu195](https://doi.org/10.1093/gbe/evu195)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Thermal tolerances in rodents: species that evolved in cold climates exhibit a wider thermoneutral zone (Completo, 2014)**

BOZINOVIC F , FERRI-Yáñez FRANCISCO , NAYA H , ARAÚJO MB , NAYA DE

Evolutionary Ecology Research, v.: 16 2014

Palabras clave: Thermal tolerance rodents

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 15220613

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Thermal conductance and basal metabolic rate are part of a coordinated system for heat transfer regulation (Completo, 2013)**

NAYA DE , SPANGENBERG L , NAYA H , BOZINOVIC F

Proceedings of the Royal Society of London. Series B: Biological Sciences, v.: 280 1767 , 2013

Palabras clave: Thermal conductance Metabolic rate

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 09628452

DOI: [10.1098/rspb.2013.1629](https://doi.org/10.1098/rspb.2013.1629)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Role of alternative polyadenylation during adipogenic differentiation: an in silico approach (Completo, 2013)**

SPANGENBERG L, CORREA A, DALLAGIOVANNA B, NAYA H  
PLoS ONE, v.: 8 10, 2013  
Palabras clave: microRNAs alternative polyadenylation  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Internet  
ISSN: 19326203  
<http://www.plosone.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.pone.0075578>  
**Scopus** WEB OF SCIENCE™

**Complete Genome Sequence of *Campylobacter fetus* subsp. *venerealis* Biovar *Intermedius*, Isolated from the Prepuce of a Bull (Completo, 2013)**

IRAOLA G, PEREZ R, NAYA H, PAOLICCHI F, HARRIS D, LAWLEY TD, REGO N, HERNANDEZ M, CALLEROS L, CARRETTO L, VELILLA A, MORSELLA C, MENDEZ A, GIOFFRE A  
Genome Announcements, v.: 1 4, 2013  
Palabras clave: complete genome *Campylobacter fetus*  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Internet  
ISSN: 21698287

**Polysome profiling shows extensive posttranscriptional regulation during human adipocyte stem cell differentiation into adipocytes (Completo, 2013)**

SPANGENBERG L, SHIGUNOV P, ABUD AP, COFRÉ AR, STIMAMIGLIO M, KULIGOVSKY C, ZYCH J, SCHITTINI AV, COSTA AD, REBELATTO CK, BROFMAN PR, GOLDENBERG S, CORREA A, NAYA H, DALLAGIOVANNA B  
Stem Cell Research, v.: 11 2, p.:902 - 912, 2013  
Palabras clave: Polysome profiling posttranscriptional regulation stem cells  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica funcional  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 18735061  
**Scopus** WEB OF SCIENCE™

**Detecting Signatures of Selection Through Haplotype Differentiation Among Hierarchically Structured Populations (Completo, 2013)**

FARIELLO MI, BOITARD S, NAYA H, SAN CRISTOBAL M, SERVIN B  
Genetics, v.: 193 3, p.:929 - 941, 2013  
Palabras clave: selection signatures  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de poblaciones  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 00166731  
**Scopus**

**Genotype x Production Environment Interaction for Weaning Weight in Angus Populations of Brazil and Uruguay (Completo, 2013)**

ESPASANDÍN AC, URIOSTE JI, NAYA H, ALENCAR MM  
Livestock Science, v.: 151 2, p.:264 - 270, 2013  
Palabras clave: Genotype x Environment interaction  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 18711413  
**Scopus** WEB OF SCIENCE™

**Search for an aetiological virus candidate in chronic lymphocytic leukaemia by extensive transcriptome analysis (Completo, 2012)**

REGO N, BIANCHI S, MORENO P, PERSSON H, KVIST A, PENAA, OPPEZZO P, NAYA H, ROVIRA C, DIGHIRO G, PRITSCH O  
British Journal of Haematology, v.: 157 6, p.:709 - 717, 2012

Palabras clave: Leukaemia Transcritomic  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genómica funcional  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 00071048  
DOI: [10.1111/j.1365-2141.2012.09116.x](https://doi.org/10.1111/j.1365-2141.2012.09116.x)  
Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Latitudinal patterns in rodent metabolic flexibility (Completo, 2012)**

NAYA DE , SPANGENBERG L , NAYA H , BOZINOVIC F  
American Naturalist, v.: 179 6 , - 179, 2012  
Palabras clave: Metabolic flexibility  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 00030147  
Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Translational selection on codon usage in the genus *Aspergillus* (Completo, 2012)**

IRIARTE A , SANGUINETTI M , FERNANDEZ-CALERO T , NAYA H , RAMÓN A , MUSTO H  
Gene, 2012  
Palabras clave: codon usage *Aspergillus*  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 03781119  
Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Reduced set of virulence genes allows high accuracy prediction of bacterial pathogenicity in humans (Completo, 2012)**

IRAOLA G , VAZQUEZ G , SPANGENBERG L , NAYA H  
PLoS ONE, 2012  
Palabras clave: Human pathogens Pathogenicity prediction  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Internet  
ISSN: 19326203  
Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Using high resolution melting analysis to identify variation of NPY, LEP and IGF-1 genes in Angus cattle (Completo, 2012)**

TRUJILLO AI , PEÑAGARICANO F , GRIGNOLA MP , NICOLINI P , CASAL A , ESPASANDÍN AC ,  
NAYA H , CARRIQUIRY M , CHILIBROSTE P  
Livestock Science, 2012  
Palabras clave: Angus cattle energy metabolism  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Ciencia Animal y Lechería / Zootecnia  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 18711413  
Scopus® WEB OF SCIENCE™

**A Direct Role of Bardet-Biedl Syndrome Proteins in Transcriptional Regulation (Completo, 2011)**

GASCUE C , TAN PL , CARDENAS-RODRIGUEZ M , LIBISCH G , FERNANDEZ-CALERO T , LIU YP ,  
ASTRADA S , ROBELLO C , NAYA H , KATSANIS N , BADANO JL  
Journal of Cell Science, 2011  
Palabras clave: Bardet-Biedl  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 00219533  
Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Identification of new microRNAs in paired normal and tumor breast tissue suggests a dual role for the ERBB2/Her2 gene (Completo, 2011)**

