

**ANDRÉS IRIARTE ODINI**

Licenciado

airiarteo@gmail.com
<http://www.higiene.edu.uy/dbp/Andres/>

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Nivel I (Activo)

Fecha de publicación: 18/09/2018
Última actualización SNI: 18/09/2018

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Medicina - UDeLaR / Dpto. de desarrollo Biotecnológico Instituto de Higiene. / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Medicina - UDeLaR/ Sector Educación Superior/Público

Dirección: Av. Alfredo Navarro 3051 / 11600 / Montevideo , Montevideo , Uruguay

Teléfono: (2) 24871288

Correo electrónico/Sitio Web: airiarteo@gmail.com <http://www.higiene.edu.uy/dbp/Andres/>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA**DOCTORADO****Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2010 - 2013)**

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Título de la disertación/tesis: Evolución del sesgo selectivo en el uso de codones sinónimos y aminoácidos

Tutor/es: Héctor Musto

Obtención del título: 2013

Institución financiadora: Universidad de la República / Comisión Académica de Posgrado , Uruguay

Palabras Clave: Uso de Codones inferencia bayesiana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

MAESTRÍA**Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2007 - 2009)**

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Título de la disertación/tesis: Estudio de patrones genómicos en organismos totalmente

secuenciados miembros de la clase Mollicute, con especial énfasis en el orden Mycoplasmales

Promedio de aprobaciones = 10

Tutor/es: Hector Musto

Obtención del título: 2009

Palabras Clave: Uso de Codones Genómica Bio-informática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular

GRADO**Licenciatura en Ciencias Biológicas (2000 - 2007)**

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Título de la disertación/tesis: Búsqueda de Selección Molecular en el ADN mitocondrial de roedores Subterráneos Promedio de aprobaciones = 8 Promedio general = 6.48

Tutor/es: Ivanna Tomasco

Obtención del título: 2007

Palabras Clave: Roedores Subterráneos ADN mitocondrial Selección Molecular
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Formación complementaria

CONCLUIDA

POSDOCTORADOS

ANÁLISIS GENÓMICO DE NUEVAS ESPECIES DE B-RIZOBIOS AISLADAS EN URUGUAY (2013 - 2016)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / MEC. Instituto de Investigaciones Biológicas «Clemente Estable», Uruguay

Palabras Clave: Bacterias fijadoras de nitrógeno

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Reconstrucción y análisis de redes metabólicas en la era postgenómica (01/2015 - 01/2015)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

25 horas

Palabras Clave: Análisis de genomas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Biology of bacterial non-coding RNAs, EMBO COURSE (01/2014 - 01/2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional de Quilmes, Argentina

40 horas

Palabras Clave: Regulation prokaryotes small RNAs

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / ncRNA

Curso básico de tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs (01/2011 - 01/2011)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay

Palabras Clave: lncRNA, RNAmisc

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Computational Methods for Next-generation Sequencing Data and Transcriptomics (Maestría en Bioinformática) (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas, Uruguay

30 horas

Palabras Clave: Transcriptómica Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Next Generation Sequencing (NGS) data analysis (punto focal de Montevideo de UNU-BIOLAC, la Facultad de de Ciencias y el INIA) (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

39 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

The First Joint Pasteur Institute/Welcome Trust Course on Genomics in S. Am (01/2006 - 01/2006)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay

60 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Pasantía postdoctoral. Francisco Penagaricano Lab., UF, Gainesville, USA. (2016)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Department of Animal Sciences, University of Florida, Estados Unidos

Palabras Clave: Candidate Genes SNP association studies Bull fertility Generalized linear mixed models

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

PASANTÍA POSTDOCTORAL: Análisis de sistemas metabólicos sumando datos de expresión. Laboratorio de Biología de Sistemas y Epigenómica Prof. Dr. Arndt Benecke. (2015)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Institut de Biologie Paris Seine, Université Pierre & Marie Curie, Paris, Francia

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología de Sistemas,

Modeling and data analysis for the Healthy Human Global project-Research Camp (2015)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Institut Pasteur, Uruguay

Palabras Clave: Data Analysis Genomics NGS

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología computacional

PASANTÍA POSTDOCTORAL, Lab. Dr. Hasan Khatib, WISCONSIN, EEUU. (2014)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Animal Science Dpt., University of Wisconsin-Madison, Estados Unidos

Palabras Clave: RNAseq resistencia a la insulina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica

PASANTÍA POSTDOCTORAL, Lab. Dr. Federico Hoffmann, MISSISSIPPI, EEUU. (2013)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Department of Biochemistry and Molecular Biology, Mississippi State University., Estados Unidos

Palabras Clave: Evolución Molecular Bioinformática Genómica Comparativa

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

PASANTÍA Lab. de Genómica Animal del Departamento de Ciencia Animal, UC-DAVIS (2011)

Tipo: Otro

Institución organizadora: UNIVERSITY OF CALIFORNIA, DAVIS, Estados Unidos

Palabras Clave: Transcriptómica RNA-seq Bovino

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica

¿Por qué, cómo y donde publicar artículos científicos? Seminario para Autores (2010)

Tipo: Seminario

Institución organizadora: Elsevier America Latina, Uruguay

International Society for Computational Biology Regional Latin American Meeting (ISCB-LA) (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: International Society for Computational Biology, Uruguay

Palabras Clave: Genómica Bioinformática.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología computacional

Taller de Genómica: desde los microarrays al secuenciado masivo (2009)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Unidad de Gestión Científica, IP Montevideo, Uruguay

Palabras Clave: Genómica Bio-informática Microarrays

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica

1era. Jornada Uruguaya de Bioinformática (Local), JUBiLo 08 (2008)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Instituto Pasteur de Montevideo., Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Bioinformática

Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética. (2008)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Genética., Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética

XXXV Congreso Argentino de Genética. (2006)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Universidad Nacional de San Luis. San Luis., Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética

Aplicaciones del ADN mitocondrial al estudio de la diversidad genética. (2006)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Universidad Nacional de San Luis. San Luis., Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética

VIII. Jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay. (2005)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Zoológica del Uruguay., Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología / Genética

2º Simposio Internacional sobre enfermedades priónicas en el animal y el hombre (2005)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Facultad de Ciencias, UDELAR, Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética

Idiomas

Inglés

Entiende muy bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología computacional

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY

Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (06/2014 - a la fecha)

Investigador Gr.3 ,10 horas semanales

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Veterinaria - UDeLaR

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (10/2010 - a la fecha)

Docente, Programa de Posgrados Fvet ,5 horas semanales

2012 - Actual Docentes Asociado del programa de Posgrados de la Universidad de la República, Facultad de Veterinaria 2010 - 2012 Integrante del Núcleo de Especializaciones del Programa de Posgrados de la Universidad de la República, Facultad de Veterinaria, en calidad de Docente.

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (10/2004 - 09/2013)

Ayudante del Área Genética ,20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudio in silico del genoma de animales domésticos. Identificación y análisis de familias génicas de interés. (02/2011 - a la fecha)

5 horas semanales

Área Genética, Depto. de Genética y Mejora Animal., Coordinador o Responsable

Equipo:

Palabras clave: Bioinformatica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica de animales domésticos

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Estudio in silico del genoma de animales domésticos. Identificación y análisis de familias génicas de interés productivo, reproductivo y sanitario (02/2011 - a la fecha)

5 horas semanales

Facultad de Veterinaria , Área Genética, Depto. Genética y Mejora Animal
Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Equipo:

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Análisis de la expresión diferencial de genes y sus asociaciones en cortes de diez músculos de cordero con alto valor comercial (02/2012 - a la fecha)

8 horas semanales

Facultad de Veterinaria , Área Genética, Depto. Genética y Mejora Animal
Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ARMSTRONG E. (Responsable)

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Enfoque genético en el estudio de los reordenamientos cromosómicos en bovinos. Su asociación con problemas reproductivos y evolutivos (10/2006 - 10/2009)

En rodeos comerciales de razas bovinas existen causas endógenas de origen genético que intervienen en las distintas etapas del desarrollo prenatal, provocando disminución de las tasas de fertilidad. Recientemente, se ha caracterizado al genoma bovino por poseer múltiples microrearrangios internos que se expresan por cambios estructurales de la cromatina, donde fenómenos de metilaciones, transposiciones, extensiones de trinucleótidos, en regiones esencialmente de la heterocromatina, llevarían al silenciamiento génico. Factores genéticos incidirían en ciertas problemáticas reproductivas debidas a reordenamientos internos de la cromatina donde estarían involucradas secuencias dinámicas del genoma. En este proyecto se realiza un enfoque genético para el estudio de los reordenamientos cromosómicos asociados a problemas reproductivos y evolutivos. Para ello se toma como modelo de estudio animales de la reserva genética de bovinos Criollos del Uruguay y especies pertenecientes a la familia Bovidae: ovinos y cabras criollas. La identificación de sitios de inestabilidad de la cromatina, dado por la expresión fenotípica de inductores clastogénicos (afidicolina, 5-azacitidina), enzimas de restricción (MspI, HpaII), permitirá realizar asociaciones con regiones dinámicas de la cromatina, involucradas en los reordenamientos cromosómicos. Una aproximación al análisis filogenómico de secuencias en la familia Bovidae, permitirá entender las bases evolutivas de los reordenamientos cromosómicos, su asociación con enfermedades, con estructuras polimórficas y procesos de adaptación. Este proyecto actuará como pilar genético en el conocimiento de la dinámica de la cromatina de una especie de impacto económico como lo es *Bos taurus*, y brindará conocimiento acerca de los múltiples reordenamientos cromosómicos asociados a subfertilidad.

20 horas semanales

Instituto de Producción Animal , Área Genética

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:3

Equipo: LLAMBÍ S. (Responsable) , POSTIGLIONI A. (Responsable)

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Cito-genética

Análisis del ADN mitocondrial para el estudio de relaciones filogenéticas del Ganado Criollo Uruguayo. (01/2007

- 01/2009)

Actualmente las poblaciones de bovinos Criollos sudamericanos están siendo estudiadas para definir relaciones filogenéticas entre sí y con poblaciones de Europa y África del viejo continente. Se utiliza el análisis de secuencias de la región control (RC) del ADN mitocondrial (ADNmt), principalmente la región hipervariable D loop, como herramienta para entender los patrones filogeográficos de distribución de las reservas de ganado Criollo. Como resultados de estos y otros estudios se han generado cientos de secuencias de dicha región en bovinos Criollos y no Criollos pertenecientes a reservas de América del Sur y el resto del mundo que han permitido definir tiempos de divergencia, variabilidad y relaciones filogenéticas entre estas poblaciones. En el Uruguay, existe una reserva de bovinos Criollos en el Parque Nacional de San Miguel (33°40S; 53°38W) que hasta el momento no ha sido incluida en ningún estudio que determine sus relaciones filogenéticas con otras reservas sudamericanas. Dada la importancia de los recursos genéticos locales por la adaptación a las condiciones de nuestro país y el número de investigaciones que se realizan sobre dicha reserva, se hace actualmente imprescindible definir las relaciones filogenéticas de esta población a modo de contextualizar las investigaciones desde un punto de vista evolutivo y genético poblacional. En tal sentido, este proyecto pretende analizar la región control del ADN mitocondrial de animales pertenecientes a la reserva de bovino Criollo Uruguayo, único exponente de ganado típico local, que ha mostrado poseer un alto valor genético, en el marco de la caracterización y conservación de los recursos genéticos animales mundiales.

