



FACUNDO MATIAS
GIORELLO RETAMAR

Biólogo

facundo.giorello@cut.edu.uy

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Iniciación (Activo)

Fecha de publicación: 19/03/2026
Última actualización: 12/12/2025

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Centro Universitario Tacuarembó / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Centro Universitario Tacuarembó / Sector Educación Superior/Público

Dirección: Ruta 5 km. 386,200 / 45000

País: Uruguay / Tacuarembó / Tacuarembó

Teléfono: 46323911

Correo electrónico/Sitio Web: facundo.giorello@cut.edu.uy

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2015 - 2019)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Genómica de los procesos de colonización en la región austral de Sudamérica

Tutor/es: Enrique Pablo Lessa Gallinal

Obtención del título: 2019

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética de Poblaciones

MAESTRÍA

Maestría en Bioinformática (UDELAR-PEDECIBA) (2011 - 2014)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Caracterización del transcriptoma de riñón del ratón oliváceo sudamericano *Abrothrix olivacea*

Tutor/es: Enrique Pablo Lessa Gallinal, Ricardo Fraiman

Obtención del título: 2014

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Palabras Clave: Secuenciación masiva Transcriptoma Poblaciones naturales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2005 - 2010)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Análisis preliminar de la estructura poblacional del lobo fino,

Arctocephalus australis, en el Uruguay
Tutor/es: Enrique Pablo Lessa Gallinal
Obtención del título: 2010
Palabras Clave: Genética de poblaciones Microsatélites
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ecología molecular

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Introducción a la Programación con el Paquete Estadístico R (01/2011 - 01/2011)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Temas en Análisis de Secuencias (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería , Uruguay
15 horas

Bases de la Genética Cuantitativa (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía ,
Uruguay
40 horas

Idiomas

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende bien / Habla regular / Lee muy bien / Escribe regular

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ecología molecular

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética de Poblaciones

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica Comparada

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (12/2018 - a la fecha)

1 hora semanal

Becario (11/2015 - 11/2018)

Estudiante de Doctorado 30 horas semanales
Escalafón: No Docente

Colaborador (02/2014 - 11/2015)

Colaborador Honorario. 10 horas semanales
Escalafón: No Docente

Becario (03/2012 - 02/2014)

Estudiante de Maestría 30 horas semanales
Escalafón: No Docente
Cargo: Interino

ACTIVIDADES**LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN****La Patagonia postglaciar: respuestas evolutivas de los pequeños mamíferos al cambio climático. (03/2012 - 08/2021)**

Este proyecto de largo plazo busca comprender la diversidad actual y la historia de los pequeños mamíferos de la región Patagónica (incluyendo Tierra del Fuego) utilizando herramientas de la sistemática y la genética de las poblaciones.

10 horas semanales , Otros

Equipo: LESSA, EP. , GIORELLO FM

Palabras clave: Bioinformática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Bioinformática

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO**Estatus taxonómico la especie tipo de los tucu-tucos (*Ctenomys brasiliensis* Blainville 1826): una aproximación multilocus para estimar filogenia y eventos de hibridación (01/2015 - 06/2018)**

CSIC I+D 2014.

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Equipo: GIORELLO FM

Genómica de los Procesos de Colonización en la Región Austral de América del Sur (08/2015 - 10/2017)

Fondo Clemente Estable ANII.

30 horas semanales

Desarrollo

Integrante del Equipo

Concluido

Equipo: Facundo Matias GIORELLO RETAMAR

Efectos del aislamiento geográfico y la divergencia adaptativa en la diversificación de roedores de la Patagonia (03/2012 - 05/2015)

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Equipo:

Caracterización y análisis de la expresión génica del transcriptoma de riñón de *Abrothrix olivacea* (03/2013 - 08/2014)

El ratón oliváceo, *Abrothrix olivacea* (Waterhouse 1837), habita un gran variedad de ambientes en la región austral de América del Sur y cuenta a lo largo de su gran distribución con numerosas

subespecies. Dada su capacidad de establecer y habitar ambientes notoriamente contrastantes, el ratón oliváceo se presenta como una especie interesante para estudiar la variación geográfica en respuesta a la variación ambiental. Dada la gran diferencia en precipitación que existe entre algunas regiones en las que habita, en este trabajo decidimos caracterizar el transcriptoma de riñón de *A. olivacea*. Con el propósito de establecer un transcriptoma renal de referencia, trabajamos con 13 individuos de cuatro puntos geográficos distintos, cubriendo así en gran medida la distribución del ratón oliváceo y evaluamos la capacidad de ensamblado de varias estrategias. Por otro lado, caracterizamos los genes de más alta expresión entre los 13 individuos y los comparamos con los descriptos en ratón.