PERSSON H , KVIST A , REGO N , STAAF J , VALLON-CHRISTERSSON J , LUTS L , LOMAN N , JONSSON G , NAYA H , HOGLUND M , BORG A , ROVIRA C  
Cancer Research, v.: 71 1 , p.:78 - 76, 2011  
Palabras clave: microRNAs Breast Cancer  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 00085472  
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

**Comparative genomic analysis of dinucleotide repeats in Tritryps (Completo, 2011)**

DUHAGON MA , SMIRCICH P , FORTEZA D , NAYA H , WILLIAMS N , GARAT B  
Gene, 2011  
Palabras clave: TriTryps dinucleotide repeats  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 03781119  
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

**Identifying associations between amino acid changes and meta information in alignments (Completo, 2011)**

SPANGENBERG L , BATTKE F , GRAÑA M , NIESELT K , NAYA H  
Bioinformatics (Oxford, England), 2011  
Palabras clave: amino acid properties phylogenetic mixed model  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 13674803  
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

**Gene expression analysis identifies new candidate genes associated with the development of black skin spots in Corriedale sheep (Completo, 2011)**

PEÑAGARICANO F , ZORRILLA P , NAYA H , ROBELLO C , URIOSTE JI  
Journal of Applied Genetics, 2011  
Palabras clave: black spots gene expression Corriedale sheeps  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genómica funcional  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 12341983  
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

**Assessment of Poisson, Probit and linear models for genetic analysis of presence and number of black spots in Corriedale sheep (Completo, 2010)**

PEÑAGARICANO F , URIOSTE JI , NAYA H , DE LOS CAMPOS G , GIANOLA D  
Journal of Animal Breeding and Genetics-Zeitschrift Für Tierzuchtung Und Zuchtungsbiologie, 2010  
Palabras clave: Generalized linear model Black spots in Corriedale  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa  
ISSN: 09312668  
[Scopus](#) [WEB OF SCIENCE](#)

**Identification of relations between risk factors and their pathologies or health conditions by mining scientific literature (Completo, 2010)**

HAMON T , GRAÑA M , RAGGIO V , GRABAR N , NAYA H  
MEDINFO 2010 Proceedings of the 13th World Congress on Medical and Health Informatics, v.: 160 p.:964 - 968, 2010  
Palabras clave: Risk factors Natural language processing  
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

ISSN: 09269630

DOI: [10.3233/978-1-60750-588-4-964](https://doi.org/10.3233/978-1-60750-588-4-964)

Scopus

**L2-Boosting algorithm applied to high dimensional problems in genomic selection (Completo, 2010)**

GONZALEZ-RECIO O , WEIGEL K , GIANOLA D , NAYA H , ROSA GJM

Genetical Research, v.: 92 p.:227 - 237, 2010

Palabras clave: dense markers L2-boosting algorithm

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00166723

Scopus WEB OF SCIENCE™

**Immunoglobulin heavy chain V-D-J gene rearrangement and mutational status in Uruguayan patients with chronic lymphocytic leukemia (Completo, 2010)**

BIANCHI S , MORENO P , LANDONI AI , NAYA H , OPPEZZO P , DIGHIERO G , GABUS R , PRITSCH O

Leukemia and Lymphoma, v.: 51 11 , p.:2070 - 2078, 2010

Palabras clave: Chronic Lymphocytic Leukemia

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 10428194

Scopus WEB OF SCIENCE™

**High-throughput screening using pseudotyped lentiviral particles: a strategy for the identification of HIV-1 inhibitors in a cell-based assay (Completo, 2009)**

GARCÍA JM , GAO A , HE PL , CHOI J , TANG W , BRUZZONE R , SCHWARTZ O , NAYA H , NAN FJ , LI J , ALTMAYER R , ZUO JP

Antiviral Research, v.: 81 3 , p.:239 - 247, 2009

Palabras clave: HIV Pseudotyped lentiviral particles High-throughput screening HTS Cocktail library NNRTI

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / HIV

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01663542

[http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws\\_home/521852/description#description](http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws_home/521852/description#description)

Scopus WEB OF SCIENCE™

**Predicting Quantitative Traits with Regression Models for Dense Molecular Markers and Pedigrees (Completo, 2009)**

DE LOS CAMPOS G , NAYA H , GIANOLA D , CROSSA J , LEGARRA A , MANFREDI E , WEIGEL K , COTES JM

Genetics, v.: 182 p.:375 - 385, 2009

Palabras clave: dense markers

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Estadística

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00166731

DOI: [10.1534/genetics.109.101501](https://doi.org/10.1534/genetics.109.101501)

Scopus

**Oxygen and GC profiles in marine environments (Completo, 2009)**

ROMERO H , PEREIRA E , NAYA H , MUSTO H

Journal of Molecular Evolution, v.: 69 p.:203 - 206, 2009

Palabras clave: GC content aerobiosis Metagenomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Computacional

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00222844

DOI: [10.1007/s00239-009-9230-9](https://doi.org/10.1007/s00239-009-9230-9)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Predictive ability of direct genomic values for Lifetime Net Merit of Holstein sires using selected subsets of single nucleotide polymorphism markers (Completo, 2009)**

WEIGEL K, DE LOS CAMPOS G, GONZALEZ-RECIO O, NAYA H, WU XL, LONG N, ROSA GJM, GIANOLA D

Journal of Dairy Science, v.: 92 p.:5248 - 5257, 2009

Palabras clave: dense markers predictive ability

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00220302

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Composition profile of the human genome at the chromosome level (Completo, 2009)**

SABBIA V, ROMERO H, MUSTO H, NAYA H

Journal of Biomolecular Structure and Dynamics, v.: 27 p.:361 - 370, 2009

Palabras clave: GC content human genome compositional profile

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Computacional

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 07391102

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**A comparison between Poisson and Zero-inflated Poisson regression models with an application to number of black spots in Corriedale sheep (Completo, 2008)**

NAYA H, URIOSTE JI, CHANG YM, RODRIGUES-MOTTA M, KREMER R, GIANOLA D

Genetics Selection Evolution, v.: 40 p.:379 - 394, 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Cuantitativa

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 0999193X

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Toward a global database for the molecular typing of Saccharomyces cerevisiae strains (Completo, 2008)**

JUBANY S, TOMASCO I, PONCE DE LEÓN I, MEDINA K, CARRAU F, ARRAMBIDE N, NAYA H, GAGGERO C

Fems Yeast Research, v.: 8 p.:472 - 484, 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Biología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 15671356

