



SOFÍA GRECCO PATIÑO

Lic



sgrecco@fcien.edu.uy

https://www.researchgate.net/profile/Sofia_Grecco

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Iniciación (Activo)

Fecha de publicación: 01/06/2026
Última actualización: 15/04/2026

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sector Educación Superior/Público / Sección Genética Evolutiva

Dirección: Iguá 4225 piso 5 / 11400

País: Uruguay / Montevideo / Montevideo

Teléfono: (00598) 25258618 / 141

Correo electrónico/Sitio Web:sgrecco@fcien.edu.uy

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

GRADO

Licenciatura en Bioquímica (2005)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Diagnóstico y caracterización de parvovirus canino en Uruguay durante 2012 y 2013

Tutor/es: Ruben Pérez Crossa

Obtención del título:

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

EN MARCHA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (2019)

Universidad de la República, Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva ,Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Origen, dispersión y evolución de variantes genéticas de parvovirus canino

Financiación:

Universidad de la República / Comisión Académica de Posgrado , Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral, evolución

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2015)

Universidad de la República, Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva ,Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Evolución de parvovirus canino en Sudamérica

Tutor/es: Ruben Pérez Crossa

Sitio web de la disertación/tesis/defensa: [Pasaje Maestría a Doctorado \(diciembre 2018\)](#)

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación ,

Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral, evolución

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

TC Training EVT2402162: Virtual Regional Training Course on Bioinformatics analysis of fish pathogens (08/2024 - 08/2024)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / International Atomic Energy Agency- Argentina , Argentina
24 horas

Entrenamiento para preparación de librerías, secuenciación y análisis bioinformático de Respiratory Pathogen ID/AMR Enrichment Panel Kit de Illumina (09/2023 - 09/2023)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Plataforma Genómica , Uruguay
20 horas

Curso Regional de Capacitación sobre Instrumentos Bioinformáticos para la Detección de Marcadores Moleculares asociados a la Resistencia a las Enfermedades en la Acuicultura. (11/2022 - 11/2022)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Fac de Medicina Veterinaria / Universidad de Chile , Chile

Taller de Análisis de Microbiotas (10/2022 - 10/2022)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay

Viral Genomics and Bioinformatics (Latin America) (06/2021 - 06/2021)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Trust Sanger Institute , Inglaterra

Bioinformatics for Biologists: An Introduction to Linux, Bash Scripting, and R (03/2021 - 03/2021)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Genome Campus , Inglaterra

Enseñar y aprender con representaciones visuales en la Universidad (08/2020 - 09/2020)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Veterinaria / Programa de Desarrollo Pedagógico Docente , Uruguay

O uso de Next Generation Sequencing no estudo da diversidade genética microbiana (09/2018 - 09/2018)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / International Congress of Genetics , Brasil

Programación, estructura de datos y algoritmos (03/2018 - 06/2018)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ingeniería / Bioinformática , Uruguay
40 horas

Palabras Clave: Programación Python Bioinformática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Python

Introducción a la línea de comando y a la programación para análisis bioinformáticos (02/2018 - 03/2018)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina / Instituto de Higiene , Uruguay
63 horas

Palabras Clave: Linux Biología computacional Programación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Análisis de coalescencia y filogeografía de genomas virales (11/2016 - 12/2016)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires , Argentina

40 horas

Palabras Clave: Virus Evolución Genética

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética y evolución viral

Técnicas metagenómicas de bioprospección (07/2016 - 07/2016)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay

60 horas

Palabras Clave: Metagenómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Herramientas bioinformáticas para el estudio de proteínas: visualizar, comprender y predecir (12/2015 - 12/2015)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

30 horas

Palabras Clave: Proteínas Bioinformática

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Pautas para la formulación de un proyecto de investigación en ciencias biológicas (12/2015 - 12/2015)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay

25 horas

Palabras Clave: Proyectos en ciencias biológicas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Taller para preparación de proyectos científicos

Estrategias moleculares en el diagnóstico y terapia del cáncer (08/2015 - 11/2015)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

36 horas

Palabras Clave: Cáncer

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Cáncer

Curso básico de cultivo de células (05/2015 - 05/2015)