7 horas semanales

Instituto de Producción Animal , Área Genética

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Otra

Equipo:

Palabras clave: ADN mitocondrial Ganado Criollo Uruguayo Filogenia

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

DOCENCIA

Doctor/a en Ciencias Veterinarias (Plan 1998) (03/2005 - a la fecha)

Grado

Asignaturas:

Curso Biología Molecular y Celular, Primer semestre, Unidad V. Dictado de la clase teórica

Regulación génica en procariotas y eucariotas., 4 horas, Teórico

Curso Genética General, Segundo semestre., 8 horas, Teórico-Práctico

Curso Biología Molecular y Celular, Primer semestre, Unidad V., 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Veterinaria

Doctor en Medicina y Tecnología Veterinaria (10/2010 - a la fecha)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Genética. "Introducción a la Genómica", 3 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Maestría en Salud / Nutrición / Reproducción y producción Animal (10/2011 - a la fecha)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Desmistificando la clonación, bioinformática y banco de datos en biología molecular, usando parásitos como modelo, 20 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Doctor en Medicina Veterinaria (DMV) (05/2011 - a la fecha)

Grado

Responsable

Asignaturas:

BIOINFORMÁTICA APLICADA A ANÁLISIS CELULARES Y MOLECULARES, 15 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica

Doctor en Medicina Veterinaria (DMV) (05/2012 - 05/2012)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Biología Molecular y Celular, "Código genético y ADN mitocondrial", 2 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

(08/2008 - 08/2010)

Maestría

Asignaturas:

Aplicación de la Genética Molecular en Producción, Conservación, Sanidad y Reproducción Animal, 3 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Molecular Aplicada

(03/2005 - 03/2010)

Maestría

Asignaturas:

Citogenética y Evolución del PEDECIBA, Módulo Citogenética en Mamíferos Domésticos coordinada por la Dra. Alicia Postiglioni., 4 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Evolución Molecular

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Medicina - UDeLaR

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (05/2016 - a la fecha)

Profesor Adjunto, 30 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 3

Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (11/2013 - 04/2016)

Prof. Adjunto, 20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 3

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Genómica Comparativa de Salmonella (04/2013 - a la fecha)

10 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico, Integrante del equipo

Equipo:

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Bioinformática

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Evaluación genómica y proteómica de dos serovariedades de *Salmonella enterica* subespecie *enterica* con comportamientos patogénicos diferenciales (04/2013 - a la fecha)

10 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico

Desarrollo

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: BETANCOR L. (Responsable), YIM L. (Responsable), CHAVALGOITY, A., DALESSANDRO B.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Bioinformática

Caracterización de factores celulares involucrados en la biorremediación de compuestos orgánicos por aislamientos del género *Shewanella* (08/2016 - a la fecha)

La creciente contaminación en el mundo es un grave problema con severas consecuencias a largo plazo. Las principales fuentes de contaminación del agua causada por la mano del hombre incluyen la minería, la industria, la ganadería y agricultura y las sustancias químicas para uso agrícola. En particular, el tratamiento y descarte de residuos industriales requiere de procesos complejos que eleva los costos de los productos finales. Debido a esto, existe un interés generalizado para el desarrollo de procesos de biorremediación, los cuales aprovechan las capacidades de diversos microorganismos para la recuperación de nichos ecológicos. *Shewanella* spp. es una bacteria gram-negativa del orden de las gammaproteobacterias que posee un gran potencial para su aplicación en bioremediación, así como también, para la generación de energía. *Shewanella* se encuentra comúnmente en medios acuáticos y sedimentos preferentemente marinos. Para ser competitiva en este entorno y responder a la baja disponibilidad de recursos, *Shewanella* posee un sistema de regulación complejo y de robustos sensores, que pueden ser aplicados tanto en los procesos de degradación de compuestos como de producción de energía. Sin embargo, el estrés generado por diversos factores externos promueve nuevos arreglos en el genoma bacteriano, mediados por la gran variedad de elementos móviles que poseen. La relación que existe entre la versatilidad de este microorganismo para adaptarse y sobrevivir frente a un ambiente adverso y su capacidad de adquirir y mantener elementos móviles aún no ha sido estudiada. El objetivo de este proyecto es caracterizar el pangenoma de *Shewanella* spp. a partir de aislamientos recolectados de sedimentos marinos de Antártida, caracterizar los procesos y factores celulares involucrados en la degradación de compuestos orgánicos y determinar el papel que juegan los elementos móviles en la evolución y adaptación de esta bacteria a cambios ambientales y presiones externas.

5 horas semanales

Instituto de Higiene, Depto. Desarrollo Biotecnológico

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister: 1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, Argentina, Apoyo financiero

Equipo: DIANA L., PARMECIANO G., QUIROGA C. (Responsable), MAC CORMACK W.P., VÁZQUEZ S.C.

Palabras clave: Gammaproteobacterias biocorrección

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

DOCENCIA

Doctor en Ciencias Médicas (05/2014 - a la fecha)

Grado

Invitado
Asignaturas:
Metodología Científica II, 4 horas, Teórico

EXTENSIÓN

(12/2013 - 12/2013)

CERP-Maldonado, Red Latinoamericana de Ciencias Biológicas (RELAB)
10 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica y Bioinformática

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - MINISTERIO DE EDUCACIÓN Y CULTURA - URUGUAY

MEC. Instituto de Investigaciones Biológicas «Clemente Estable»

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2013 - 04/2016)

Investigador (contrato Postdoctorado), 40 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

ANÁLISIS GENÓMICO DE NUEVAS ESPECIES DE β -RIZOBIOS AISLADAS EN URUGUAY (11/2013 - a la fecha)

Los rizobios son bacterias del suelo que fijan nitrógeno atmosférico solo después de haberse establecido endosimbióticamente en nódulos radiculares de leguminosas. Estas bacterias forman un conjunto filogenéticamente diverso distribuido dentro de las α y las β -poteobacterias, siendo los últimos los más recientemente descritos y los menos estudiados. En Uruguay se han aislado un conjunto de β -rizobios pertenecientes a los géneros *Cupriavidus* y *Burkholderia* asociados a una especie del grupo de las Mimoseae: *Parapiptadenia rigida* (Angico). Algunas de estas cepas seguramente representan nuevas especies con propiedades únicas y una historia evolutiva particular. Describir y entender los cambios linaje-específicos ocurridos en el genoma de diferentes rizobios es vital para entender cabalmente el proceso de fijación de nitrógeno en simbiosis, el cual a su vez, representa un activo importante para la productividad agrícola mundial, la economía agrícola y la sostenibilidad ambiental. En la presente línea de investigación nos planteamos una estrategia basada en herramientas bioinformáticas para estudiar propiedades genómicas de rizobios, haciendo especial hincapié en cepas de β -rizobios en general y en β -rizobios aislados en Uruguay en particular. Se pretende responder preguntas relacionadas con la organización, composición y evolución de los genomas que acompañan el pasaje evolutivo hacia la función bacteriana rizobio. El proyecto cuenta con 2 líneas que pueden desarrollarse de forma independiente. En primer lugar y haciendo uso de información actualmente disponible, se pretende lograr una caracterización a nivel de especie y completar estudios descriptivos y comparativos de genoma de dos aislamientos obtenidos en Uruguay y otros producidos principalmente por el proyecto GEBA-RNB. Una segunda línea de trabajo incluye la secuenciación y análisis de nuevas cepas aisladas en Uruguay. Los resultados generados impactarían en el entendimiento de este proceso biológico fundamental a nivel general y en particular en los poco estudiados β -rizobios. Además el proyecto generará información que permitirá plantearse nuevos experimentos, apuntalando líneas de investigación existentes y facilitando la formación de recursos humanos en el área específica de genómica y bioinformática.

40 horas semanales

Departamento de Bioquímica y Genómica Microbiana (BIOGEM), Coordinador o Responsable

Equipo: SOTELO-SILVEIRA J., FABIANO E.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

GENÓMICA COMPARATIVA DE BETA-RIZOBIOS, CON ESPECIAL ENFASIS EN CEPAS AISLADAS EN URUGUAY (08/2014 - a la fecha)

Los rizobios son bacterias que fijan nitrógeno atmosférico después de haberse establecido endosimbióticamente en nódulos radiculares de leguminosas. Estas bacterias forman un conjunto

filogenéticamente diverso ubicado dentro de las alfa y las beta-poteobacterias, siendo los últimos los menos estudiados. Describir y entender los cambios linaje-específicos ocurridos en el genoma de diferentes rizobios es fundamental para entender cabalmente el proceso de fijación de nitrógeno en simbiosis, el cual a su vez, representa un activo importante para la productividad agrícola mundial, la economía agrícola y la sostenibilidad ambiental. Este proyecto pretende responder preguntas vinculadas con la organización, composición génica y evolución del genoma en relación al pasaje evolutivo hacia la función bacteriana rizobio. Se toma una aproximación basada principalmente en el uso de herramientas bioinformáticas, analizando secuencias de genomas actualmente disponibles en bases de datos y otras de cepas aisladas en Uruguay generadas por el propio proyecto. Los resultados generados impactarían en el entendimiento de este proceso biológico fundamental, colaborando en el entendimiento de las bases genómicas del proceso, tanto a nivel general de los rizobios, como en el caso particular de los beta-rizobios y beta-rizobios aislados en Uruguay. Finalmente el proyecto generará información que permitirá plantearse nuevos experimentos, apuntalando líneas de investigación existentes y facilitando la formación de recursos humanos en el área específica de genómica y bioinformática.

20 horas semanales

Departamento de Bioquímica y Genómica Microbianas y Depto. Genómica Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado: 1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: FABIANO E., SOTELO-SILVEIRA J.R., PLATERO R., RODRIGUEZ C.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

DOCENCIA

PEDECIBA (09/2013 - 10/2013)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

III ESCUELA REGIONAL DE MICROBIOLOGÍA, 2 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Bioinformática

EXTENSIÓN

(06/2014 - 06/2014)

Departamento de Bioquímica y Genómica Microbianas y Depto. Genómica

1 horas

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias - UDeLaR

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (08/2013 - 11/2013)

Asistente de la Maestría en Bioinformática, 20 horas semanales

Sección Biomatemática.