30 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Equipo:

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Centro Universitario Tacuarembó

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (05/2017 - a la fecha) Trabajo relevante

Prof. Adj. Genética Vegetal 40 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 3

Cargo: Efectivo

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Genómica y Transcriptómica de Eucalyptus (06/2017 - a la fecha)

En esta línea de investigación buscamos dilucidar, mediante una aproximación genómica, qué mecanismos moleculares están detrás del cambio de follaje en *Eucalyptus globulus*. Esta línea de investigación se desarrolla en colaboración con INIA Tacuarembó.

10 horas semanales , Integrante del equipo

Equipo: Facundo Matias GIORELLO RETAMAR

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Caracterización de las duplicaciones génicas en eucaliptos (06/2023 - a la fecha)

En este proyecto pretendemos estudiar las duplicaciones génicas en varias especies de *Eucalyptus*, así como identificar los genes localizados en las regiones duplicadas.

20 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GIORELLO FM (Responsable) , FARIAS, J (Responsable)

Evaluando el potencial de la secuenciación por nanoporos para identificar duplicaciones génicas en tándem en Eucaliptos (03/2024 - a la fecha)

Estudios genómicos apuntan a las duplicaciones en tándem como principal mecanismo evolutivo de los Eucaliptos. Sin embargo, las aproximaciones típicas para detectar duplicaciones parte de genomas ensamblados y anotados. Tanto el ensamblado como la anotación son procesos complejos, especialmente si se pretende identificar con precisión duplicaciones génicas. En este proyecto planteamos identificar y evaluar las duplicaciones en tándem mediante la secuenciación por nanoporos, prescindiendo del ensamblado genómico.

15 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

Equipo: GIORELLO FM (Responsable) , FARIAS, J

Evaluando el potencial del mecanismo de RNA de interferencia como herramienta para el análisis funcional de genes en Eucalyptus (06/2025 - a la fecha)

Código: FCE_3_2024_1_180858 En el presente proyecto buscaremos poner a punto la técnica SIGS en Eucalyptus, con el objetivo de modificar el patrón de expresión génica a través del mecanismo de RNAi, utilizando dsRNA exógenos.

10 horas semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GIORELLO FM , Patricia Cecilia BASILE LORENZO , Joaquina FARIAS COLMAN (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biotecnología vegetal

Genómica de la adaptación del gecko exótico Hemidactylus mabouia (Squamata, Gekkonidae) en el límite sur de su rango invasor en las Américas (03/2025 - a la fecha)

Código: FCE_3_2024_1_180890 Esta propuesta busca aportar al entendimiento de las invasiones biológicas desde la perspectiva de la genómica evolutiva como base para el diseño de estrategias de monitoreo y manejo de especies exóticas invasoras que generan impactos considerables en la biodiversidad y las actividades productivas a nivel global.

10 horas semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GIORELLO FM , Joaquín VILLAMIL LAMAS (Responsable) , Nelida RODRIGUEZ OSORIO , Arley CAMARGO BENTABERRY , Tiago Gomes dos Santos , Mauro Leonel Martinez Villar (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica de poblaciones

Desarrollo de herramientas moleculares para la detección temprana de cepas Botrytis cinerea hipervirulentas y resistentes a fungicidas en cultivos forestales en vivero (12/2025 - a la fecha)

Este proyecto se propone caracterizar la diversidad genética y la estructura poblacional de esta especie en Uruguay, correlacionando sus genotipos con la virulencia, la resistencia a fungicidas y la distribución geográfica.