Sector Gobierno/Público / Ministerio de Educación y Cultura / Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable , Uruguay

45 horas

Palabras Clave: Cultivo de células Biología celular

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Historia del concepto de gen (11/2014 - 11/2014)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

30 horas

Palabras Clave: Genética

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Tópicos en filogeografía (09/2014 - 10/2014)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Centro Universitario Rivera , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Evolución Filogeografía

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Filogeografía

Regulación de la expresión génica en eucariotas (05/2014 - 07/2014)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
50 horas

Palabras Clave: Biología molecular Regulación Eucariotas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Análisis de variabilidad genética en microorganismos (03/2013 - 06/2013)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva , Uruguay

76 horas

Palabras Clave: Genética microorganismos Variabilidad Evolución

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genética de microorganismos

Dinámica poblacional y patogénesis de virus ARN (10/2012 - 10/2012)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
26 horas

Palabras Clave: Virus ARN Evolución

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

1er Encuentro de Agrogenómica (2021)

Tipo: Encuentro

Alcance geográfico: Nacional

Taller Tecnologías de secuenciación de nueva generación para investigar la respuesta inmune humoral y celular (2017)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Sociedad Argentina de Virología, Argentina

Palabras Clave: Virología Secuenciación masiva

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Scientific Writing and Publishing Workshop (2015)

Tipo: Taller

Institución organizadora: American Society for Microbiology., Uruguay

Idiomas

Inglés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Actuación profesional

Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (08/2025 - a la fecha) Trabajo relevante

Asistente 30 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (09/2022 - 08/2025) Trabajo relevante

Asistente 30 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (04/2022 - 03/2023)

Asistente Proyecto CSIC Iniciación 20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (08/2021 - 10/2022)

Asistente Proyecto ANII-FCE 16 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Interino

Becario (03/2019 - 03/2022)

Beca de Doctorado CAP 30 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (08/2015 - 08/2021) Trabajo relevante

Ayudante 20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Efectivo

Becario (06/2017 - 09/2018)

Beca Maestría - ANII 30 horas semanales

Funcionario/Empleado (09/2014 - 03/2017)

Grado 1 Proyecto INIA FPTA 20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

Otro (08/2014 - 12/2014)

Ayudante honorario 4 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Honorario

Becario (08/2013 - 08/2014)

Grado 1 Beca Iniciación ANII 20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Otro (08/2012 - 12/2012)

Ayudante 4 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Honorario

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Genética de microorganismos (08/2013 - a la fecha)

Aplicación de herramientas genéticas y genómicas para el estudio de agentes virales que afectan la salud de animales domésticos y silvestres. Estudios de la epidemiología de las principales enfermedades que afectan a carnívoros, la Parvovirus canina y Distemper canino. Vigilancia genómica y análisis evolutivo de virus caninos. Diagnóstico molecular, aplicación de metodologías de multiplex-PCR acopladas a secuenciación masiva, análisis filogeográfico y filodinámico. Integración de estos estudios en un marco conceptual de Una Salud.

Mixta

20 horas semanales

Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva , Integrante del equipo

Equipo: GRECCO S. , PÉREZ R , PANZERA, Y. , Escardó, J

Palabras clave: Virus caninos Evolucion viral Vigilancia genómica Una salud

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Análisis metagenómico de la microbiota vaginal bovina y su rol en la preñez (03/2023 - a la fecha)