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (03/2008 - 09/2013)

Ayudante Sección Evolución y Sistemática, 20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (03/2006 - 07/2007)

Ayudante Sección Evolución y Sistemática. ,20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (08/2005 - 02/2006)

Ayudante Sección Evolución y Sistemática. ,20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

ACTIVIDADES**LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN****Evolución Molecular, Uso de Codones (03/2007 - a la fecha)**

6 horas semanales
Sección Biomatemática, Lab. de Evolución y Organización del Genoma , Integrante del equipo
Equipo:
Palabras clave: Uso de Codones
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO**Reconstrucción de Codones Optimos Ancestrales en Procariotas (03/2007 - a la fecha)**

La mayoría de las investigaciones acerca del uso de codones sinónimos se han llevado a cabo en una única especie. No obstante, en los escasos estudios que se han hecho en más de una especie de grupos emparentados, se ha visto que los codones óptimos no siempre se mantienen, sino que algunos "aparecen" en determinadas especies y "desaparecen" en otras. Ahora, las preguntas surgen naturalmente: dado un grupo filogenéticamente emparentado ¿cuáles serían los codones óptimos del último ancestro común del grupo? ¿Qué patrones se observarían si, dentro del grupo, se procede a ir "mapeando" la aparición y desaparición de los codones óptimos en cada uno de los nodos internos? ¿Cómo son los patrones de coevolución entre los diferentes codones optimos, aminoácidos con codones óptimos y tRNAs? ¿Cómo van cambiando en los diferentes taxa y en los diferentes niveles taxonómicos? En definitiva, ¿cómo es el tempo y el modo de evolución de estas características? La extensión natural de esta idea es llegar a los mismos orígenes de la traducción ¿con los datos disponibles en este momento (genomas completamente secuenciados) es posible detectar los primitivos codones traduccionalmente óptimos? ¿Si esto es así, cuáles eran? En otras palabras, ¿cuáles eran los codones óptimos de LUCA? Este proyecto plantea aportar información para contestar estas preguntas a partir de la construcción de árboles filogenéticos construídos tomando como marcadores moleculares los genes ortólogos presentes en los procariotas completamente secuenciados para cada nivel de clasificación taxonómica elegido.

5 horas semanales

Lab. de Organización y Evolución del Genoma , Sección Biomatemática
Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Especialización:2

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Equipo: ROMERO H. (Responsable) , MUSTO H. (Responsable)

Palabras clave: Uso de Codones Reconstrucción de Caracteres Ancestrales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Glutati3n S transferasas en Echinococcus granulosus (02/2011 - a la fecha)

2 horas semanales

Instituto de Higiene , Cátedra de Inmunología
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Equipo: ARBILDI P. , MUSTO H. , LA ROCCA S. , FERNÁNDEZ V. (Responsable)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Uso de codones sinónimos en virus (02/2011 - a la fecha)

3 horas semanales
Centro de Investigaciones Nucleares , Laboratorio de Virología Molecular
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Equipo: MUSTO H. (Responsable) , CRISTINA J. (Responsable)
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución Molecular

Buscando las bases moleculares del plegamiento in vivo de proteínas de membrana en Aspergillus nidulans. (03/2010 - 03/2012)

3 horas semanales
Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Bioquímica-Dpto. de B. Celular y Molecular //
Lab. Org. Evol. Genoma
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Pregrado:1
Maestría/Magister:1
Equipo: RAMON A. (Responsable) , MARIN M. , MUSTO H. , SANGUINETTI M.
Palabras clave: Uso de Codones Aspergillus
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Plegamiento de proteínas de membrana eucariota

Evolución Molecular de Citocromo c y el Rol Funcional de Tirosina 67 (02/2011 - 02/2012)

2 horas semanales
Facultad de Medicina , Departamento de Bioquímica-CEINBIO
Investigación
Integrante del Equipo
En Marcha
Equipo: E.P.LESSA , RADI R. (Responsable) , TÓRTORA V.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Proteasas Microbianas (02/2011 - 02/2012)

2 horas semanales
Facultad de Ciencias , Sección Bioquímica
Investigación
En Marcha
Financiación:
Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: HÉCTOR ROMERO , CASTRO-SOWINSKI, S. (Responsable) , MARTÍNEZ-ROSALES C.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

DOCENCIA

Licenciatura en Ciencias Biológicas (07/2008 - a la fecha)

Grado

Asignaturas:

Curso Evolución, Sexto semestre., 10 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (03/2008 - a la fecha)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Estructura, organización y evolución del genoma bacteriano, 3 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Licenciatura en Ciencias Biológicas (05/2011 - a la fecha)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Taller de herramientas para el análisis de secuencias de ácidos nucleicos y aminoácidos, "Uso de Codones Sinónimos", 4 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Ciencias Biológicas (03/2012 - 05/2012)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Biología Molecular, "Organización del Genoma Procariota", 2 horas, Teórico

Biología Molecular, "Código Genético ", 2 horas, Teórico

Biología Molecular, "Uso de Codones Sinónimos", 2 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

PEDECIBA (12/2010 - 12/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Biología Molecular de Enfermedades Virales (Introducción a la teoría de coalescencia), 12 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (09/2008 - 11/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Introducción a la Genómica Computacional Participación como docente de práctico con la clase

Análisis de Codones Sinónimos, Uso del programa CodonW, 2 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Licenciatura Bioquímica/Ciencias Biológicas (10/2010 - 10/2010)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Evolución. "Evolución de las familias multigénicas", 3 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Familias multigénicas y CNV

Maestría en Bioinformática (10/2010 - 10/2010)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Taller de Genómica Evolutiva, 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

PEDECIBA (04/2009 - 05/2009)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Transducción de señales en Fisiología Espermatológica: aspectos básicos y aplicados, 3 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva / Evolución

Licenciatura en Ciencias Biológicas (06/2005 - 02/2007)

Grado

Asignaturas:

Evolución, 8 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Licenciatura en Ciencias Biológicas (08/2006 - 11/2006)

Grado

Invitado

Asignaturas:

Evolución, Especiación parapátrida y cromosómica y Genómica comparativa de procariotas., 4 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

EXTENSIÓN

Lab. de Evolución. Proyecto de Popularización: (02/2009 - 02/2009)

CERP del suroeste (Colonia)

1 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Integrante del proyecto de Popularización "La evolución biológica en la cultura moderna". Responsable Prof. Dr. E. P. Lessa. Aprobado y Financiado (ANII). (02/2011 - 12/2011)

Depto. Ecología y Evolución, Sección Evolución y Sistemática

1 hora semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Integrante del proyecto "Elaboración de material audiovisual para el curso de Evolución" En la línea: Elaboración de Material Didáctico de la CSE-UDELAR Responsable Prof. Dr. E. P. Lessa. Aprobado y Financiado (02/2010 - 02/2011)

Depto. Ecología y Evolución, Sección Evolución y Sistemática

1 hora semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro de la asamblea del claustro (Suplente) (05/2012 - a la fecha)

ASAMBLEA DEL CLAUSTRO FACULTAD DE CIENCIAS

Participación en cogobierno

Facultad de Ciencias, Instituto de Biología
Participación en consejos y comisiones

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Univ de Chile

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (11/2012 - 11/2012)

,20 horas semanales

ACTIVIDADES

EXTENSIÓN

Curso Biología Molecular y Genómica para docentes de educación media (11/2012 - 11/2012)

Facultad de Medicina, Instituto de Ciencias Biomédicas - Programa de Biología Celular y Molecular
20 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 10 horas

Carga horaria de investigación: 35 horas

Carga horaria de formación RRHH: 10 horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

Evolución molecular:

Uso de Codones Sinónimos, Uso de Aminoácidos y sesgos composicionales: El sesgo en el uso de codones sinónimos y uso de aminoácidos, entendido como el uso no al azar de tripletes y residuos, es gobernado por el sesgo mutacional, la deriva y la selección. Esta línea de investigación, se desarrolla en colaboración con el Dr. Héctor Musto y tiene como objetivo entender la relación entre estas fuerzas evolutivas en procariontes y eucariontes. Se incorpora a los análisis clásicos, nuevas estrategias orientadas a entender la evolución de los antes mencionados patrones. En forma paralela estudiamos la variación en los sesgos dentro de la secuencia de los genes lo que se relacionaría con el correcto plegamiento de proteínas, el reciclaje de tRNAs y las dinámicas de traducción en general.

Genómica comparativa:

Varias preguntas sobre el funcionamiento de los genomas pueden responderse mediante el uso de la genómica comparativa y el estudio de las tendencias en el tiempo evolutivo. Las bases genéticas de características fenotípicas simples (ej. resistencia a antibióticos) y complejas (ej. patrón epidemiológico) observadas en ciertos linajes se analizan en un marco filogenético. Colaboramos con varios grupos, a nivel nacional e internacional, y dirigimos un proyecto de investigación directamente vinculado a estas temáticas.

Estudio de familias multigénicas:

La disponibilidad de secuencias y genomas completos en una amplia variedad de taxa en bases de datos de libre acceso han generado un nuevo escenario para analizar la evolución de familias multigénicas, sus dinámicas de expansión y contracción así como la descripción de nuevos miembros de las distintas clases que las componen. Mediante el análisis *in silico* es posible manejar una vasta cantidad de información de secuencias de ADN, ARN, Proteínas, estructura 3D, intrones, mapas genómicos, etc. Trabajamos en coordinación con otros grupos de investigación, priorizando el enfoque multidisciplinario de esta temática.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

A novel prophage identified in strains from *Salmonella enterica* serovar Enteritidis is a phylogenetic signature of the lineage ST-1974. (Completo, 2018)

D'ALESSANDRO, B., V. PÉREZ, BALESTRAZZI L., IRIARTE A., Pickard D., YIM L., Chabalgoity, JA., BETANCOR L
Microbial Genomics, v.: 4 2018
Palabras clave: prophages lineages *Salmonella*
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: United Kindom
ISSN: 2057-5858
DOI: [10.1099/mgen.0.000161](https://doi.org/10.1099/mgen.0.000161)
<http://mgen.microbiologyresearch.org/>

Genomic insights into the broad antifungal activity, plant-probiotic properties, and their regulation, in *Pseudomonas donghuensis* strain SVBP6 (Completo, 2018)

Agaras B., IRIARTE A., Claudio Valverde
PLoS ONE, p.:1 - 32, 2018
Palabras clave: Plant growth promotion Argentinean isolate rhizospheres
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19326203
DOI: [10.1371/journal.pone.0194088](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0194088)
journals.plos.org/plosone/
<http://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0194088>
Scopus® WEB OF SCIENCE®

EXPANSION OF CAP SUPERFAMILY PROTEINS IN THE GENOME OF MESOCESTOIDES CORTI: AN EXTREME CASE OF A GENERAL BILATERIAN TREND (Completo, 2018)

COSTÁBILE, A, URIEL KOZIOL, TORT, J F, IRIARTE A., CASTILLO, E.
Gene Reports, v.: 11 p.:110 - 120, 2018
Palabras clave: secreted proteins cestode genomic data?birth and death? mechanism
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica evolutiva
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 24520144
DOI: [10.1016/j.genrep.2018.03.010](https://doi.org/10.1016/j.genrep.2018.03.010)
<https://www.sciencedirect.com/journal/gene-reports>
Corresponding authors: Estela Castillo: castillo@fcien.edu.uy & Andrés Iriarte: airiarte@higiene.edu.uy.