1 hora semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

Equipo: GIORELLO FM

Identificación de ARNs pequeños involucrados en la respuesta al estrés por frío en Eucalyptus grandis (02/2022 - 03/2024)

El objetivo del proyecto es estudiar cuál es la respuesta mediada por ARNs pequeños frente al estrés por frío en plantas jóvenes de E. grandis, una de las especies de Eucalyptus más plantadas en nuestro país. Los resultados del presente proyecto aportarán datos relevantes sobre el mecanismo de silenciamiento génico en E. grandis y permitirán caracterizar la respuesta al frío mediada por ARNs pequeños y los blancos génicos que cada uno de ellos regula. Por otro lado, estos datos podrán ser potencialmente utilizados por programas de selección y mejoramiento de la especie en busca de seleccionar aquellos clones más tolerantes al estrés por frío.

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Dirección de Innovación, Ciencia y Tecnología, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: FARIAS, J (Responsable) , GIORELLO FM

Caracterización de los genes involucrados en el cambio de follaje de Eucalyptus globulus (06/2018 - 06/2021)

Actualmente los productos forestales son segundo rubro exportador más importante de nuestro país. El Eucalipto blanco (*Eucalyptus globulus*) es una de las especies forestales más utilizada debido a su excelente madera para la producción de pulpa de celulosa y papel, y por lo cual existe una gran demanda en el mercado internacional y altos precios de venta. De las enfermedades que lo afecta, la más importante, por su impacto productivo, es la Mancha Foliar provocadas por el hongo patógeno *Teratosphaeria nubilosa*. Este infecta sus hojas, pero causa daños irreparables en las hojas juveniles, provocando manchas necróticas, defoliación, muerte de ápices y ramas, y en combinación con heladas genera importante mortalidad de árboles. Por esta razón esta especie está siendo reemplazada por otras más resistentes, pero con menor valor comercial, provocando pérdidas económicas. Si no se encuentra una solución a este problema, la plantación de *E. globulus* podría ser totalmente abandonada en el país. Estudios de mejoramiento genético no encontraron individuos con resistencia a este patógeno, pero sí una gran variabilidad en el momento en el que se inicia el cambio de follaje de juvenil a adulto. Esto indica que los esfuerzos deben dirigirse a seleccionar árboles que precozmente cambien el follaje, para así lograr una resistencia por "escape" al patógeno. El presente proyecto propone identificar las bases genéticas del cambio de follaje utilizando la tecnología de secuenciación masiva del ADN, la cual es potente y con una excelente relación costo-beneficio (pool-GWAS). Para esto identificaremos individuos de *E. globulus* precoces y tardíos y analizaremos las variantes genéticas entre estos grupos. Con estos resultados contribuiremos al entendimiento de un proceso general como es el cambio de follaje en *Eucalyptus*, e identificaremos genes asociados al cambio de follaje. Esto permitirá el desarrollo y planeamiento de futuros trabajos de mejoramiento genético de *E. globulus*.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Financiación:

Dirección para el desarrollo de la ciencia y el conocimiento, Uruguay, Otra

Equipo: Da Silva C. C. (Responsable), GIORELLO FM

DOCENCIA

Carrera Ingeniería Forestal del CUT- UdelaR (07/2017 - a la fecha)

Grado

Responsable

Asignaturas:

Genética Vegetal, 90 horas, Teórico-Práctico

Carrera Ingeniería Forestal del CUT- UdelaR (07/2018 - a la fecha)

Grado

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Introducción a Genética Cuantitativa y de Poblaciones, 80 horas, Teórico-Práctico

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Química

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (08/2015 - 11/2020)

1 hora semanal

Funcionario/Empleado (04/2015 - 08/2015)

Grado 17 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (01/2015 - 03/2015)

10 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (09/2013 - 12/2014)

30 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudio genómico de *Hanseniaspora vineae* (09/2013 - 11/2020)

Caracterización genómica y transcriptómica de *Hanseniaspora vineae*.
Aplicada
7 horas semanales , Integrante del equipo
Equipo: CARRAU, F. , GIORELLO FM

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Producción y aplicación de una cepa de levaduras nativa *Hanseniaspora vineae* para la vinificación de vinos Tannat para la exportación (09/2013 - 02/2015)