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Small RNAs analysis in CLL reveals a deregulation of miRNA expression and novel miRNA candidates of putative relevance in CLL pathogenesis (Completo, 2008)**

MARTON S, GARCIA MR, ROBELLO C, PERSSON H, TRAJTENBERG F, PRITSCH O, ROVIRA C, NAYA H, DIGHIERO H, CAYOTA A

Leukemia, v.: 22 p.:330 - 338, 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Bioinformática

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Genómica Funcional del Cáncer

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 08876924

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Genetic variability in calving success in Aberdeen Angus cows under extensive recording (Completo, 2007)**



URIOSTE JI, CHANG YM, NAYA H, GIANOLA D

Animal, v.: 1 p.:1081 - 1088, 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 17517311

Scopus' WEB OF SCIENCE"

**Trends of amino acid usage in the proteins from the human genome (Completo, 2007)**

SABBIA V, PIOVANI R, RODRÍGUEZ-MASEDA H, NAYA H, ROMERO H, MUSTO H

Journal of Biomolecular Structure and Dynamics, v.: 25 p.:55 - 59, 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 07391102

Scopus' WEB OF SCIENCE"

**Genomic GC level, optimal growth temperature, and genome size in prokaryotes. (Completo, 2006)**

MUSTO H, NAYA H, ZAVALA A, ROMERO H, ALVAREZ-VALIN F, BERNARDI G

Biochemical and Biophysical Research Communications, v.: 347 1, p.:1 - 3, 2006

Palabras clave: prokaryotes genome evolution genome size GC level optimal growth temperature

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 0006291X

Scopus' WEB OF SCIENCE"

**Inferring parameters shaping amino acid usage in prokaryotic genomes via Bayesian MCMC methods. (Completo, 2006)**

NAYA H, GIANOLA D, ROMERO H, URIOSTE JI, MUSTO H

Molecular Biology and Evolution, v.: 23 1, p.:203 - 211, 2006

Palabras clave: genome evolution Bayesian methods MCMC amino acid usage linear models GC content

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 07374038

Scopus' WEB OF SCIENCE"

**Genomic GC content prediction in prokaryotes from a sample of genes. (Completo, 2005)**

ZAVALA A, NAYA H, ROMERO H, SABBIA V, PIOVANI R, MUSTO H

Gene, v.: 357 2, p.:137 - 143, 2005

Palabras clave: Genome Bacteria Estimator Prediction

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781119

Scopus' WEB OF SCIENCE"

**The correlation between genomic G+C and optimal growth temperature of prokaryotes is robust: a reply to Marashi and Ghalanbor. (Completo, 2005)**

MUSTO H, NAYA H, ZAVALA A, ROMERO H, ALVAREZ-VALIN F, BERNARDI G

Biochemical and Biophysical Research Communications, v.: 330 2, p.:357 - 360, 2005

Palabras clave: genome evolution isochores DNA thermodynamic stability

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 0006291X

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Correspondence analysis of amino acid usage within the family Bacillaceae. (Completo, 2004)**

NAYA H, ZAVALA A, ROMERO H, RODRÍGUEZ-MASEDA H, MUSTO H

Biochemical and Biophysical Research Communications, v.: 325 4, p.:1252 - 1257, 2004

Palabras clave: genome evolution optimal growth temperature genomic GC proteome multivariate analysis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 0006291X

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Correlations between genomic GC levels and optimal growth temperatures in prokaryotes. (Completo, 2004)**

MUSTO H, NAYA H, ZAVALA A, ROMERO H, ALVAREZ-VALIN F, BERNARDI G

Febs Letters, v.: 573 1 3, p.:73 - 77, 2004

Palabras clave: genome evolution isochores DNA thermodynamic stability

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00145793

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Aerobiosis increases the genomic guanine plus cytosine content (GC%) in prokaryotes. (Completo, 2002)**

NAYA H, ROMERO H, ZAVALA A, ALVAREZ B, MUSTO H

Journal of Molecular Evolution, v.: 55 3, p.:260 - 264, 2002

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00222844

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Trends in codon and amino acid usage in Thermotoga maritima. (Completo, 2002)**

ZAVALA A, NAYA H, ROMERO H, MUSTO H

Journal of Molecular Evolution, v.: 54 5, p.:563 - 568, 2002

Palabras clave: amino acid usage codon usage amino acid frequency Thermotoga maritima GC3 content

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00222844

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Translational selection shapes codon usage in the GC-rich genome of Chlamydomonas reinhardtii. (Completo, 2001)**

NAYA H, ROMERO H, CARELS N, ZAVALA A, MUSTO H

Febs Letters, v.: 501 2 3, p.:127 - 130, 2001

Palabras clave: codon usage translational selection mutational bias Chlamydomonas reinhardtii

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00145793

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**NO ARBITRADOS**

**Genome-wide association studies with a genomic relationship matrix: a case study with wheat and Arabidopsis (Completo, 2016)**

GIANOLA D , FARIELLO MI , NAYA H , SCHÖN CC

G3: Genes | Genomes | Genetics , 6 10, p.:3241 - 3256, 2016

Palabras clave: GWAS Relationship matrix

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 21601836

DOI: [10.1534/g3.116.034256](https://doi.org/10.1534/g3.116.034256)

**How does evolutionary variation in basal metabolic rates arise? A statistical assessment and a mechanistic model (Completo, 2012)**

NAYA DE , SPANGENBERG L , NAYA H , BOZINOVIC F

Evolution, v.: 67 5 , p.:1463 - 1476, 2012

Palabras clave: Metabolic rate

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ecofisiología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00143820

**Evolutionary and comparative genomics of leptospira (Completo, 2007)**

REGO N , NAYA H , LAMOLLE G , ALVAREZ-VALIN F

Electronic Journal of Communication Information and Innovation in Health, v.: 1 2 , 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 19816286

10.3395/reciis.v1i2.Sup.103en

**PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS**

**Base de datos del genero Eucalyptus; respuesta para garantizar su trazabilidad. (2012)**

Resumen

VALENZUELA S , TORRES-DINI D , NAYA H

Evento: Nacional

Descripción: XIV Jornadas de la SUB

Ciudad: Balneario Solís

Año del evento: 2012

Palabras clave: Eucalyptus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

**Estudio metagenómico en suelos forestados con Eucalyptus (2012)**

Resumen

VALENZUELA S , TORRES-DINI D , CARRASCO-LETELIER L , NAYA H

Evento: Nacional

Descripción: XIV Jornadas de la SUB

Año del evento: 2012

Palabras clave: Metagenómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

**Predicción de patogenicidad bacteriana en humanos (2012)**

Resumen  
IRAOLA G , VAZQUEZ G , SPANGENBERG L , NAYA H

Evento: Nacional  
Descripción: XIV Jornadas de la SUB  
Año del evento: 2012  
Palabras clave: patogenicidad  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Papel