La salud reproductiva del ganado bovino es de crucial importancia en la industria ganadera mundial y en especial en nuestro país. En este contexto, el estudio de la microbiota vaginal bovina ha sido tema de investigación en los últimos años debido a su potencial relación con el estado reproductivo. En el marco del proyecto ANII-FCE (FCE_1_2019_1_155852) nuestro grupo encontró, como resultados preliminares, que si bien los animales estudiados no presentaban síntomas de enfermedades reproductivas, no todos respondieron de igual manera a la inseminación artificial. Nuestro próximo desafío es realizar un estudio más profundo en las muestras obtenidas, con enfoque de metagenómica por secuenciación del ADN total (shotgun). El objetivo del presente proyecto es realizar un análisis metagenómico de la microbiota de la región cervical del tracto reproductivo de bovinos sin síntomas de problemas reproductivos, al momento del estro, en la inseminación artificial, en casos de preñez y no preñez. Se construirán librerías, las cuáles se secuenciarán en el equipo Illumina Miniseq de la Plataforma Genómica de la Facultad de Ciencias. Las secuencias obtenidas se analizarán con diferentes herramientas informáticas para metagenómica. Se realizará un análisis comparativo del perfil taxonómico y funcional de la microbiota vaginal de ambos grupos estudiados. A su vez, los datos obtenidos se contrastarán con los disponibles en las bases de datos y en la bibliografía. Se espera Identificar microorganismos, genes o vías metabólicas posiblemente involucrados (estadísticamente correlacionados) con la predisposición de vacas sin síntomas de problemas reproductivos a su potencial de preñez. Se contará con una línea de base de información genómica que será importante en el aporte del conocimiento de la salud reproductiva bovina. Las metodologías desarrolladas y aplicadas aquí podrán ser utilizadas en otros estudios, teniendo un gran impacto en sectores ecológicos, de salud y productivos, como la industria ganadera del país.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GRECCO S. , Barcellos M. (Responsable) , CALLEROS L , PÉREZ R

Virus discovery: una exploración desde la metagenómica a la interfase animal-humano con un enfoque de Una Salud (06/2023 - a la fecha)

El período Antropoceno presenta como característica distintiva la ruptura de los equilibrios ecológicos. A partir de los años 80 se comenzó a observar la emergencia de nuevas enfermedades previamente no identificadas y rápidamente se identificó un patrón de origen y emergencia, claramente asociado a patógenos zoonóticos de fauna silvestre en regiones tropicales. En general estos procesos fueron asociados a cambios ambientales drásticos o modificaciones de hábitos humanos que promueven la interacción con fauna silvestre o un aumento de frecuencia de interacciones entre fauna silvestre y animales de producción. En este sentido las especies silvestres, exóticas e invasoras cumplen un rol preponderante, en virtud de que la sobreabundancia favorece la emergencia de patógenos. Los cérvidos son reservorios conocidos de algunos patógenos que pueden afectar la salud humana y del ganado doméstico y suelen jugar un rol clave en la amplificación de circuitos de infección en el medio silvestre y en la interfase con doméstico. En nuestro país, el ciervo Axis (*Axis axis*) es el principal ciervo exótico e invasor y se encuentra distribuido en gran parte del territorio nacional. Sin embargo, no hay estudios reportados en cuanto el espectro de familias virales patógenas de impacto en salud humana o animal que alberga, dado que es escasísima la investigación en este aspecto. En este proyecto nos proponemos desarrollar y validar una estrategia de investigación para abordar desde un punto de vista multidisciplinario y con un enfoque de Una Salud la ecología viral del ciervo Axis en nuestro país, a través del estudio del viroma mediante secuenciación metagenómica. Con este objetivo, se implementará un estudio en materia fecal de ejemplares de ciervo Axis agrupados en pools, de cinco regiones geográficas del país, así como muestras de espejos de agua en los que haya interacción con ganado doméstico y otras especies silvestres. Paralelamente, y como validación del enfoque se implementarán PCR en tiempo real (qPCR) y estudios serológicos para diversas familias virales de interés descritas bovinos en nuestro país, que hipotizamos pueden estar presentes en *Axis axis*. Este proyecto pretende, por un lado, identificar las familias y géneros de virus más frecuentemente encontrados en ciervos Axis en Uruguay y comenzar a indagar que rol podría cumplir en la epidemiología de las infecciones virales. Y a su vez, permitirá con un enfoque virómico descubrir e identificar nuevos virus con potencial zoonótico o epizootico.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Maestría/Magister prof:1

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: MIRAZO, S. , PANZERA, Y. , ARBIZA, J. , GRECCO S. , CANCELA F.