30 horas semanales
Investigación
Integrante del Equipo
Cancelado
Equipo:

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - MINISTERIO DE EDUCACIÓN Y CULTURA - URUGUAY

Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (11/2015 - 08/2017)

Colaborador Honorario. 5 horas semanales

Funcionario/Empleado (10/2014 - 10/2015)

Grado 1 20 horas semanales

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudio genómico de *Proteus mirabilis* (10/2014 - 10/2015)

Aplicada
20 horas semanales , Integrante del equipo
Equipo:

Análisis transcritoómico de pacientes con infarto agudo de miocardio. (10/2014 - 10/2015)

Aplicada
30 horas semanales , Integrante del equipo
Equipo:

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Generación de un método basado en secuenciación masiva para detectar organismos nocivos en muestras de agua (01/2016 - 03/2019)

Fondo María Viñas ANII. 2014.
5 horas semanales
Investigación

Integrante del Equipo
Cancelado
Equipo: Facundo Matias GIORELLO RETAMAR

**SECTOR ENSEÑANZA TÉCNICO-PROFESIONAL/SECUNDARIA/PÚBLICO - ADMINISTRACIÓN
NACIONAL DE EDUCACIÓN PÚBLICA - URUGUAY**

Instituto de Profesores Artigas

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (02/2014 - 02/2014)

Docente 5 horas semanales

ACTIVIDADES

EXTENSIÓN

(02/2014 - 02/2014)

5 horas

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Universidad Austral de Chile

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (02/2014 - 02/2014)

Pasante 40 horas semanales
Pasantía. Análisis transcriptómico de *Abrothrix Hirta*.

Otro (11/2012 - 11/2012)

Pasante 40 horas semanales
Pasantía. Análisis transcriptómico de *Abrothrix olivacea*.

ACTIVIDADES

PASANTÍAS

(02/2014 - 02/2014)

40 horas semanales

(11/2012 - 11/2012)

40 horas semanales

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas
Carga horaria de investigación: 40 horas
Carga horaria de formación RRHH: Sin horas
Carga horaria de extensión: Sin horas
Carga horaria de gestión: Sin horas

Producción científica/tecnológica

Las áreas en las que he trabajado y estoy trabajando son varias, genómica comparada, transcriptómica, ecología molecular, evolución molecular, genética de poblaciones y genética cuantitativa. Cada una de estas áreas siempre han tenido a la biología evolutiva como área transversal y principal.

En genética de poblaciones, en mi trabajo más importante, estudié, en conjunto con el Dr. Enrique

Lessa la respuesta demográfica de un ratón patagónico a los ciclos glaciares Pleistocénicos. Con este trabajo establecimos posibles refugios para la especie particular, contribuyendo así a comprender la respuesta de los mamíferos de la región austral de sudamérica a los ciclos glaciares.

En genómica comparada mi trabajo principal lo realicé en la levadura *Hanseniaspora vineae*, en conjunto con el Dr. Francisco Carrau y su grupo. En este trabajo asociamos duplicaciones y ausencias génicas presentes en la especie, con su perfil de producción de acetatos, éster y alcoholes que afectan la calidad del vino.

Actualmente me encuentro trabajando en el CENUR Noreste en varias líneas de investigación, todas ellas centradas en el género *Eucalyptus*. Hemos estado evaluando, con la Dra. Cecilia Da Silva y el Dr. Gustavo Balmelli, una aproximación "costo-efectiva" para caracterizar las bases genéticas de la heteroblastia en *Eucalyptus globulus*. Con esta aproximación, denominada XP-GWAS, hemos obtenido resultados prometedores para las características con moderada a alta heredabilidad. Por otro lado, me encuentro colaborando con la Dra. Joaquina Fariás, para caracterizar la respuesta transcriptómica al frío de *E. globulus*, con especial énfasis en microRNAs. El objetivo final es enriquecer el conocimiento limitado que existe en relación a los microRNA en eucaliptos, tanto en su respuesta al frío como, en un futuro, a otros factores abióticos como bióticos. Finalmente, estoy liderando una línea de investigación que busca caracterizar las duplicaciones génicas, especialmente aquellas en tándem, en varias especies del género *Eucalyptus*. Las duplicaciones génicas ofrece material clave para la adaptación en las especies e interesantemente los eucaliptos son uno de los clados con mayor número de duplicaciones en tándem de los estudiados hasta ahora. Su estudio, por tanto, ayudará a comprender qué diferencias entre las especies de eucaliptos se pueden atribuir a la dinámica duplicativa diferencial entre ellas.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Differential expression analyses and detection of SNP loci associated with environmental variables: Are salinity and temperature factors involved in population differentiation and speciation in *Odontesthes*? (Completo, 2024)