**Estudios bioinformáticos de la diferenciación de células madre mesenquimales con tecnologías de nueva generación (2012)**

Resumen  
SPANGENBERG L , ABUD AP , SHIGUNOV P , COFRE A , KULIGOVSKY C , STIMAMIGLIO M , CORREA A , NAYA H , DALLAGIOVANNA B

Evento: Nacional  
Descripción: XIV Jornadas de la SUB  
Año del evento: 2012  
Palabras clave: Células madre  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Papel

**¿Somos lo que comemos? ARNs pequeños de origen bacteriano, vegetal y animal presentan una amplia distribución en tejidos humanos (2012)**

Resumen  
TOSAR ROVIRA JP , BONILLA B , SANGUINETTI J , NAYA H , CAYOTA A

Evento: Nacional  
Descripción: XIV Jornadas de la SUB  
Año del evento: 2012  
Palabras clave: pequeños ARNs  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología celular  
Medio de divulgación: Papel

**Selección contra fibras pigmentadas en ovinos corriedale: estudio de la expresión de genes candidatos asociados a la melanogénesis (2012)**

Resumen  
ALONSO N , ZORRILLA P , PEÑAGARICANO F , NAYA H , URIOSTE JI , ROBELLO C

Evento: Nacional  
Descripción: XIV Jornadas de la SUB  
Año del evento: 2012  
Palabras clave: fibras pigmentadas  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Zootecnia

**Trypanosoma cruzi secreta microvesículas al medio con relevancia en la comunicación celular (2012)**

Resumen  
GARCÍA-SILVA MR , CABRERA-CABRERA F , SANGUINETTI J , GÜIDA MC , ROBELLO C , FERNANDEZ-CALERO T , NAYA H , CAYOTA A

Evento: Nacional  
Descripción: XIV Jornadas de la SUB  
Año del evento: 2012  
Palabras clave: Trypanosoma cruzi  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología celular  
Medio de divulgación: Papel

### **Un modelo para explicar la evolución reciente de la tasa metabólica basal (2012)**

Resumen

NAYA DE , SPANGENBERG L , NAYA H , BOZINOVIC F

Evento: Nacional

Descripción: XIV Jornadas de la SUB

Año del evento: 2012

Palabras clave: tasa de metabolismo basal

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología / Ecofisiología

Medio de divulgación: Papel

### **Genes de inmunoglobulinas en el genoma bovino (2012)**

Resumen

MEGRAN D , NAYA H , PRITSCH O

Evento: Nacional

Año del evento: 2012

Palabras clave: inmunoglobulinas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

### **Impactos físicos en el suelo por cerdos en pastoreo (2012)**

Resumen

MONTEVERDE S , DEL PINO A , PIAGGIO J , NAYA H

Evento: Nacional

Descripción: 7as. Jornadas Técnicas de Veterinaria

Año del evento: 2012

Palabras clave: producción de cerdos a campo impacto físico en suelo

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Zootecnia

Medio de divulgación: Papel

### **Correlaciones genéticas entre definiciones alternativas de fibras pigmentadas en ovinos corriedale (2012)**

Resumen

SANCHEZ AL , URIOSTE JI , NAYA H , NEIMAUR K , SIENRA I , KREMER R

Evento: Regional

Descripción: XXXVII Congreso de la Sociedad Chilena de Producción Animal

Año del evento: 2012

Palabras clave: fibras pigmentadas

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Zootecnia

Medio de divulgación: Papel

<http://www.sochipa.cl/congreso/ocs/index.php/congreso2012/Congreso2012/paper/view/40>

### **Metales pesados en la producción de cerdos a campo (2011)**

Resumen

MONTEVERDE S , DEL PINO A , PIAGGIO J , NAYA H

Evento: Nacional

Descripción: 7as. Jornadas Técnicas de Veterinaria

Año del evento: 2011

Palabras clave: metales pesados producción de cerdos a campo

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Zootecnia

Medio de divulgación: Papel

### **Something like a needle in a haystack: Search for an etiological virus candidate in chronic lymphocytic leukaemia by extensive transcriptome analysis (2011)**

Resumen

NAYA H, REGO N

Evento: Regional

Descripción: Conferencia de la Asociación Argentina de Bioinformática y Biología Computacional

Ciudad: Córdoba

Año del evento: 2011

Palabras clave: Chronic Lymphocytic Leukemia Viral etiology Next Generation Sequencing

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: CD-Rom

#### **Revisiting the GC content aerobiosis hypothesis (2011)**

Resumen

VALENZUELA S, SPANGENBERG L, REGO N, ROMERO H, NAYA H

Evento: Regional

Descripción: Conferencia de la Asociación Argentina de Bioinformática y Biología Computacional

Ciudad: Córdoba

Año del evento: 2011

Palabras clave: GC content aerobiosis phylogenetic mixed model bayesian model average

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica evolutiva

Medio de divulgación: Internet

#### **Process automation system for bioinformatics tasks using pipelines database (2011)**

Resumen

ELÍAS WR, POCA Y L, NAYA H

Evento: Regional

Descripción: Conferencia de la Asociación Argentina de Bioinformática y Biología Computacional

Ciudad: Córdoba

Año del evento: 2011

Palabras clave: bioinformatics pipelines

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

#### **Genetic parameter estimation of black spots and fleece traits in Corriedale sheep (2011)**

Resumen

SANCHEZ AL, URIOSTE JI, PEÑAGARICANO F, NAYA H, NEIMAUR K, SIENRA I, KREMER R

Evento: Regional

Descripción: XXXVI Congreso de la Sociedad Chilena de Producción Animal

Ciudad: Punta Arenas, Chile

Año del evento: 2011

Palabras clave: fibras pigmentadas

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Zootecnia

Medio de divulgación: Papel

#### **Identification of relations between risk factors and their pathologies or health conditions by mining scientific literature (2010)**

Completo

HAMON T, GRAÑA M, RAGGIO V, GRABAR N, NAYA H

Evento: Internacional

Descripción: 13th World Congress on Medical and Health Informatics

Ciudad: Cape Town, South Africa

Año del evento: 2010

Palabras clave: Text mining

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

**Genetic Analysis of Black Spots in Corriedale Sheep Using Poisson, Probit and Linear Models (2010)**

Completo

PEÑAGARICANO F , URIOSTE JI , NAYA H , DE LOS CAMPOS G , GIANOLA D

Evento: Internacional

Descripción: 9th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production.