Vigilancia genómica en tiempo real de parvovirus y distemper canino (03/2024 - a la fecha)

Código: ANII-FCE_1_2023_1_176074 Aplicación de un protocolo basado en multiplex-PCR-NGS para la caracterización genómica de los virus caninos

10 horas semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GRECCO S. , PANZERA, Y. , PÉREZ R , Escardó, J

Palabras clave: CPV CDV Vigilancia genómica

Descifrando la relación entre las abejas melíferas y el ácaro Varroa destructor (09/2022 - 12/2023)

Código: ANII-FCE_3_2020_1_162302 Determinación de la comunidad viral presente en abejas susceptibles y resistentes a ácaro Varroa destructor

10 horas semanales

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: ARREDONDO, D. (Responsable) , GRECCO S. , PANZERA, Y.

Análisis de la evolución genómica en virus caninos (07/2020 - 04/2023)

El Grupo de Investigación de Genética de Microorganismos de la Facultad de Ciencias desarrolla un programa de investigación en patógenos e intenta mantener un programa continuo de relevamiento, caracterización genética y análisis de la evolución genómica de los patógenos en estudio. Las investigaciones en virus caninos, objeto de estudio del presente proyecto, se centran en los agentes responsables de las enfermedades de mayor relevancia en canes domésticos y carnívoros de la fauna silvestre, el virus distemper canino (CDV) y el parvovirus canino (CPV-2). Esta línea de investigación lleva años contribuyendo significativamente al conocimiento de estos patógenos, originando varias publicaciones científicas y formando diversos recursos humanos. La caracterización continua de estos agentes virales resulta fundamental para ajustar los planes de control sanitario a la realidad epidemiológica del territorio nacional y de los países en estudio. La salud de nuestros animales de compañía no solo los afecta a ellos, sino que también influye sobre los animales silvestres y la salud humana. El objetivo del presente proyecto es continuar avanzando con la caracterización genética y análisis de la evolución genómica de CDV y CPV-2 en Uruguay y Latinoamérica. Dichos análisis se llevarán a cabo mediante la obtención de genomas completos obtenidos mediante protocolos de secuenciación masiva o de alto rendimiento. Esto nos permitirá indagar y resolver varias de las interrogantes filodinámicas y evolutivas que persisten sobre la variabilidad genética y los diferentes mecanismos implicados (mutación, co-infección/recombinación y cuasiespecies).

15 horas semanales

Facultad de Ciencias , Sección Genética Evolutiva

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: PANZERA, Y. , PÉREZ R , MARANDINO A , GRECCO S. , Fuques E. , Condon E.

Palabras clave: Viroma NGS

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Determinación de la circulación de SARS-CoV-2 en perros y gatos de la ciudad de Montevideo convivientes con personas que sean positivos para COVID-19 (04/2022 - 03/2023)

Este proyecto busca determinar la presencia del virus SARS-CoV-2 en perros y gatos que convivan con casos de personas positivas a SARS-CoV-2 para mantener una vigilancia epidemiológica de las mascotas como posibles reservorios del virus.

20 horas semanales

Facultad de Ciencias , Sección Genética Evolutiva

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GRECCO S. , PANZERA, Y. , BENECH A , MIRAZO, S.

Estudio longitudinal de la microbiota bacteriana vaginal bovina a nivel taxonómico y su relación con el ciclo reproductivo (09/2021 - 10/2022)

Este proyecto está enfocado en analizar la composición de la microbiota vaginal bovina en relación al ciclo reproductivo. Mediante secuenciación masiva de un fragmento del gen 16S, se obtendrá un perfil taxonómico de la microbiota vaginal bacteriana de animales sanos. Se seleccionarán individuos de la misma raza, edad, peso, fase del ciclo reproductivo y estado sanitario y nutricional. Los individuos se muestrearán en distintos momentos del ciclo reproductivo.

16 horas semanales

Facultad de Ciencias , Sección Genética Evolutiva

Investigación
Integrante del Equipo
Concluido
RRHH formados en el proyecto:
Maestría/Magister:1
Doctorado:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: CALLEROS L , GRECCO S. , Barcellos M.

Optimización y transferencia de tecnologías de secuenciación masiva para la identificación y caracterización genómica de la comunidad de virus respiratorios humanos durante la pandemia de SARS-CoV-2 (07/2020 - 07/2021)

Utilización de técnicas de secuenciación masiva para la caracterización de virus respiratorios, incluidos SARS-CoV-2. Proyecto colaborativo de Facultad de Ciencias (Sección Genética Evolutiva y Sección Virología) y la Dirección de Laboratorios de Salud Pública del MSP.