D'ANATRO A , CALVELO J , FEIJOO M. , GIORELLO FM
Comparative Biochemistry and Physiology Part D Genomics and Proteomics, 2024
ISSN: 1744117X
[WEB OF SCIENCE™ Scopus'](#)

Evaluating the potential of XP-GWAS in *Eucalyptus*: Leaf heteroblasty as a case study (Completo, 2023)

GIORELLO FM
Plant Gene, 2023
ISSN: 23524073
[WEB OF SCIENCE™ Scopus'](#)

Single-step genome-wide association study for susceptibility to *Teratosphaeria nubilosa* and precocity of vegetative phase change in *Eucalyptus globulus* (Completo, 2023)

QUEZADA M , GIORELLO FM , Da Silva C. C. , I. AGUILAR , BALMELLI, G.
Frontiers in Plant Science, 2023
E-ISSN: 1664462X
[WEB OF SCIENCE™ Scopus'](#)

The contribution of incomplete lineage sorting and introgression to the evolutionary history of the fast-evolving genus *Ctenomys* (Rodentia, Ctenomyidae) (Completo, 2022)

IVANNA H. TOMASCO , GIORELLO FM , BOULLOSA N. , FEIJOO M. , LANZONE C. , LESSA, EP.
Molecular Phylogenetics and Evolution, 2022
ISSN: 10557903
E-ISSN: 10959513
[Scopus'](#)

Genomic footprints of Quaternary colonization and population expansion in the Patagonian?Fuegian region rules out a separate southern refugium in Tierra del Fuego (Completo, 2021) Trabajo relevante

GIORELLO FM , Guillermo D'Elia , LESSA, EP.
Journal of Biogeography, 2021
E-ISSN: 13652699
WEB OF SCIENCE™ Scopus'

Positive Selection in the Chloroplastic ATP-Synthase Beta-Subunit and Its Relation to Virulence Factors (Completo, 2020) Trabajo relevante

GIORELLO FM , FARIAS, J
Journal of Molecular Evolution, 2020
ISSN: 00222844
E-ISSN: 14321432
DOI: <https://doi.org/10.1007/s00239-020-09968-8>
WEB OF SCIENCE™ Scopus'

Genomic and Transcriptomic Basis of *Hanseniaspora vineae*'s Impact on Flavor Diversity and Wine Quality (Completo, 2019) Trabajo relevante

GIORELLO FM , Valera JM , VALENTINA MARTÍN , PARADA A , Salzman V , Camesasca L , Fariña L , BOIDO, E. , Medina K , DELLACASSA, E , BERNA, L. , AGUILAR, PS , Mas A , GAGGERO, C. , CARRAU, F.
Applied and Environmental Microbiology, 2019
ISSN: 00992240
E-ISSN: 10985336
WEB OF SCIENCE™ Scopus'

An association between differential expression and genetic divergence in the Patagonian olive mouse (*Abrothrix olivacea*) (Completo, 2018) Trabajo relevante

FACUNDO M. GIORELLO , MATIAS FEIJOO , GUILLERMO D'ELÍA , DANIEL E. NAYA , LOURDES VALDEZ , JUAN C. OPAZO , ENRIQUE P. LESSA
Molecular Ecology, 2018
ISSN: 09621083
E-ISSN: 1365294X
WEB OF SCIENCE™ Scopus'

Analysis of the NCR Mechanisms in *Hanseniaspora vineae* and *Saccharomyces cerevisiae* During Winemaking (Completo, 2018)