Ciudad: Leipzig, Germany

Año del evento: 2010

Palabras clave: Generalized Linear Models Dark spots in sheep

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

**An easy way to incorporate phylogenetic uncertainty in the comparative model (2010)**

Resumen

SPANGENBERG L , REGO N , ROMERO H , NAYA H

Evento: Internacional

Descripción: ISCB-LA 2010

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010

Palabras clave: Comparative model

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Medio de divulgación: CD-Rom

**Understanding implications of tissue-specific codon usage in human (2010)**

Resumen

FERNANDEZ T , SPANGENBERG L , CHAPARRO A , REGO N , MARIN M , NAYA H

Evento: Internacional

Descripción: ISCB-LA 2010

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010

Palabras clave: codon usage

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Computacional

Medio de divulgación: CD-Rom

**Lifestyle, gene repertory and base composition bias in spirochetes (2010)**

Resumen

REGO N , GRAÑA M , LAMOLLE G , ALVAREZ-VALIN F , NAYA H

Evento: Internacional

Descripción: ISCB-LA 2010

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010

Palabras clave: Leptospira comparative genomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Computacional

Medio de divulgación: CD-Rom

**Integrated in silico-wet biology approach for improving the annotation of Babesia bigemina perforin family (2010)**

Resumen

NAYA H , PETRIGH R , REGO N , VALENTINI B , ECHAIDE I , FARBER M

Evento: Internacional

Descripción: ISCB-LA 2010

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010  
Palabras clave: Babesia perforins  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Computacional  
Medio de divulgación: CD-Rom

**Improving Meta-Analysis based GWAS through data quality management (2009)**

Resumen  
RUGGIA R , NAYA H

Evento: Internacional  
Descripción: Microsoft Research Conference  
Ciudad: Seattle  
Año del evento: 2009  
Palabras clave: GWAS  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Papel

**Simulación de la estructuración geográfica de la variabilidad genética en especies del género Paspalum: Deriva Genética o Dominancia Genotípica (2009)**

Resumen  
GONZALEZ-REYMÚNDEZ A , NAYA H , SPERANZA P

Evento: Nacional  
Descripción: XIV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias  
Año del evento: 2009  
Palabras clave: simulaciones espaciales de genotipos  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Computacional  
Medio de divulgación: CD-Rom

**Scaling properties of biopolymers assessed through protein crystal structures (2009)**

Resumen  
GRAÑA M , ROMERO H , DANS P , NAYA H

Evento: Internacional  
Descripción: ISMB/ECCB 2009  
Ciudad: Estocolmo  
Año del evento: 2009  
Palabras clave: comparative genomics  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Computacional  
Medio de divulgación: Papel

**REGRESIÓN DE POISSON Y POISSON CON EXCESO DE CEROS APLICADA AL MODELADO DE LUNARES EN OVEJAS CORRIEDALE (2007)**

Resumen  
NAYA H , URIOSTE JI , CHANG YM , RODRIGUES-MOTTA M , KREMER R , GIANOLA D

Evento: Nacional  
Descripción: XII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias  
Año del evento: 2007  
Palabras clave: Poisson con exceso de ceros ZIP  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Bioestadística  
Medio de divulgación: Papel

**REDUCCIÓN GENÓMICA EN ESPIROQUETAS PATÓGENAS (2007)**

Resumen  
REGO N , NAYA H , ALVAREZ-VALIN F



Evento: Nacional  
Año del evento: 2007  
Palabras clave: genómica comparativa Leptospira  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Computacional  
Medio de divulgación: Papel

**Variability in pigmentation levels on Corriedale sheep: Preliminary results. 2. Pigmentation in non-fleece areas (2007)**

Resumen  
PEÑAGARICANO F, URIOSTE JI, LOPEZ R, LLANEZA F, LAFUENTE C, LOPEZ MASS C, NAYA H, KREMER R

Evento: Internacional  
Descripción: XX Congreso de ALPA  
Ciudad: Cusco  
Año del evento: 2007  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético  
Medio de divulgación: CD-Rom

**Variability in pigmentation levels on Corriedale sheep: Preliminary results. 2. Pigmentation in non-fleece areas (2007)**

Resumen  
URIOSTE JI, PEÑAGARICANO F, LOPEZ R, LLANEZA F, LAFUENTE C, LOPEZ MASS C, NAYA H, KREMER R

Evento: Internacional  
Descripción: XX Congreso de ALPA  
Ciudad: Cusco  
Año del evento: 2007  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

**Scaling in Biology: Exploring Surface-to-Volume Ratios and other Properties within Thousands of X-ray Structures (2007)**

Resumen  
ROMERO H, GRAÑA M, DANS P, NAYA H

Evento: Internacional  
Descripción: ECCB2006  
Ciudad: Eilat  
Año del evento: 2007  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: CD-Rom

**An heuristic approach to incorporate prior information into prokaryotic genomic GC prediction (2006)**

Resumen  
NAYA H, ROMERO H

Evento: Internacional  
Descripción: ISMB, 2006  
Ciudad: Fortaleza  
Año del evento: 2006  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Otros

**Comparative Methods in Genomics from a Bayesian MCMC Perspective (2006)**

Completo  
NAYA H

Evento: Internacional  
Descripción: Global Dialogues on Emerging Science and Technology  
Ciudad: Petrópolis  
Año del evento: 2006  
Palabras clave: métodos Bayesianos MCMC  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: Otros

**Codon instability at high GC level in the comparison between Human and Chimpanzee (2006)**

Resumen  
PIOVANI R , NAYA H , SABBIA V , MUSTO H

Evento: Internacional  
Descripción: ISMB, 2006  
Ciudad: Fortaleza  
Año del evento: 2006  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: CD-Rom