10 horas semanales

Facultad de Ciencias , Sección Genética Evolutiva

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister prof:1

Doctorado:1

Equipo: GRECCO S. , PÉREZ R (Responsable) , PANZERA, Y. (Responsable) , CALLEROS L , MARANDINO A , TOMÁS, G , TECHERA C

Determinación de la circulación de coronavirus (SARS-CoV-2) en perros y gatos de la ciudad de Montevideo cuyos tutores sean COVID 19 negativos o positivos (05/2020 - 02/2021)

Proyecto CSIC - Conocimiento especializado para enfrentar la emergencia planteada por el COVID 19 y sus impactos (LLAMADO 2020). Determinar la circulación de coronavirus (SARS CoV2) en perros y gatos de la ciudad de Montevideo, a través de estudios serológicos y moleculares.

10 horas semanales

Facultad de Ciencias y Facultad de Veterinaria

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:3

Doctorado:3

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GRECCO S. , PANZERA, Y. , BENECH A , MIRAZO, S. , TECHERA C

Desarrollo de metodologías de secuenciación masiva aplicadas al diagnóstico y caracterización de patógenos en la avicultura industrial (03/2017 - 03/2019)

Proyecto de caracterización de virus aviáres combinando técnicas básicas y tecnología NGS

10 horas semanales

Facultad de Ciencias , Sección Genética Evolutiva

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GRECCO S. , PÉREZ R (Responsable) , PANZERA, Y. , MARANDINO A , TOMÁS, G , TECHERA C

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral

Epidemiología molecular de parvovirus canino (CPV) en Sudamérica (06/2017 - 09/2018)

La parvovirus es una de las enfermedades virales de mayor importancia en canes domésticos y silvestres debido a sus elevadas tasas de mortalidad y morbilidad. Esta enfermedad es causada por el parvovirus canino tipo 2 (CPV), el cual posee un pequeño genoma de DNA monohebra que evoluciona rápidamente por sus altas tasas de mutación. Esta variabilidad se asocia a cambios en la

respuesta inmune del hospedero canino, por lo que existe preocupación por su potencial impacto negativo en la sanidad animal. Actualmente existen tres variantes genéticas y antigénicas: 2a, 2b y 2c, que se hallan distribuidas mundialmente en distinta proporción y con diferentes niveles de variabilidad genética. No existe aún una explicación clara de los mecanismos que generan y mantienen dicha variabilidad. Desde el año 2006 nuestro grupo de investigación realiza el seguimiento de las variantes circulantes en la población canina uruguaya. Durante la pasada década, hemos observado una particular evolución, con una notoria variación en las cepas circulantes, fenómeno aparentemente producido por eventos de invasión y reemplazo de cepas. No se sabe si fenómenos similares estarían ocurriendo en toda Sudamérica, ya que en algunos países no hay registros de las variantes circulantes y en otros, los estudios fueron realizados con secuencias genómicas parciales y limitados a cortos periodos de tiempo. En este proyecto se realizará un estudio evolutivo de las variantes de CPV circulantes en Sudamérica. Se caracterizarán y se obtendrán genomas completos de diversas cepas. Podremos analizar la evolución de los genes estructurales y no-estructurales del virus, brindando un panorama epidemiológico más completo. Se pretende determinar mediante herramientas bioinformáticas relaciones filogenéticas, establecer eventos de migración y realizar análisis filodinámicos. Este estudio será el primero realizado en el continente con genomas completos y nos permitirá avanzar en la comprensión de la evolución y dinámica de CPV en Sudamérica.