Draft Genome Sequences of Two Multidrug-Resistant *Salmonella enterica* Serovar Typhimurium Clinical Isolates from Uruguay (Completo, 2018)

Cordeiro N.F., D'Alessandro B., IRIARTE A., Pickard D., Yim L., Chabalgoity J.A., Betancor L., Vignoli R.
Microbiology Resource Announcements, v.: 7:e00917-18 2018
Palabras clave: Enterobacteria Genome Sequence
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2576098X
DOI: [10.1128/MRA.00917-18](https://doi.org/10.1128/MRA.00917-18)
<https://mra.asm.org/>

Whole genome analysis of an extensively-drug-resistance *Empedobacter falsenii* strain reveals distinct features and the presence of a novel metallo- β -lactamase (EBR-2) (Completo, 2018)

Collins C., Almuzara M., Saigo M., Montaña S., Chiem K., Traglia G., Mussi M.A., Tolmasky M., IRIARTE A., Vay C., RAMIREZ M.S.

Current Microbiology, v.: 75 8, p.:1084 - 1089, 2018

Palabras clave: metallo- β -lactamase Empedobacter spp. nosocomial pathogen antimicrobial resistant

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03438651

DOI: doi.org/10.1007/s00284-018-1498-9

<https://link.springer.com/journal/284>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

Temporal evolution of anti-Clostridium antibody responses in sheep after vaccination with polyvalent Clostridial vaccines. (Completo, 2018)

ROSSI, A, MONACO, A., Guarnaschelli J., FERNANDO SILVEIRA, IRIARTE A., Benecke A.G., Chabalgoity, JA.

Veterinary Immunology and Immunopathology, v.: 202 p.:46 - 51, 2018

Palabras clave: Antibodies Clostridium Vaccines Duration of immunity Sheep

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología

Alimentaria /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01652427

DOI: doi.org/10.1016/j.vetimm.2018.06.010

<https://www.journals.elsevier.com/veterinary-immunology-and-immunopathology>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

Molecular Characterization of KPC-2 positive Klebsiella pneumoniae isolates from a neurosurgical center in Argentina (Completo, 2018)

Montaña S., Hernandez M., Fernandez J.S., Pennini M., Centrón D., Sucari A., IRIARTE A., Ramírez M.S.

New Microbes and New Infections, v.: 24 p.:32 - 34, 2018

Palabras clave: Klebsiella pneumoniae carbapenem resistance blaKPC-2 neurosurgical center

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

bacteriana

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 20522975

DOI: doi.org/10.1016/j.nmni.2018.04.002

<https://www.journals.elsevier.com/new-microbes-and-new-infections>

A Naturally Occurring Deletion in FliE from Salmonella enterica Serovar Dublin Results in an Aflagellate Phenotype and Defective Proinflammatory Properties. (Completo, 2017)

SASÍAS M., S., Martínez, A., BETANCOR L., Martínez A., Bruno D'Alessandro, IRIARTE A., Chabalgoity, JA., Yim L.

Infection and Immunity, v.: 86 1 e0051, 2017

Palabras clave: aflagellate strains FliA-anti-Sigma factor revertants in-frame 42-nucleotide-deletion

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00199567

DOI: [0.1128/IAI.00517-17](https://doi.org/10.1128/IAI.00517-17)

<http://iai.asm.org/>

Scopus' WEB OF SCIENCE™

Draft Genome Sequence of Salmonella enterica subsp. enterica Serovar Infantis Strain SPE101, Isolated from a Chronic Human Infection (Completo, 2017)

IRIARTE A., GINER-LAMIA J., SILVA C., BETANCOR L., ASTOCONDOR L., CESTERO J.J., OCHOA T., GARCÍA C., PUENTE J.L., CHABALGOITY J.A., GARCÍA-DEL PORTILLO F.

Genome Announcements, 2017

Palabras clave: annotation assembly

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21698287
DOI: [10.1128/genomeA.00679-17](https://doi.org/10.1128/genomeA.00679-17)
<http://genomea.asm.org/>
<http://genomea.asm.org/content/5/29/e00679-17.abstract>

Genetic analysis of a PER-2 producing *Shewanella* spp. strain harboring a variety of mobile genetic elements and antibiotic resistant determinants (Completo, 2017)

ALMUZARA M., MONTAÑA S., LAZZARO T., UONG S., PARMECIANO G., TRAGLIA G., BAKAI R., CENTRON D., IRIARTE A., QUIROGA C., RAMIREZ M.S.
Journal of Global Antimicrobial Resistance, v.: 11 p.:81 - 86, 2017
Palabras clave: Antibiotic resistance uncommon pathogen
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 22137165
DOI: [10.1016/j.jgar.2017.06.005](https://doi.org/10.1016/j.jgar.2017.06.005)
Journal of Global Antimicrobial Resistance (JGAR)
Scopus® WEB OF SCIENCE™

The complex pattern of codon usage evolution in the family Comamonadaceae (Completo, 2017)

JARA E., MOREL, M.A., Lamolle G., CASTRO SOWINSKI, S., Simón D., IRIARTE A., MUSTO H
Ecological Genetics and Genomics, v.: 6 p.:1 - 8, 2017
Palabras clave: Translational selection Optimal codons Codon bias Synonymous divergence
Betaproteobacteria
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica y Transcriptómica bacteriana, Evolución molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 24059854
DOI: doi.org/10.1016/j.egg.2017.11.002
<https://www.journals.elsevier.com/ecological-genetics-and-genomics>
Musto & Iriarte son ambos autores de correspondencia

Genome analysis of a clinical isolate of *Shewanella* sp. uncovered an active hybrid integrative and conjugative element (ICE) carrying an integron platform inserted in a novel genomic locus. (Completo, 2016)

PARMECIANO G., JARA E., IRIARTE A., CENTRON D., QUIROGA C.
Microbiology-UK, v.: 162 8, p.:1335 - 1345, 2016
Palabras clave: integrative conjugative element horizontal transfer event antimicrobial resistance
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Comparativa
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: UK
ISSN: 13500872
<http://www.microbiologyresearch.org/>
Scopus®

Draft Genome Sequence of *Cupriavidus* UYMMa02A, a novel Beta-rhizobium species (Completo, 2016)

IRIARTE A., PLATERO R., ROMERO V., FABIANO E., SOTELO-SILVEIRA J.
Genome Announcements, 2016
Palabras clave: Nodulation Nitrogen Fixation Genome
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21698287
DOI: [10.1128/genomeA.01258-16](https://doi.org/10.1128/genomeA.01258-16)
<http://genomea.asm.org/>
<http://genomea.asm.org/content/4/6/e01258-16?related-urls=yes&legid=ga;4/6/e01258-16>

Draft genome of *Shewanella frigidimarina* Ag06-30, a marine bacterium isolated from Potter Peninsula, King George Island, Antarctica (Completo, 2016)

PARMECIANO G. , VÁZQUEZ S. , MAC CORMACK W. , IRIARTE A. , QUIROGA C.
Genome Announcements, v.: 4 3 e00289-16, 2016
Palabras clave: Alteromonadales Bacterias antárticas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 21698287
<http://genomea.asm.org/>

Novel Cupriavidus strains isolated from root nodules of native Uruguayan Mimosa species (Completo, 2016)

PLATERO R. , JAMES EK , RÍOS C. , SANDES L. , IRIARTE A. , ZABALETA M. , BATTISTONI F. ,
FABIANO E.
Applied and Environmental Microbiology, v.: 82 11 , p.:3150 - 3164, 2016
Palabras clave: Rhizobium Host-Microbial Interactions
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Estados Unidos
ISSN: 00992240
<http://aem.asm.org/>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

The genetic analysis of a Acinetobacter johnsonii clinical strain evidenced the presence of horizontal genetic transfer (Completo, 2016)

MONTAÑA S. , SCHRAMM S.T.J. , TRAGLIA G.M. , CHIEM K. , PARMECIANO G. , ALMUZARA M. ,
BARBERIS C. , VAY C. , QUIROGA C. , TOLMASKY M. , IRIARTE A. , RAMIREZ M.S.
PLoS ONE, v.: 11 08 e0161528, 2016
Palabras clave: Acinetobacter, HGT, mobile elements transposon, Oxacillinase, resistance traits
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19326203
<http://journals.plos.org/plosone/>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

The use of next-generation molecular tools in the analysis of archaeological neotropical deer samples (Completo, 2016)

MORENO F. , FIGUEIRO G. , MANNISE N. , IRIARTE A. , GONZÁLEZ S. , BARBANTI DUARTE J.M. ,
COSSE M.
Journal of Archaeological Science: Reports, v.: 10 p.:403 - 410, 2016
Palabras clave: Ancient DNA Cervidae deer management Uruguayan lowlands
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 2352409X
<http://www.journals.elsevier.com/journal-of-archaeological-science-reports/>

An isochore-like structure in the genome of the flatworm Schistosoma mansoni (Completo, 2016)

LAMOLLE G. , PROTASIO A.V. , IRIARTE A. , JARA E. , SIMÓN D. , MUSTO H.
Genome Biology and Evolution, v.: 8 8 , p.:2312 - 2318, 2016
Palabras clave: Platyhelminthes
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Oxford, UK
ISSN: 17596653
<http://gbe.oxfordjournals.org/>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Revealing the biotechnological potential of Delftia sp. JD2 by a genomic approach (Completo, 2016)

MOREL M.A. , IRIARTE A. , JARA E. , MUSTO H. , CASTRO-SOWINSKI, S.
AIMS Journal, v.: 3 2 , p.:156 - 175, 2016

Palabras clave: Delftia; plant-growth promotion; bioremediation comparative genomic; plant-microbe interaction
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Comparativa
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: AIMS
ISSN: 02655004
DOI: [10.3934/bioeng.2016.2.156](https://doi.org/10.3934/bioeng.2016.2.156)
<http://www.aimspress.com/journal/Bioengineering>
AIMS Bioengineering (ISSN(Online):2375-1495)
Scopus'

Draft Genome Sequence of *Empedobacter falsenii* comb. nov. (ex- *Wautersiella falsenii*) Wf282, a strain isolated from a cervical neck abscess (Completo, 2015)

TRAGLIA G. , DIXON C. , CHIEM K. , ALMUZARA M. , BARBERIS C. , MONTAÑA S. , MERINO C. , MUSSI M. , TOLMASKY M. , IRIARTE A. , VAY C. , RAMIREZ M.S.
Genome Announcements, v.: 3 2, 2015
Palabras clave: antibiotic resistance *Empedobacter carbapenems* pathogen
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Estados Unidos
ISSN: 21698287
<http://genomea.asm.org/>