Lleixà J , VALENTINA MARTÍN , GIORELLO FM , Portillo C , CARRAU, F. , Beltrán G , Mas A
Frontiers in Genetics, 2018
E-ISSN: 16648021
WEB OF SCIENCE™ Scopus'

De-novo assembly and transcriptome analysis of *Odontesthes argentinensis* gill tissue, with development of Single Sequence Repeat markers (Completo, 2018)

Calvelo J , Feijoo M , GIORELLO FM , D'Anatro, A.
Gene Reports, 2018
ISSN: 24520144
WEB OF SCIENCE™ Scopus'

Testing for the Occurrence of Selective Episodes During the Divergence of Otophysan Fishes: Insights from Mitogenomics (Completo, 2017)

DANATRO A , GIORELLO FM , FEIJOO M , LESSA EP
Journal of Molecular Evolution, 2017
ISSN: 00222844
E-ISSN: 14321432
WEB OF SCIENCE™ Scopus'

Draft Genome and Gene Annotation of the Uropathogenic *Proteus mirabilis* Pr292 (Completo, 2016)

GIORELLO FM , ROMERO V , FARIAS J , SCAVONE PAOLA , UMPIÉRREZ A , ZUNINO P , SOTELO-SILVEIRA J
Genome Announcements, 2016
E-ISSN: 21698287

De novo Synthesis of Benzenoid Compounds by the yeast *Hanseniaspora vineae* Increases Flavor Diversity of Wines (Completo, 2016)

MARTIN V , GIORELLO FM , FARIÑA L , MINTEGUIAGA M , SALZMAN V , BOIDO E , AGUILAR P , GAGGERO C , EDUARDO DELLACASSA , MAS A , CARRAU F

Journal of Agricultural and Food Chemistry, 2016

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00218561

E-ISSN: 15205118

DOI: [10.1021/acs.jafc.5b05442](https://doi.org/10.1021/acs.jafc.5b05442)

WEB OF SCIENCE™ Scopus® 

Effect of yeast assimilable nitrogen on the synthesis of phenolic aroma compounds by *Hanseniaspora vineae* strains (Completo, 2016)

MARTIN V , BOIDO E , GIORELLO FM , EDUARDO DELLACASSA , MAS A , CARRAU F
Yeast, 2016

Palabras clave: phenylpropanoids *Hanseniaspora vineae*wine aroma compounds non-Saccharomyces

ISSN: 0749503X

E-ISSN: 10970061

DOI: [10.1002/yea.3159](https://doi.org/10.1002/yea.3159)

<http://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1002/yea.3159/full>

WEB OF SCIENCE™ Scopus® 

Characterization of the Kidney Transcriptome of the Long-Haired Mouse *Abrothrix hirta* (Rodentia, Sigmodontinae) and Comparison with That of the Olive Mouse *A. olivacea* (Completo, 2015)

VALDEZ L , GIORELLO FM , FEIJOO M , OPAZO J.C , LESSA E.P , NAYA DE , DELIA G
PLoS ONE, 2015

E-ISSN: 19326203

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Genome sequence of the native apiculate wine yeast *Hanseniaspora vineae* T02/19AF (Completo, 2014)

GIORELLO FM , BERNA L , GREIF G , CAMESASCA L , SALZMAN V , MEDINA K , ROBELLO C , GAGGERO C , AGUILAR P , CARRAU F

Genome Announcements, 2014

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 21698287

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Characterization of the Kidney Transcriptome of the South American Olive Mouse *Abrothrix olivacea* (Completo, 2014)

GIORELLO FM , FEIJOO M , DELIA G , VALDEZ L , OPAZO JC , VARAS V , NAYA DE , LESSA EP
BMC Genomics, 2014

E-ISSN: 14712164

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Evaluando el potencial del XP-GWAS en eucalyptus; la heteroblastia foliar como caso de estudio (2022)

GIORELLO FM , FARIAS , J , Basile, Patricia , BALMELLI , G . , Da Silva C. C.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Año del evento: 2022

Anales/Proceedings: Physiological Mini-Reviews

ISSN/ISBN: 1669-5410

Medio de divulgación: Internet

<https://pmr.safisiol.org.ar>

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

FONCYT (PICT-2020-SERIEA) de la Agencia Nacional de Promoción de la Investigación, el Desarrollo Tecnológico y la Innovación (2021)