**Estimación del contenido G+C genómico a partir de una muestra de genes (2006)**

Completo  
NAYA H , ROMERO H , REGO N , ARRAMBIDE N

Evento: Internacional  
Descripción: 2das. Jornadas de la Red Iberoamericana de Bioinformática  
Ciudad: Buenos Aires  
Año del evento: 2006  
Palabras clave: contenido G+C algoritmos heurísticos  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Internet

**Characterization of homogeneous and heterogeneous regions in the human genome and compositional features of individual chromosomes (2006)**

Resumen  
SABBIA V , PIOVANI R , NAYA H , MUSTO H

Evento: Internacional  
Descripción: ISMB, 2006  
Ciudad: Fortaleza  
Año del evento: 2006  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: CD-Rom

**Poisson and Zero-Inflated Poisson regression applied to the modeling of black spots in corriedale sheep (2006)**

Resumen  
NAYA H , URIOSTE JI , CHANG YM , RODRÍGUEZ-MOTTA M , KREMER R , GIANOLA D

Evento: Internacional  
Descripción: 8th WCGALP  
Año del evento: 2006

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Cuantitativa  
Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Otros

**Selective forces driving Guanine+Cytosine (GC%) content in prokaryotes (2004)**

Resumen

ROMERO H, NAYA H, ZAVALA A, MUSTO H, ALVAREZ-VALIN F, BERNARDI G

Evento: Internacional

Descripción: ECCB/ISMB

Ciudad: Glasgow

Año del evento: 2004

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Otros

**Selective forces and GC% content in prokaryotes (2004)**

Resumen

ROMERO H, NAYA H, ZAVALA A, MUSTO H, ALVAREZ-VALIN F, BERNARDI G

Evento: Internacional

Descripción: Gordon Conference on Theoretical Biology and Biomathematics

Ciudad: Tilton, NH

Año del evento: 2004

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Otros

**Codon usage in Cyprinidae fishes, evidence of translational selection (2003)**

Resumen

ZAVALA A, ROMERO H, NAYA H, MUSTO H

Evento: Internacional

Descripción: XIX International Congress of Biochemistry and Molecular Biology

Ciudad: Toronto

Año del evento: 2003

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

Medio de divulgación: Otros

**Presencia de fibras pigmentadas en una majada experimental Corriedale (2003)**

Resumen

PEREIRA GI, DE MIQUELERENA JM, URIOSTE JI, NAYA H, LÓPEZ C, SURRACO L

Evento: Internacional

Descripción: 12º Congreso Mundial Corriedale

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2003

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Otros

**Incidence of skin spot and pigmentation in Corriedale sheep (2003)**

Resumen

KREMER R, URIOSTE JI, NAYA H, ROSÉS L, RISTAL L, LÓPEZ C

Evento: Internacional

Descripción: IX World Congress in Animal Production

Ciudad: Porto Alegre

Año del evento: 2003

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Otros

**Identification of production environments in Angus populations of Brazil and Uruguay using cluster analysis (2003)**

Resumen

ESPASANDÍN AC , URIOSTE JI , NAYA H , ROSÉS L , RISTA L , LÓPEZ C

Evento: Internacional

Descripción: IX World Congress in Animal Production

Ciudad: Porto Alegre

Año del evento: 2003

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Otros

**Evaluación cuantitativa de curvas de lactancia de vacas Holando en Uruguay. I Descripción de la población (2002)**

Resumen

URIOSTE JI , NAYA H , CHILIBROSTE P

Evento: Regional

Descripción: Congreso de AAPA

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2002

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Otros

**Evaluación cuantitativa de curvas de lactancia de vacas Holando en Uruguay. II Ajuste de un modelo bifásico (2002)**

Resumen

NAYA H , URIOSTE JI , CHILIBROSTE P

Evento: Regional

Descripción: Congreso de AAPA

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2002

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Otros

**Evaluación cuantitativa de curvas de lactancia de vacas Holando en Uruguay. III Implicancias biológicas de las curvas de lactancia multifásicas (2002)**

Resumen

CHILIBROSTE P , NAYA H , URIOSTE JI

Evento: Regional

Descripción: Congreso de AAPA

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2002

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético

Medio de divulgación: Otros

**Identification of production environment and presence of GxE interaction in Uruguay using Holstein Herds records (2002)**

Resumen

NAYA H , URIOSTE JI , FRANCO J

Evento: Internacional

Descripción: 7th WCGALP

Ciudad: Montpellier

Año del evento: 2002

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Mejoramiento Genético  
Medio de divulgación: Otros

#### **Rearrangement and the (2001)**

Resumen  
ROMERO H , ZAVALA A , NAYA H , MUSTO H

Evento: Internacional  
Descripción: 27th Meeting of the Federation of European Biochemical Societies  
Ciudad: Lisboa  
Año del evento: 2001  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: Otros

#### **Uso de codones sinónimos en *Oncorhynchus mykiss*: evidencias de selección (2000)**

Resumen  
ZAVALA A , NAYA H , ROMERO H , MUSTO H

Evento: Nacional  
Descripción: Congreso de la Sociedad Uruguaya de Biociencias  
Ciudad: Montevideo  
Año del evento: 2000  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: Otros

#### **Hidrofobicidad, propiedades composicionales, uso de codones sinónimos y frecuencia de aminoácidos en los genomas completamente secuenciados de las bacterias *Neisseria meningitidis* y *Thermotoga maritima* (2000)**

Resumen  
NAYA H , MUSTO H , ROMERO H , ZAVALA A

Evento: Nacional  
Descripción: 2º Encuentro de Jóvenes Biólogos  
Ciudad: Montevideo  
Año del evento: 2000  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva  
Medio de divulgación: Otros

## **Producción técnica**

### **PRODUCTOS**

#### **BacFier: a Java software for the classification of bacterial pathogenesis (2012)**

Software, Obra  
NAYA H , SPANGENBERG L  
BacFier es un software para predecir si una bacteria es patógena para los humanos basado en su composición genómica  
País: Uruguay  
Disponibilidad: Irrestringida  
Institución financiadora: Parcialmente ANII a través de beca de doctorado a Lucía Spangenberg  
Palabras clave: patogenicidad bacteriana  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática  
Medio de divulgación: Internet  
<https://code.google.com/p/bacfier/>

#### **bcool: Bringing to light significant Columns correlated with Organism Labels (2011)**

Software, Obra

NAYA H , SPANGENBERG L

País: Uruguay

Disponibilidad: Irrestringida

Institución financiadora: ANII parcialmente (beca de doctorado a Lucía Spangenberg)