Draft genome sequence of taxonomically unique *Acinetobacter* clinical strain with proteolytic and hemolytic activities (Completo, 2015)

TRAGLIA G. , ALMUZARA M. , BARBERIS C. , MONTANIA S. , SCHRAMM S.T.J. , ENRIQUEZ B. , MUSSI M. , VAY C. , IRIARTE A. , RAMIREZ M.S.
Genome Announcements, v.: 5 3 2, 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Estados Unidos
ISSN: 21698287
DOI: [10.1128/genomeA.00030-15](https://doi.org/10.1128/genomeA.00030-15)
<http://genomea.asm.org/>

Conservation of CFTR codon frequency through Primates suggests synonymous mutations could have a functional effect (Completo, 2015)

PIZZO L. , IRIARTE A. , ALVAREZ-VALIN F. , MARÍN M.
Mutation Research - Fundamental and Molecular Mechanisms of Mutagenesis, v.: 775 p.:19 - 25, 2015
Palabras clave: CFTR synonymous mutations codon frequency conservation Cystic fibrosis
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 13861964
<http://www.journals.elsevier.com/mutation-research-fundamental-and-molecular-mechanisms-of-mutagenesis>
Pizzo L. and Iriarte A. contributed equally to this work.
Scopus'

Characterizing proteases in an Antarctic *Janthinobacterium* sp. isolate. Evidence of a protease horizontal gene transfer event (Completo, 2015)

MARTÍNEZ-ROSALES C. , MARIZCURRENA J.J. , IRIARTE A. , FULLANA N. , HÉCTOR ROMERO , CASTRO-SOWINSKI, S.
Advances in Polar Science, v.: 26 p.:88 - 95, 2015
Palabras clave: Antarctic cold-active protease horizontal gene transfer *Janthinobacterium subtilisin*
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: China
ISSN: 16749928
<http://journal.polar.org.cn/EN/volumn/current.shtml>
C. Martinez-Rosales, J.J. Marizcurrena and A. Iriarte equally contributed to this work

Est10: a novel alkaline esterase isolated from bovine rumen belonging to the new family XV of lipolytic enzymes (Completo, 2015)

RODRÍGUEZ M. C. , LOACES I. , AMARELLE V. , SENATORE D. , IRIARTE A. , FABIANO E. , NOYA F.
PLoS ONE, p.:1 - 16, 2015
Palabras clave: esterases rumen metagenomics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos /
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 19326203
DOI: [10.1371/journal.pone.0126651](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0126651)
<http://www.plosone.org/>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

General trends in selectively codon usage biases in the domain Archaea (Completo, 2014)

IRIARTE A. , JARA E. , LEYTÓN L. , DIANA L. , MUSTO H.
Journal of Molecular Evolution, v.: 79 3 4, p.:105 - 110, 2014
Palabras clave: Selección en la traducción uso de codones sinónimos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Estados Unidos
ISSN: 00222844
DOI: [10.1007/s00239-014-9647-7](https://doi.org/10.1007/s00239-014-9647-7)
<http://link.springer.com/journal/239>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Trends in amino acid usage across the Class Mollicutes (Completo, 2014)

IRIARTE A. , BARAIBAR J. D. , DIANA L. , CASTRO-SOWINSKI, S. , ROMERO H. , MUSTO H.
Journal of Biomolecular Structure and Dynamics, v.: 32 1 , p.:65 - 74, 2014
Palabras clave: Mycoplasma Complete genome amino acid usage highly expressed genes evolution
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular
Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiología - Genómica
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Estados Unidos
ISSN: 07391102
DOI: [10.1080/07391102.2012.748636](https://doi.org/10.1080/07391102.2012.748636)
<http://www.jbsdonline.com>
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Three crocodylian genomes reveal ancestral patterns of evolution among archosaurs (Completo, 2014)

GREEN RE , BRAUN EL , ARMSTRONG J , EARL D. , NGUYEN N. , HICKEY G. , VANDEWEGE M.W. , ST. JOHN J.A. , CAPELLA-GUTIÉRREZ S. , CASTOE T.A. , KERN C. , FUJITA M.K. , OPAZO J.C. , JURKA J. , KOJIMA K.K. , CABALLERO J. , HUBLEY R.M. , SMIT A.F. , PLATT R.N. , LAVOIE C.A. , RAMAKODI M.P. , FINGER JR. J.W. , SUH A. , ISBERG S.R. , MILES L. , CHONG A.Y. , JARATLERDSIRI W. , GONGORA J. , MORAN C. , IRIARTE A. , MCCORMACK J. , BURGESS S.C. , EDWARDS S.V. , LYONS E. , WILLIAMS C. , BREEN M. , HOWARD J.T. , GRESHAM C.R. , PETERSON D.G. , SCHMITZ J. , POLLOCK D.D. , HAUSSLER D. , TRIPLETT E.W. , ZHANG G. , IRIE N. , JARVIS E.D. , BROCHU C.A. , SCHMIDT C.J. , MCCARTHY F.M. , FAIRCLOTH B.C. , HOFFMANN F.G. , GLENN T.C. , GABALDÓN T. , PATEN B. , RAY D.A.
Science, v.: 346 6215, p.:1335 - 1254449, 2014
Palabras clave: genome evolution Reptiles and birds Phylogeny
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Comparativa y Evolutiva

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 00368075

DOI: [10.1126/science.1254449](https://doi.org/10.1126/science.1254449)

<http://www.sciencemag.org/content/346/6215/1254449.full>

To provide context for the diversification of archosaurs the group that includes crocodylians, dinosaurs, and birds we generated draft genomes of three crocodylians: *Alligator mississippiensis* (the American alligator), *Crocodylus porosus* (the saltwater crocodile), and *Gavialis gangeticus* (the Indian gharial). We observed an exceptionally slow rate of genome evolution within crocodylians at all levels, including nucleotide substitutions, indels, transposable element content and movement, gene family evolution, and chromosomal synteny. When placed within the context of related taxa including birds and turtles, this suggests that the common ancestor of all of these taxa also exhibited slow genome evolution and that the comparatively rapid evolution is derived in birds. The data also provided the opportunity to analyze heterozygosity in crocodylians, which indicates a likely reduction in population size for all three taxa through the Pleistocene. Finally, these data combined with newly published bird genomes allowed us to reconstruct the partial genome of the common ancestor of archosaurs, thereby providing a tool to investigate the genetic starting material of crocodylians, birds, and dinosaurs.

Scopus® WEB OF SCIENCE®

Draft Genome Sequence of an extensively drug-resistant *Acinetobacter baumannii* indigo-pigmented strain (Completo, 2014)

TRAGLIA G.M. , VILACOPA E. , ALMUZARA M.N. , DIANA L. , IRIARTE A. , CENTRON D. , RAMIREZ M.S.

Genome Announcements, v.: 2 6 , 2014

Palabras clave: antibiotic resistance sequence genomes genome analysis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Estados Unidos

ISSN: 21698287

<http://genomea.asm.org/>

Evolution of optimal codon choices in the family Enterobacteriaceae (Completo, 2013)

IRIARTE A. , J.D. BARAIBAR , ROMERO H. , CASTRO-SOWINSKI, S. , MUSTO H.

Microbiology-UK, v.: 159 p.:555 - 564, 2013

Palabras clave: tRNA content enteric bacteria optimal codons choices selection on translation protein conserved regions

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: UK

ISSN: 13500872

<http://mic.sgmjournals.org/>

Scopus® WEB OF SCIENCE®

A detailed comparative analysis on the overall codon usage patterns in West Nile Virus (Completo, 2013)

MORATORIO G. , IRIARTE A. , MORENO P. , MUSTO H. , CRISTINA J.

Infection, Genetics and Evolution, v.: 14 p.:396 - 400, 2013

Palabras clave: codon usage evolution West Nile Virus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 15671348

<http://www.journals.elsevier.com/infection-genetics-and-evolution/>

Primer y el Segundo autor contribuyeron de igual manera en la realización del trabajo

Scopus® WEB OF SCIENCE®

Genetic diversity analysis of the Uruguayan Creole cattle breed using microsatellites and mtDNA markers (Completo, 2013)

ARMSTRONG E. , IRIARTE A. , MARTÍNEZ A. M. , FEIJOO M. , VEGA-PLA J. L. , DELGADO J. V. , POSTIGLIONI A.

Genetics and molecular research, v.: 12 2 , p.:1119 - 1131, 2013

Palabras clave: Creole cattle breeds population analysis molecular markers

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Conservación de

Recursos Zoogenéticos

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Brasil

ISSN: 16765680

<http://geneticsmr.com/>

Primer y el Segundo autor contribuyeron de igual manera en la realización del trabajo.

Scopus® WEB OF SCIENCE® 

Variability of UL49 in bovine herpesvirus type 1 (BoHV-1) from Uruguayan isolates. (Completo, 2012)

PUNTES, R. , LLAMBÍ S. , IRIARTE A. , FURTADO, A. , FRANCO, G. , MAISONNAVE, J. , CRISTINA J. , MURAKAMI, K. , ESTEVES, PA.

Investigación Veterinaria INVET, 2012

Palabras clave: UL49 variability BoHV isolates

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 16683498

http://www.scielo.org.ar/scielo.php/script_sci_serial/pid_1668-3498/lng_es/nrm_iso

 

Identification of novel glutathione transferases in Echinococcus granulosus. An evolutionary perspective. (Completo, 2012)

IRIARTE A. , ARBILDI P. , LA-ROCCA S. , MUSTO H. , FERNÁNDEZ V.

Acta Tropica, v.: 123 p.:208 - 216, 2012

Palabras clave: glutathione transferase Family Taeniidae Gene family

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología /

Parasitología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 0001706X

<http://www.journals.elsevier.com/acta-tropica/>

Scopus® WEB OF SCIENCE®

Translational selection on codon usage in the genus Aspergillus (Completo, 2012)

IRIARTE A. , SANGUINETTI M. , FERNÁNDEZ-CALERO T. , NAYA H. , RAMÓN A. , MUSTO H.

Gene, v.: 506 p.:98 - 105, 2012

Palabras clave: Optimal codons tRNA content Aspergilli Neosartorya

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Micología / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / uso de

codones sinónimos

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Holanda

ISSN: 03781119

<http://www.journals.elsevier.com/gene/>

Scopus® WEB OF SCIENCE®

Pandemic influenza A virus codon usage revisited: biases, adaptation and implications for vaccine strain development. (Completo, 2012)

GOÑI N. , IRIARTE A. , COMAS V. , SOÑORA M. , MORENO P. , MORATORIO G. , MUSTO H. ,

CRISTINA J.