Argentina

Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

Molecular Biology and Evolution (2023)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Communications biology (2021)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

JURADO DE TESIS

Licenciatura en Biotecnología (2025 / 2025)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Privado / Universidad ORT Uruguay / Facultad de Ingeniería , Uruguay

Nivel de formación: Grado

Maestría en Biotecnología (2020)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Nivel de formación: Maestría

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2020)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay

Nivel de formación: Grado

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

GRADO

Búsqueda de genes candidatos relacionados a la precocidad del cambio de follaje en Eucalyptus globulus (2023 - 2024)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Centro Universitario

Tacuarembó , Uruguay

Programa: Ingeniería Forestal

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Facundo Acuña & Hugo Rodríguez

País: Uruguay

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Beca de Doctorado, Área Fundamental (2015)

(Nacional)

ANII

Fondo Clemente Estable, Modalidad III (2012)

(Nacional)

ANII

Beca de Maestría ANII, Área Fundamental (2011)

(Nacional)

ANII

PRESENTACIONES EN EVENTOS

III Congreso Nacional de Biociencias "Ciencia para el desarrollo sustentable" (2022)

Congreso

Evaluando el potencial del XP-GWAS en Eucalyptus; la heteroblastia foliar como caso de estudio

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Biología y Sociedad Uruguaya de Biociencias

Segundo Encuentro Bienal de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2020)

Congreso

Evidencia de selección positiva en la subunidad beta de la ATP-sintasa cloroplástica y su relación con factores de virulencia.

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Evolution 2019 (2019)

Congreso

Uncovering genes potentially under natural selection in Patagonian olive mouse (*Abrothrix olivacea*) using an exome capture approach

Estados Unidos

Tipo de participación: Poster

99th Annual Meeting and Centennial Celebration of the American Society of Mammalogist (2019)

Congreso

Genomic footprints of postglacial colonization in the Patagonian olive mouse (*Abrothrix olivacea*).

Estados Unidos

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: American Society of Mammalogists

9as Jornadas de la SBBM (2015)

Congreso

GENÓMICA FUNCIONAL DEL MICROAMBIENTE INTRACORONARIO DE PACIENTES CON INFARTO AGUDO DE MIOCARDIO

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

31st International Specialised Symposium on Yeast (2014)

Congreso

APPLICATION OF *Hanseniaspora vineae* STRAINS. SEARCHING FOR GENES TO EXPLAIN INCREASED FLAVOR COMPLEXITY IN WINES

Eslovenia

Tipo de participación: Otros

XXVI Jornadas Argentinas de Mastozoología (2013)

Congreso

Caracterización del transcriptoma de riñón de *Abrothrix olivaceus* (Cricetidae, Sigmodontinae)
Argentina
Tipo de participación: Expositor oral Palabras Clave: Bioinformática Transcriptómica

XXVI Jornadas Argentinas de Mastozoología (2013)

Congreso
Identificación de genes bajo selección positiva en base a nuevos transcriptomas de murciélagos del género *Uroderma*
Argentina
Tipo de participación: Poster

Evolution 2013 (2013)

Encuentro
Characterization of the renal transcriptome of the Patagonian long-haired grass mouse *Abrothrix longipilis* (Cricetidae, Sigmodontinae)
Estados Unidos
Tipo de participación: Poster

Segundas Jornadas de Genética del Uruguay (2011)

Congreso
Análisis preliminar de la estructura poblacional del lobo fino, *Arctocephalus australis*, en el Uruguay
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral Palabras Clave: Genética de poblaciones Microsatélites
Conservación de la Biodiversidad

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

Miembro de la comisión de Educación Permanente.

Indicadores de producción

ACTIVIDADES	23
Líneas de investigación	5
Proyectos Investigación Desarrollo	13
Docencia	2
Extensión	1
Pasantía	2
PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	18
Artículos publicados en revistas científicas	17
Completo	17
Trabajos en eventos	1
EVALUACIONES	6
Evaluación de proyectos	1
Evaluación de publicaciones	2
Jurado de tesis	3
FORMACIÓN RRHH	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	1