Palabras clave: amino acid properties phylogenetic mixed model R packages

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

Medio de divulgación: Internet

<http://cran.r-project.org/web/packages/bcool/index.html>

## TRABAJOS TÉCNICOS

### **Evaluación Genética de Reproductores Aberdeen Angus (2004)**

Informe o Pericia técnica

URIESTE JI , NAYA H , RAVAGNOLO O , AGUILAR I

País: Uruguay

Idioma: Español

Palabras clave: Evaluación Genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

### **Evaluación Genética de Reproductores Aberdeen Angus (2003)**

Informe o Pericia técnica

URIESTE JI , DE MATTOS D , NAYA H , RAVAGNOLO O , SOARES DE LIMA JM , CALISTRO A

País: Uruguay

Idioma: Español

Disponibilidad: Irrestringida

Palabras clave: Evaluación Genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

### **Evaluación Genética de Reproductores Aberdeen Angus (2002)**

Informe o Pericia técnica

URIESTE JI , NAYA H

Catálogo para la selección de reproductores de la raza Aberdeen Angus

País: Uruguay

Idioma: Español

Disponibilidad: Irrestringida

Palabras clave: Evaluación Genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

Medio de divulgación: Papel

## Evaluaciones

### **EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES**

#### **COMITÉ EDITORIAL**

**Computers in Biology and Medicine ( 2011 / 2011 )**

Cantidad: Menos de 5

**Frontiers in Genetics ( 2011 / 2011 )**

Cantidad: Menos de 5  
Miembro del Review Editorial Board para Frontiers in Livestock Genomics

**Biomathematics ( 2011 / 2011 )**

Cantidad: Menos de 5  
Miembro del Editorial Board

**Journal of Molecular Evolution ( 2007 / 2008 )**

Cantidad: Menos de 5

**Gene ( 2006 / 2011 )**

Cantidad: De 5 a 20

## Formación de RRHH

### TUTORÍAS CONCLUIDAS

#### POSGRADO

**Plataformas de workflows científicos basadas en tecnologías avanzadas de middleware (2013)**

Tesis de maestria  
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay  
Programa: PEDECIBA  
Tipo de orientación: Asesor/Orientador  
Nombre del orientado: Guzmán Llambías  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Workflows científicos  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Aspectos bioinformáticos de pequeños ARNs no codificantes (2012)**

Tesis de maestria  
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / / , Uruguay  
Programa: PEDECIBA  
Nombre del orientado: Álvaro Pena  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: microRNAs Algoritmos de predicción de genes blanco  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Detección de loci bajo selección en poblaciones subdivididas utilizando marcadores SNP densos (2012)**

Tesis de doctorado  
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay  
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas  
Nombre del orientado: María Inés Fariello  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: test de selección marcadores SNPs densos  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de poblaciones

**Estudios bioinformáticos de los mecanismos de diferenciación y autorenovación de las células madre adultas (2010)**

Tesis de doctorado  
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut

Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Programa: PEDECIBA

Nombre del orientado: Lucía Spangenberg

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Bioinformática Integración de información Células madre

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Caracterización genética de la presencia de lunares en la raza Corriedale mediante enfoques cuantitativos y moleculares (2009)**

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía - UDeLaR , Uruguay

Programa: Maestría en Ciencias Agrarias

Nombre del orientado: Francisco Peñaricano

Medio de divulgación: Papel

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: análisis de expresión por microarrays fibras pigmentadas comparación de modelos

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Cría Animal / Genética Cuantitativa

**GRADO**

**Genes de inmunoglobulinas en el genoma bovino (2012)**

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Licenciatura en Bioquímica

Nombre del orientado: Daniela Megrian

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: inmunoglobulinas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

**Caracterización de presencia de ortólogos y parálogos en diferentes especies del género Leptospira, con reconstrucción de diferentes vías (2012)**

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Licenciatura en Bioquímica

Nombre del orientado: Gabriel Martínez

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Leptospira ortólogos / parálogos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Evolutiva

**Caracterización de una familia de metiltransferasas hipotéticas de función desconocida de Mycobacterium tuberculosis mediante el uso de herramientas bioinformáticas y análisis de Microarrays (2009)**

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Licenciatura en Bioquímica

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Leonardo Delgado

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: predicción de función metiltransferasas Mycobacterium tuberculosis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Sistema de Recuperación de Evidencia Experimental (2009)**

Tesis/Monografía de grado



Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería - UDeLaR,  
Uruguay  
Programa: Ingeniería en Computación  
Nombre del orientado: Gabriela Romero  
Medio de divulgación: Papel  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Procesamiento de Lenguaje Natural evidencia experimental  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Bioinformática

**Aerobiosis, evolución del contenido GC en procariotas y la explosión de datos genómicos: varios años después (2009)**

Tesis/Monografía de grado  
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR,  
Uruguay  
Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas  
Nombre del orientado: Sebastián Valenzuela  
Medio de divulgación: Papel  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: procariotas contenido GC aerobiosis  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica  
Computacional

**Diseño e implementación de base de datos y pipelines flexibles de análisis para genómica comparativa de espiroquetas (2009)**

Tesis/Monografía de grado  
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional de Entre Ríos, Argentina  
Programa: Licenciatura en Bioinformática  
Nombre del orientado: Luisina Pocay, Walter Elía  
Medio de divulgación: Papel  
País/Idioma: Argentina, Español  
Palabras Clave: genómica comparativa pipelines de análisis  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Bioinformática

**Aspectos bioinformáticos de pequeños ARNs (2008)**

Tesis/Monografía de grado  
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR,  
Uruguay  
Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas  
Nombre del orientado: Álvaro Pena  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: microRNAs Leucemia Linfocítica Crónica  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Bioinformática  
Defensa acordada para el 20 de diciembre 2011

**Análisis de Información en Citometría de Flujo (2008)**

Tesis/Monografía de grado  
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería - UDeLaR,  
Uruguay  
Programa: Ingeniería en Computación  
Nombre del orientado: Germán Viera, Gastón Pirez, Julián Magnone  
Medio de divulgación: Papel  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: High Throughput Flow Cytometry Análisis de datos multidimensionales  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Bioinformática