Virology Journal, v.: 9 p.:263 2012

Palabras clave: codon usage evolution Influenza A virus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 1743422X

DOI: [10.1186/1743-422X-9-263](https://doi.org/10.1186/1743-422X-9-263)

<http://www.virologyj.com>

Primer y el segundo autor contribuyeron de igual manera en la realización del trabajo.

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Resecuenciación y análisis bioinformático de una región del gen trofinina (BTA Xq25-33) en bovinos (Resumen, 2011)

LLAMBÍ S., IRIARTE A., GAGLIARDI R., MONTENEGRO M.

BAG, J.basic appl.genet., v.: 21, p.:69 - 69, 2011

Palabras clave: fragilidad cromosómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 18526233

<http://www.sag.org.ar>

latindex 

Selective codon usage bias in members of the class Mollicutes (Completo, 2011)

IRIARTE A., BARAIBAR J., ROMERO H., MUSTO H.

Gene, v.: 473 p.:110 - 118, 2011

Palabras clave: Mycoplasma Optimal codons tRNA content Complete Genomes

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Microbiología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781119

DOI: [10.1016/j.gene.2010.11.010](https://doi.org/10.1016/j.gene.2010.11.010)

http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws_home/506033/description#description

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Developmental expression of high molecular weight tropomyosin isoforms in Mesocestoides corti (Completo, 2010)

KOZIOL U., COSTÁBILE A., DOMÍNGUEZ M.F., IRIARTE A., ALVITE G., KUN A., CASTILLO E.

Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 175 p.:181 - 191, 2010

Palabras clave: Mesocestoides tropomyosin alternative splicing development muscle

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología del Desarrollo /

Ciencias Agrícolas / Ciencias Veterinarias / Ciencias Veterinarias / Genómica

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01666851

DOI: [10.1016/j.molbiopara.2010.11.009](https://doi.org/10.1016/j.molbiopara.2010.11.009)

http://www.elsevier.com/wps/find/journaldescription.cws_home/506086/description

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Characterization of a putative hsp70 pseudogene transcribed in protoscolecids and adult worms of Echinococcus granulosus (Completo, 2009)

KOZIOL U., IRIARTE A., CASTILLO E., SOTO J., BELLO G., CAJARVILLE A., ROCHE L., MARÍN M.

Gene, v.: 443 p.:1 - 11, 2009

Palabras clave: Echinococcus hsp70 Pseudogene Genomic duplication

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Molecular
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 03781119
DOI: [10.1016](https://doi.org/10.1016)
www.elsevier.com/locate/gene
*1er y 2do autor contribuyeron igualmente al trabajo
Scopus WEB OF SCIENCE™

Effects of 5-azacytidine on lymphocyte-metaphases of Creole cows 3 carrying the rob(1;29) (Completo, 2009)

ARTIGAS R., IRIARTE W., IRIARTE A., DE BETHENCOURT M., LLAMBÍ S., POSTIGLIONI A.
Research in Veterinary Science, v.: 88 p.:263 - 266, 2009
Palabras clave: 5-aza-C Rob(1;29) Decondensation Methylation
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00345288
DOI: [10.1016/j.rvsc.2009.10.004](https://doi.org/10.1016/j.rvsc.2009.10.004)
www.elsevier.com/locate/rvsc
Scopus WEB OF SCIENCE™

Aphidicolin induced break points in heterozygous Robertsonian translocation (rob1;29) in Creole cattle. (Completo, 2008)

ARTIGAS R., IRIARTE A., LLAMBÍ S., DE BETHENCOURT M., POSTIGLIONI A.
Journal of basic & applied genetics (BAG), v.: 19 1, p.:1 - 10, 2008
Palabras clave: Uruguayan Creole cattle rob(1;29) break point Aphidicolin
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Sociedad Argentina de Genética
ISSN: 16660390
http://www.sag.org.ar/06_1revista.htm

Scopus  **latindex**

Descondensación de la heterocromatina en bovinos criollos portadores de la translocación Robertsoniana (Rob 1;29). Acción del inductor 5-azacitidina-C. (Completo, 2008)

ARTIGAS R., IRIARTE W., DE SOTO L., IRIARTE A., LLAMBÍ S., DE BETHENCOURT M., POSTIGLIONI A.
Acta Agronomica (Palmira), v.: 57 1, p.:65 - 69, 2008
Palabras clave: 5-azacitidina-C Descondensación Rob 1;29 bovinos criollos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Colombia
ISSN: 01202812
http://www.revistas.unal.edu.co/index.php/acta_agronomica

 **Scopus**  **latindex**

Acción de la Afidicolina sobre la translocación Robertsoniana ROB (1;29) en Bovinos Criollos del Uruguay. (Resumen, 2006)

ARTIGAS R., IRIARTE A., TELLECHEA B., POSTIGLIONI A., LLAMBÍ S., DE BETHENCOURT M.
Journal of basic & applied genetics (BAG), v.: 17 2, p.:116 - 116, 2006
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Argentina
ISSN: 16660390
www.sag.org.ar/06_1revista.htm

Scopus  **latindex**

Estudio de polimorfismos del receptor de la hormona estimulante de melanocitos (MC1R) y su relación con el cáncer de ojo en Ganado Hereford. (Resumen, 2006)

DI MAURO M.J., ARMSTRONG E., IRIARTE A., POSTIGLIONI A.

Journal of basic & applied genetics (BAG), v.: 17 2 , p.:165 - 165, 2006

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular Aplicada

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 16660390

www.sag.org.ar/06_1revista.htm

Scopus®  

ARTÍCULOS ACEPTADOS

ARBITRADOS

Whole-genome analysis and description of an outbreak due to carbapenem-resistant *Ochrobactrum anthropi* causing pseudo-bacteremias (Completo, 2018)

Montaña S. , Fernandez J.S. , Barenboim M. , Hernandez M. , IRIARTE A. , Kayriyama C. , Carulla M. , Ramirez M.S. , Almuzara M.

New Microbes and New Infections, 2018

Palabras clave: *Ochrobactrum anthropi* pseudo-outbreak carbapenem-resistant

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

Fecha de aceptación: 04/09/2018

ISSN: 20522975

<https://www.journals.elsevier.com/new-microbes-and-new-infections>

Genomics helps deciphering the resistance mechanisms of a rare pneumonia causing *Pseudomonas chlororaphis* strain (Completo, 2018)

Montaña S. , Lazzaro T. , Uong S. , Place K. , IRIARTE A. , Ocampo Verca C. , Vay C. , Ramirez M.S.

New Microbes and New Infections, 2018

Palabras clave: *Pseudomonas* MBL carbapenem-resistance

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Papel

Preprint disponible

Fecha de aceptación: 09/07/2018

ISSN: 20522975

DOI: doi.org/10.1016/j.nmni.2018.07.002

<https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S2052297518300581>

Comparison of transcriptomic landscapes of different lamb muscles using RNA-Seq (Completo, 2018)

ARMSTRONG E , IRIARTE A. , PAULA NICOLINI , De los Santos J. , Ithurralde J. , BIELLI, A. , Bianchi G. , FRANCISCO PEÑAGARICANO

PLoS ONE, 2018

Palabras clave: lamb meat ovine muscle quality traits transcriptome

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Producción Animal y Lechería / Ciencia Animal y Lechería /

Medio de divulgación: Internet

Fecha de aceptación: 12/07/2018

ISSN: 19326203

Analysis of classical neurotransmitter markers in tapeworms: evidence for extensive loss of neurotransmitter pathways (Completo, 2018)

Preza M. , Montagne J. , COSTÁBILE, A , IRIARTE A. , CASTILLO, E. , URIEL KOZIOL

International Journal for Parasitology, 2018

Palabras clave: Neurotransmitter Cestode Trematode Monogenean Planarian Neuropeptide F

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Parasitología

Medio de divulgación: Papel
Fecha de aceptación: 05/06/2018
ISSN: 00207519

LIBROS

DNA Methylation (Participación , 2011)

POSTIGLIONI A. , ARTIGAS R. , IRIARTE A. , IRIARTE W. , GRASSO N. , RINCÓN G.
Edición: ,
Editorial: InTech,
En prensa
Palabras clave: metilación del ADN Epigenética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epigenética
Medio de divulgación: Internet
ISSN/ISBN: 9799533074534
<http://www.intechweb.org>

Capítulos:
Could tissue-specific genes be silenced in cattle carrying the rob(1;29) Robertsonian translocation?
Organizadores:
Página inicial , Página final

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Looking for the genetic basis of the epidemic ability of Salmonella Enteritidis (2013)

Resumen
D'ALESSANDRO B. , BETANCOR L. , YIM L. , IRIARTE A. , THOMSON N. , CHABALGOITY A.

Evento: Internacional
Descripción: 4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the Environment
Ciudad: Boston
Año del evento: 2013
Anales/Proceedings: 4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the Environment. Book of abstracts.
Pagina inicial: 146
Pagina final: 147
Publicación arbitrada
Editorial: American Society for Microbiology
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Papel
<http://conferences.asm.org/index.php/2012-02-09-21-04-52/2012-02-09-21-03-56/21-past-conferences/4th>

Genomic comparison of the closely related Salmonella enterica serovars Enteritidis and Dublin reveals more than 30% of common genes affected by non-conservative changes (2013)

Resumen
BETANCOR L. , D'ALESSANDRO B. , IRIARTE A. , YIM L. , THOMSON N. , CHABALGOITY A.

Evento: Internacional
Descripción: 4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the Environment
Ciudad: Boston
Año del evento: 2013
Anales/Proceedings: 4th ASM Conference on Salmonella: The Bacterium, the Host and the Environment. Book of abstracts.
Pagina inicial: 148
Pagina final: 149
Publicación arbitrada
Editorial: American Society for Microbiology
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Papel
<http://conferences.asm.org/index.php/2012-02-09-21-04-52/2012-02-09-21-03-56/21-past->

conferences/4th

Searching for the molecular basis of in vivo membrane protein folding in *Aspergillus nidulans* (2012)

Resumen

SANGUINETTI M. , IRIARTE A. , AMILLIS S. , MÓNICA MARÍN , MUSTO H. , RAMÓN A.

Evento: Internacional

Descripción: XLVIII Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación Bioquímica y Biología Molecular

Año del evento: 2012

Anales/Proceedings: BIOCELL 36 (Suppl.), 2012

ISSN/ISBN: 16675746

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.saib.org.ar/>

ANÁLISIS DEL SESGO EN EL USO DE CODONES SINÓNIMOS EN REGIONES TRANSMEMBRANA EN PROCARIOTAS (2011)

Resumen expandido

IRIARTE A. , JARA E. , ROMERO H. , MUSTO H.