**Buscando relaciones entre enfermedades y genes a partir de la literatura biomédica (2008)**

Tesis/Monografía de grado  
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería - UDeLaR  
, Uruguay  
Programa: Ingeniería en Computación  
Nombre del orientado: Federico Romero, Helena Muñoz  
Medio de divulgación: Papel  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Procesamiento de Lenguaje Natural relación gen-enfermedad  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Bioinformática

## OTRAS

### **Actividad tejido específica del Receptor de Estrógenos: herramientas bioinformáticas para el análisis comparativo de expresión génica (2009)**

Iniciación a la investigación  
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut  
Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay  
Nombre del orientado: Tamara Fernandez  
Medio de divulgación: Papel  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: genómica comparativa uso de codones análisis de expresión por microarrays  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /  
Bioinformática

## TUTORÍAS EN MARCHA

## POSGRADO

### **Análisis Metagenómico de suelos bajo cultivo de Eucalyptus grandis (2012)**

Tesis de maestría  
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de  
Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay  
Programa: Maestría en Bioinformática  
Nombre del orientado: Sebastián Valenzuela  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Metagenómica  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Bioinformática

### **Bioinformática aplicada a la predicción y modelado de patógenos bacterianos emergentes (2012)**

Tesis de maestría  
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de  
Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay  
Programa: Maestría en Bioinformática  
Nombre del orientado: Gregorio Iraola  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Patógenos  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Bioinformática

### **Caracterización tejido específica de expresión de tRNAs y componentes de la maquinaria traduccional humana: integración de datos masivos de perfiles de expresión con ensayos cuantitativos (2010)**

Tesis de maestría  
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut  
Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay  
Programa: PEDECIBA  
Nombre del orientado: Tamara Fernandez  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Bioinformática tRNAs  
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Evolución de las vías de señalización INS-IGFs en mamíferos: aproximación genómica para el estudio de sus receptores (2009)**

Tesis de maestría

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Programa: PEDECIBA

Nombre del orientado: Natalia Rego

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: receptores genómica comparativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Computacional

## Otros datos relevantes

### JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

**Plataforma para la evaluación de calidad de datos: aplicación a experimentos con Microarrays (2010)**

Candidato: Lorena Etcheverry

Tipo Jurado: Tesis de Maestría

CANCELA H , CABALLERO I , MAROTTA A , NAYA H

Maestría en Informática (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería - UDeLaR / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

Palabras Clave: Calidad de datos Microarrays

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

**Algoritmos de predicción de la estructura secundaria en proteínas (2006)**

Candidato: Elisa Budelli

Tipo Jurado: Pregrado

WONSEBER D , TESTURI C , CANCELA H , NAYA H

Ingeniería en Computación / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería - UDeLaR / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

orientadores: Alfredo Viola y Fernando Álvarez-Valín

**La mutación, la función y la evolución (2006)**

Candidato: Guillermo Lamolle

Tipo Jurado: Tesis de Maestría

MUSTO H , NUNES E , NAYA H

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

PEDECIBA - Genética orientador: Fernando Álvarez-Valín

**Cadenas ocultas de Markov para la predicción de genes (2005)**

Candidato: Diego Espinosa

Tipo Jurado: Pregrado

CANCELA H , MOTZ R , NAYA H

Ingeniería en Computación / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería - UDeLaR / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

orientador: Carlos Testuri

**Cadenas ocultas de Markov para la predicción de genes (2005)**

Candidato: Pablo Gallo  
Tipo Jurado: Pregrado  
CANCELA H , MOTZ R , NAYA H  
Ingeniería en Computación / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República /  
Facultad de Ingeniería - UDeLaR / Uruguay  
País: Uruguay  
Idioma: Español  
orientador: Carlos Testuri

#### **Cadenas ocultas de Markov para la predicción de genes (2005)**

Candidato: Federico Sotto  
Tipo Jurado: Pregrado  
CANCELA H , MOTZ R , NAYA H  
Ingeniería en Computación / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República /  
Facultad de Ingeniería - UDeLaR / Uruguay  
País: Uruguay  
Idioma: Español  
orientador: Carlos Testuri

#### **Descripción de diferentes tipos de pigmentación en la zona de vellón y no vellón en una majada experimental Corriedale (2004)**

Candidato: Gonzalo Pereira  
Tipo Jurado: Pregrado  
URIOSTE JI , KREMER R , NAYA H  
Ingeniería Agronómica / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República /  
Facultad de Agronomía - UDeLaR / Uruguay  
País: Uruguay  
Idioma: Español  
orientador: José I. Urioste

## **Información adicional**

Miembro del Editorial Board de Frontiers in Livestock Genomics (Frontiers in Genetics).  
Miembro del Editorial Board de ISRN Biomathematics.

Miembro del Steering Committee, ISCB-LA 2010, Montevideo.  
Miembro del Steering Committee, ISCB-LA 2012, Santiago de Chile.  
Chair de la sesión "Systems Biology", Symposium on Statistical Genetics of Livestock for the Post-Genomic Era, Madison (WI), 2009. (10/02/2010).  
Coordinador de la Maestría en Bioinformática – PEDECIBA. 2010–2011.  
Coordinador Alternativo de la Maestría en Bioinformática – PEDECIBA. 2009–2010.  
Miembro suplente del Comité Científico del Área (Biología) PEDECIBA. 2009–2010.

Electo representante (suplente) a la ASAMBLEA del CLAUSTRO de Facultad de Ciencias por el orden Egresados. Período 2004-2005.

Electo representante (titular) a la ASAMBLEA del CLAUSTRO de Facultad de Ciencias por el orden Egresados. Período 2002-2004.  
(14/12/2011)

## **Indicadores de producción**

<b>PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA</b>	<b>119</b>
<b>Artículos publicados en revistas científicas</b>	70
Completo	70
<b>Trabajos en eventos</b>	49
<b>PRODUCCIÓN TÉCNICA</b>	<b>5</b>
<b>Productos tecnológicos</b>	2
<b>Trabajos técnicos</b>	3
<b>EVALUACIONES</b>	<b>5</b>
<b>Evaluación de publicaciones</b>	5

<b>FORMACIÓN RRHH</b>	<b>19</b>
<b>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas</b>	15
Tesis de maestría	3
Tesis/Monografía de grado	9
Iniciación a la investigación	1
Tesis de doctorado	2
<b>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha</b>	4
Tesis de maestría	4