Evento: Nacional

Descripción: 7as Jornadas SBBM

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2011

Anales/Proceedings: Libro de Resúmenes de Posters

Publicación arbitrada

Palabras clave: sesgo mutacional Proteínas transmembrana

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Medio de divulgación: Internet

<http://iibce.edu.uy/SBBM/>

Re-secuenciación y análisis bioinformático de una región del gen trofinina (BTA Xq25-33) en bovinos (2011)

Resumen

LLAMBÍ S. , IRIARTE A. , GAGLIARDI R. , MONTENEGRO M.

Evento: Regional

Descripción: XL CONGRESO ARGENTINO DE GENÉTICA

Año del evento: 2011

Anales/Proceedings: Journal of Basic & Applied Genetics (BAG)

Volumen: 2

Fascículo: 1

Página inicial: 69

Página final: 69

ISSN/ISBN: 16660390

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

TRANSFERENCIA HORIZONTAL DE PEPTIDASAS EN EL ORDEN BURKHOLDERIALES (2010)

Completo

MARTÍNEZ ROSALES, C. , IRIARTE A. , MUSTO H. , CASTRO-SOWINSKI, S.

Evento: Internacional

Descripción: XX Congreso Latinoamericano de Microbiología y al IX Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Otros

<http://www.alam2010.org.uy/htm/index.php>

Andrés Iriarte y Cecilia Martínez contribuyeron de igual manera en éste trabajo.

HORIZONTAL GENE TRANSFER IN AN EXTREME ENVIRONMENT (2010)

Completo

MARTÍNEZ-ROSALES C., IRIARTE A., MUSTO H., CASTRO-SOWINSKI, S.

Evento: Internacional

Descripción: The 13th International Symposium on Microbial Ecology

Ciudad: Seattle, WA, USA

Año del evento: 2010

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Otros

<http://www.isme-microbes.org/isme13>

Although the Antarctic continent experiences severe environmental conditions there is a high microbial diversity within soils and water samples. These environments constitute a suitable place for the isolation of bacteria that produce cold-active enzymes. As part of a project aimed at the selection of cold-adapted bacteria expressing biotechnological relevant enzymes, a *Janthinobacterium* sp. strain (identified by 16S sequencing) that produce a cold-active extracellular protease was isolated from a water sample collected in the Uruguay Lake, King George Island, South Shetland. Zymographic analysis performed in presence of inhibitors revealed that this protease belongs to the group of serine-peptidases. To identify the protease gene, degenerated primers for the amplification of subtilisin-like serine proteases were used in PCR reactions. A unique amplification product of approximately 600 bp was obtained. By sequence analysis and PSI-BLASTP search in MEROPS database we established that this protein belongs to S8A subfamily. Similar homologous were found in species from a variety of orders among the phylum Cyanobacteria. A close inspection of S8A subfamily protein members in 36 completely sequenced species belonging to Burkholderiales order mainly discards a phylogenetic close related origin. Cyanobacterial mats are major representatives of microbiota in Antarctic and are frequently co-isolated with eubacteria. In this context, our results support the transfer of genetic material from cyanobacteria to eubacteria. We thank IAU (Instituto Antártico Uruguayo) and PEDECIBA for partial financial support.

***Echinococcus granulosus*: IDENTIFICATION OF THREE GLUTATHIONE TRANSFERASES, POSSIBLY ASSOCIATED WITH THREE DIFFERENT FUNCTIONS (2010)**

Completo

LA-ROCCA S., ARBILDI P., IRIARTE A., HARISPE L., FERNÁNDEZ V.

Evento: Internacional

Descripción: The International Congress of Parasitology (ICOPA) XII

Ciudad: Melbourne, Australia

Año del evento: 2010

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Inmunología

Medio de divulgación: Otros

<http://www.icopaxii.org/>

Codon usage analysis in Enterobacteriaceae towards the detection of ancestral optimal triplets (2009)

Resumen expandido

BARAIBAR JD., IRIARTE A., ROMERO H., MUSTO H.

Evento: Internacional

Descripción: Darwin 200 South American Celebration

Ciudad: Punta del Este, Maldonado

Año del evento: 2009

Palabras clave: codon usage Enterobacteriaceae Reconstruction of ancestral states

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Medio de divulgación: Papel
<http://www.darwin200.edu.uy/>

ADN-MITOCONDRIAL EN BOVINOS CRIOLLOS DEL URUGUAY (2009)

Completo
IRIARTE A. , DE LOS SANTOS J. , ARMSTRONG E. , POSTIGLIONI A.

Evento: Regional
Descripción: X SIMPOSIO IBEROAMERICANO SOBRE CONSERVACIÓN Y UTILIZACIÓN DE RECURSOS ZOOGENÉTICOS
Ciudad: PALMIRA, COLOMBIA
Año del evento: 2009
Anales/Proceedings: MEMORIAS, X SIMPOSIO IBEROAMERICANO SOBRE CONSERVACIÓN Y UTILIZACIÓN DE RECURSOS ZOOGENÉTICOS
Palabras clave: Bovinos Criollos ADN-MITOCONDRIAL haplotipos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones
Medio de divulgación: Papel
<http://www.palmira.unal.edu.co/banner/simposio/principal.swf>

Uso de codones en el CFTR y su relación con la estructura proteica (2009)

Resumen expandido
PIZZO L. , IRIARTE A. , MARÍN M.

Evento: Nacional
Descripción: 6ª Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2009
Palabras clave: Uso de Codones Estructura proteica CFTR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Medio de divulgación: Papel
<http://www.iibce.edu.uy/SBBM>

EgGST3: UNA NUEVA GLUTATIÓN S-TRANSFERASA DE Echinococcus granulosus (2009)

Resumen expandido
LA-ROCCA S. , IRIARTE A. , ARBILDI P. , FERNÁNDEZ V.

Evento: Nacional
Descripción: 6ª Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2009
Palabras clave: GLUTATIÓN S-TRANSFERASA Echinococcus granulosus
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular
Medio de divulgación: Papel
<http://www.iibce.edu.uy/SBBM>

ADN-MITOCONDRIAL EN BOVINOS CRIOLLOS DEL URUGUAY. ANÁLISIS PRIMARIOS (2008)

Resumen
IRIARTE A. , ARMSTRONG E. , POSTIGLIONI A.

Evento: Regional
Descripción: IX Jornadas de Zoología del Uruguay
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2008
Anales/Proceedings: Actas de las IX jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay
Palabras clave: Bovino Criollo ADN mit.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Poblacional
Medio de divulgación: Papel
<http://www.serpentario.edu.uy/szu/jornadas2008>

Programa bioinformático para estudios de variabilidad cromosómica entre especies emparentadas de Bóvidos (*Bos taurus* sp., *Ovis aries* sp. y *Capra hircus* sp.). (2007)

Resumen

IRIARTE A. , ARTIGAS R. , IRIARTE W. , DE SOTO L. , POSTIGLIONI A.

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Página inicial: 28

Página final: 28

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Bioinformática

Medio de divulgación: Papel

http://www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Identificación de Heterocromatinas en cromosomas de bovinos criollos sub-fértiles (1;29). Efectos Epigenéticos. (2007)

Resumen

POSTIGLIONI A. , DE SOTO L. , ARTIGAS R. , IRIARTE W. , IRIARTE A. , LLAMBÍ S. , DE BETHENCOURT M.

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Página inicial: 27

Página final: 27

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel

http://www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Distribución de los cromosomas mono y bibrachiados bovinos en compartimientos territoriales de núcleos interfásicos. (2007)

Resumen

IRIARTE W. , DE SOTO L. , ARTIGAS R. , IRIARTE A. , LLAMBÍ S. , DE BETHENCOURT M. , POSTIGLIONI A.

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Página inicial: 87

Página final: 87

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel

http://www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Caracterización genética de dos poblaciones de bovinos de carne con introgresión de criollos uruguayos. (2007)

Resumen

POSTIGLIONI A. , ARMSTRONG E. , PEÑAGARICANO F. , CAFFARO M.J. , IRIARTE A. , ARTIGAS R. , BARBIERI G. , CAMIO G.

Evento: Nacional

Descripción: V Jornadas Técnicas Veterinarias

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2007

Anales/Proceedings: Actas de las V Jornadas Técnicas Veterinarias

Página inicial: 25

Página final: 25

Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Biología Molecular Aplicada
Medio de divulgación: Papel
www.fvet.edu.uy/jornadas_tecnicas/

Genoma mitocondrial parcial de siete especies de roedores caviomorfos. (2005)

Resumen
TOMASCO I., DA SILVA C., IRIARTE A., LESSA E.P.

Evento: Nacional
Descripción: VIII. Jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay.
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2005
Anales/Proceedings: Actas de las VIII jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay.
Página inicial: 35
Página final: 35
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular
Medio de divulgación: Papel
www.serpentario.edu.uy/szu/jornadas_general/jornadas.htm

Enfoque Citogenético y Bioinformático para el reordenamiento en Bos taurus. La reserva de Bovinos criollos del Uruguay como modelo de análisis cromosómico. (2005)

Resumen
ARTIGAS R., IRIARTE A., LLAMBÍ S., POSTIGLIONI A.

Evento: Nacional
Descripción: Jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2005
Anales/Proceedings: Actas de las VIII jornadas de la Sociedad Zoológica del Uruguay
Página inicial: 112
Página final: 112
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica
Medio de divulgación: Papel
http://www.serpentario.edu.uy/szu/jornadas_general/jornadas.htm

TEXTOS EN PERIÓDICOS O REVISTAS

Genómica: donde la nanotecnología, la biología molecular y la informática convergen para romper récords (2016)

Uruguay Ciencia v: 21, 1, 7
Revista
IRIARTE A., Sotelo-Silveira J.

Palabras clave: Secuenciación Masiva Genomas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica
Medio de divulgación: Papel
Fecha de publicación: 01/12/2015
Lugar de publicación: Uruguay
<http://www.uruguay-ciencia.com/>

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

CSIC, Programa Iniciación a la Investigación (2013 / 2017)

Uruguay

CSIC, Programa Iniciación a la Investigación
Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

COMITÉ EDITORIAL

Molecular Genetics and Genomics (2014 / 2014)

Cantidad: Menos de 5

The Journal of Microbiology (2013 / 2013)

Cantidad: Menos de 5

GENE (2012 / 2014)

Cantidad: De 5 a 20

Journal of Biomolecular Structure & Dynamics (2012 / 2012)

Cantidad: Menos de 5

REVISIONES

Genomics, Proteomics & Bioinformatics (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Scientific Reports (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

RESEARCH MICROBIOLOGY (2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

The Journal of Microbiology (2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

FEBS Letters (2016)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Archives of Virology (2016)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Genome Biology and Evolution (2015 / 2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Genomics (2015 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

PLOS One (2014 / 2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Molecular Biology and Evolution (2014)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Molecular Evolution (2010 / 2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Becas de Movilidad y Capacitación (ANII) (2016)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII

Vinculación con Científicos y Tecnólogos en el Exterior (2015)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII

Beca de Posgrado Docentes-Comisión Académica de Posgrado (CAP-UdelaR) (2015 / 2016)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
UdelaR

Becas de Posgrados Nacionales - Investigación Fundamental 2015 (2015)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII

Llamados Horas Docentes - IIBCE (2014 / 2015)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (IIBCE)-MEC

JURADO DE TESIS

Maestría en Ciencias Biológicas - PEDECIBA (2015 / 2017)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay
Nivel de formación: Maestría
1) Tesis Maestría - Lucía Graña. Director de tesis: Héctor Romero. Título: Estudios de composición nucleotídica y uso de codones en la familia Pelagibacteriaceae del ubicuo clado marino SAR11. Tribunal: Cecilia Alonso, Ivanna Tomasco y Andrés Iriarte. 2) Tesis de Maestría en Bioinformática - Santiago Fontenla. Directores de tesis: José Tort y Guilherme Correa de Oliveira. Título: "Análisis del perfil de expresión de microARNs en el estadio Juvenil de Fasciola hepatica e identificación de genes de las Vías de Regulación por ARN pequeños en Platelminfos". Tribunal: Dres. Fernando Álvarez-Valín, Alfonso Cayota y Andrés Iriarte. 3) Tesis de Maestría en Ciencias Biológicas - Javier Calvelo. Directores de tesis: Alejandro D'Anatro, Matías Feijoo y Enrique P. Lessa. Título: "Ensamblado del transcriptoma branquial del Pejerrey y búsqueda de selección positiva a nivel

molecular en Actinopterigios: aportes al estudio de la osmorregulación en peces." Tribunal: Dres. Héctor Romero, María José Arezo y Andrés Iriarte,

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Secuenciado y estudios evolutivos del genoma de la bacteria *Delftia* sp. JD2 y de la familia Comamonadaceae (2013-2016) (2016)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Eugenio Jara
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Secuenciación, ensamblado y anotación uso de codones sinónimos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Evolución molecular
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

GRADO

Familias multigénicas codificantes para proteínas de secreción y su rol adaptativo en el phylum Platyhelminthes (2017)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Mauricio Langleib
Medio de divulgación: Internet
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Genómica Comparativa Duplicación génica Gusanos planos
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica evolutiva

¿Cómo evolucionan los ARN pequeños de *Salmonella*? (2017)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Licenciado en Ciencias Biológicas
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Lucía Balestrazzi
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: genes no codificantes evolución molecular genómica microbiana enterobacterias
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica evolutiva

Genómica de *Echinococcus granulosus*: evolución molecular de glutatión transferasas de clase Mu (EgGST1) (2016)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Licenciatura en Bioquímica
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Pilar dos Santos
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: anotación expresión diferencial análisis filogenético
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Estudio del sesgo en el uso de codones sinónimos en regiones transmembrana en bacterias (2011)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Eugenio Jara

Medio de divulgación: Otros

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Proteínas transmembrana Selección en la traducción

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Firmas moleculares en el superreino Archaea (2010)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Lucía Leytón

Medio de divulgación: Papel

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: indels Archaea

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Introducción al análisis bioinformático del gen TRO (trofinina) en bovinos. (2010)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Asesor/Orientador

Nombre del orientado: Manuela Silveira

Medio de divulgación: Papel

País/Idioma: Uruguay, Español

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Uso de codones en Enterobacteriaceae; hacia la detección de codones óptimos ancestrales (2009)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Juan Diego Baraibar

Medio de divulgación: Papel

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Uso de Codones Enterobacteriaceae

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

cita asociada: BARAIBAR JD.; Iriarte A.; ROMERO H.; MUSTO H. Codon usage analysis in Enterobacteriaceae towards the detection of ancestral optimal triplets. In: Darwin 200 South American Celebration, 2009 Punta del Este, Maldonado. 2009. Palabras Clave: codon usage; Enterobacteriaceae; Reconstruction of ancestral states

Estudio de la cromatina en ovinos Criollos Uruguayos. Acción de agentes clastogénicos. (2008)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas
Tipo de orientación: Asesor/Orientador
Nombre del orientado: Franko Graziano
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Estudio de polimorfismos del receptor de la hormona estimulante de melanocitos (MC1R) y su relación con el cáncer de ojo en Ganado Hereford (2007)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Programa: Licenciatura en Bioquímica
Tipo de orientación: Asesor/Orientador
Nombre del orientado: María Jose Di Mauro
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia
Asesoramiento en el manejo y uso de herramientas de análisis de secuencias.

OTRAS

Pasantía de estudiante Doctoral del Instituto IMPaM UBA-CONICET (Facultad de Medicina de la Universidad de Buenos Aires). (2015)

Otras tutorías/orientaciones
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Elisabet Vilacoba
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Genómica Comparativa Actinobacter Ensamblado y anotación de genomas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Estudio de la asociación de todo el genoma en fenotipos complejos en el género Salmonella (2018)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) , Uruguay
Programa: Maestría en Biología
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Lucía Balestrazzi
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Genómica Funcional invasividad Enterobacterias
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica
El proyecto es dirigido junto al Dr. Francisco Peñaricano, del Dept. of Animal Sciences, University of Florida, Estados Unidos.

Análisis de la respuesta transcripcional de cepas de S. enterica con características patogénicas diferenciales (2017)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología (PEDECIBA) , Uruguay
Programa: Maestría en Biología
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Virginia Cantera
País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Genómica Funcional Enterobacterias Biología Computacional
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica funcional

CARACTERIZACIÓN FENOTÍPICA Y GENOTÍPICA DE CEPAS DE ESCHERICHIA COLI PRODUCTORAS DE TOXINA SHIGA (O157 Y NO O157) PROVENIENTES DE ALIMENTOS, GANADO Y CASOS CLÍNICOS. IDENTIFICACIÓN DE NUEVOS BLANCOS ÚTILES PARA SU DETECCIÓN Y CONTROL (2016)

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Biotecnología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Sylvia Vázquez Zeballos
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: E. coli enterohemorrágica STEC PFGE Genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Roles ecológicos y conflictos antrópicos de los zorros del Uruguay (2015)

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Natalia Mannisse
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: NGS Conservación Barcodes
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Biología computacional
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Análisis genómico de *Cylindrospermopsis raciborskii*: evolución y biogeografía de su toxicidad (2014)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Paula Vico
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: cyanobacteria cylindrospermopsin, anatoxin-a and saxitoxin
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica comparativa

Identificación de mecanismos y nuevos actores moleculares involucrados en el proceso de FBN en β -rizobios, utilizando una aproximación genómica funcional (2014)

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: María Cecilia Rodríguez Esperón
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: Transcriptómica, RNAseq Nodulación y fijación biológica de nitrógeno Beta-proteobacterias
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica funcional

Análisis filogenético de SRP en el reino fungi y estudio de la subunidad SRP54 en el direccionamiento de proteínas de membrana (2014)

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Marcelo Veyga Pelayo

Medio de divulgación: Otros

País/Idioma: Uruguay, Español

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en University of Florida, Gainesville, FL, USA. (2015)

(Nacional)

ANII - Beca de Movilidad

Premio Elio García-Austt a la mejor Tesis de Doctorado 2013 (2014)

(Nacional)

PEDECIBA

El premio se concede a la mejor Tesis de Doctorado, desarrollada principalmente en el país y que constituye un aporte relevante al conocimiento científico en su área de estudio. El Tribunal que entiende en la adjudicación del premio está constituido por 3 miembros designados por el CCA Biología. En todos los casos el Tribunal estará formado por destacados investigadores Grados 4 y/o 5 del Área Biología.

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en University of Madison-Wisconsin, WI, USA. (2014)

(Nacional)

CSIC - Programa Pasantías en el Exterior

Financiación de posición Postdoctoral (Asistente en Investigación) en IPMont. (2013)

(Internacional)

IPMont

Financiación de posición Postdoctoral (Contrato de Investigación) (2013)

(Internacional)

IIBCE - Instituto de Investigaciones Biológicas "Clemente Estable"

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en Mississippi State University, USA. (2012)

(Nacional)

CSIC - Programa Pasantías en el Exterior

Beca de posgrado nacional (2011)

(Nacional)

Agencia Nacional de Investigación e Innovación

El directorio de la ANII, atendiendo a la recomendación del CESBE aprobó la solicitud de la beca.

Financiación total de la pasantía a desarrollarse en UC Davis, California, USA. (2011)

(Nacional)

CSIC - Programa de pasantías en el exterior

El cierre del primer llamado del ejercicio 2011 del Programa de Pasantías en el Exterior fue el 19 de octubre de 2010.

Beca de Posgrado para docentes (2010)

(Nacional)

Comisión Académica de Posgrado, Udelar

La Comisión Académica de Posgrado de la Universidad de la República otorgará becas de apoyo a docentes para realizar estudios de doctorado de la Universidad de la República. Monto equivalente a Grado 2, 40 horas semanales, 24 meses, a partir de la aprobación del CDC de las becas otorgadas. La selección de los estudiantes becados la realizó por la Comisión Académica de Posgrado tomando en cuenta los antecedentes académicos del postulante.

Beca de Estudio (2000)

(Internacional)

St. Clares International College, Oxford, Inglaterra

Curso de Perfeccionamiento general. Además de Guided Self-Access (Técnicas Autodidactas) e inglés de negocios.

PRESENTACIONES EN EVENTOS

Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética. (2008)

Congreso

ESTUDIO DE LA ASOCIACIÓN ENTRE DIVERGENCIA MOLECULAR Y POSIBLES EVENTOS DE ESPECIACIÓN CROMOSÓMICA ENTRE *Bos taurus* y *Ovis aries*.

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 3

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética.

Palabras Clave: Genómica Bio-informática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica, Evolución Molecular

Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética. (2008)

Congreso

Efectos de la 5-Azacidina-C sobre la cromatina de bovinos Criollos portadores de la translocación Robertsoniana (*rob1;29*).

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 3

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética.

Palabras Clave: 5-azacidina-C Cromatina Bovinos Criollos

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Encuentro Enseñanza-aprendizaje (2005)

Seminario

Aplicación de metodologías de enseñanza-aprendizaje en Genética Veterinaria.

Uruguay

Tipo de participación: Otros

Carga horaria: 4

Nombre de la institución promotora: Facultad de Ciencias.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales / Enseñanza

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	69
Artículos publicados en revistas científicas	44
Completo	41
Resumen	3
Artículos aceptados para publicación en revistas científicas	4
Completo	4
Trabajos en eventos	19

Libros y Capítulos	1
Capítulos de libro publicado	1
Textos en periódicos	1
Revistas	1
EVALUACIONES	22
Evaluación de proyectos	1
Evaluación de publicaciones	15
Evaluación de convocatorias concursables	5
Jurado de tesis	1
FORMACIÓN RRHH	18
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	11
Tesis/Monografía de grado	9
Tesis de maestría	1
Otras tutorías/orientaciones	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	7
Tesis de maestría	4
Tesis de doctorado	3