30 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Beca

Equipo: GRECCO S.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral

Incorporación de técnicas moleculares y bioinformáticas en avicultura para la investigación epidemiológica y el diseño de estrategias de control y prevención de Gumboro y Bronquitis Infecciosa (03/2014 - 03/2017)

20 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

INIA, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo:

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral

Epidemiología molecular de Parvovirus canino en Uruguay (08/2013 - 08/2014)

20 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Beca

Equipo:

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

DOCENCIA

Licenciatura en Biología y Bioquímica (08/2025 - a la fecha)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Genética General, 10 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Licenciatura en Biología y Bioquímica (08/2025 - 11/2025)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Seminarios de Introducción a la Biología, 45 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Laboratorio de Genética Molecular del Departamento de Genética y Bioestadística, Universidad Nacional Autónoma de México (03/2025 - 04/2025)

Especialización

Asistente

Asignaturas:

Vigilancia Genómica en tiempo real de virus caninos mediante secuenciación masiva, 60 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Biología y Bioquímica (08/2024 - 11/2024)

Grado

Responsable

Asignaturas:

Seminario Introducción a la Biología, 45 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA BIOLOGÍA (04/2024 - 06/2024)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Análisis del microbioma y sus aplicaciones en sanidad animal, 60 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura Bioquímica/Ciencias Biológicas/Biología Humana (08/2023 - 11/2023)

Grado

Responsable

Asignaturas:

Seminario de Introducción a la Biología, 45 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA BIOLOGÍA (04/2023 - 06/2023)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Obtención de genes y genomas virales utilizando protocolos de enriquecimiento por PCR y secuenciación masiva, 60 horas, Teórico-Práctico

Laboratorio de Genética Molecular del Departamento de Genética y Bioestadística, Universidad Nacional Autónoma de México (05/2023 - 05/2023)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Secuenciación masiva y su aplicación al análisis genómico de virus de interés sanitario, 40 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA BIOLOGÍA (03/2023 - 04/2023)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Fundamentos y aplicaciones de la PCR en Tiempo Real, 60 horas, Teórico-Práctico

International course Biology of Emerging and Neglected Viral Infections in Latin America ?Institut Pasteur de Montevideo, Pasteur Network (04/2023 - 04/2023)

Doctorado

Invitado

Asignaturas:

Biology of emerging and neglected viral infections in Latin America, 1 horas, Teórico

PEDECIBA BIOLOGIA (10/2022 - 12/2022)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Obtención y análisis de datos de secuencias de ácidos nucleicos usando protocolos de secuenciación de alto rendimiento (NGS), 60 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA Biología (11/2022 - 12/2022)

Doctorado

Invitado

Asignaturas:

Biología de virus emergentes y desatendidos en Uruguay y la región, 1 horas, Teórico

Genética (08/2015 - 08/2021)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Genética general, 20 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

PEDECIBA BIOLOGÍA (05/2021 - 06/2021)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Obtención y análisis de datos de secuencias de ácidos nucleicos usando protocolos de secuenciación de alto rendimiento (NGS), 60 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA BIOLOGÍA (04/2020 - 05/2020)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Entrenamiento de las actividades prácticas de laboratorio para la transferencia de tecnología en el marco del Proyecto Fundación Manuel Pérez-Fondo COVID-19, 30 horas, Teórico-Práctico

PEDECIBA BIOLOGÍA (05/2019 - 06/2019)

Doctorado

Asistente

Asignaturas:

Fundamentos y aplicaciones de la PCR en tiempo real, 50 horas, Teórico-Práctico

Curso Posgrado (PEDECIBA - UdelaR) (10/2018 - 10/2018)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Virus de Interés para la Salud Humana, Animal y Vegetal, 1 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

PEDECIBA BIOLOGÍA (03/2017 - 05/2017)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

Análisis de variabilidad genética de microorganismos, 8 horas, Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral

Ciclo de Seminarios de Introducción a la Biología II (08/2015 - 11/2015)

Grado

Asistente

Curso Posgrado (PEDECIBA - UdelaR) (04/2015 - 05/2015)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

Análisis de variabilidad genética de microorganismos, 6 horas, Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

EXTENSIÓN

Participación como expositora en visitas de escuelas y liceos de Montevideo y el interior de la Sección Genética Evolutiva (08/2015 - a la fecha)

Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva

3 horas

Zambullite a la Ciencia: "Vigilancia de virus caninos en la fauna silvestre Uruguaya" (02/2026 - 02/2026)

20 horas

Jornadas de Puertas Abiertas de la Facultad de Ciencias (09/2024 - 09/2024)

Facultad de Ciencias 2 horas

Actividades realizadas en el Laboratorio Móvil (09/2015 - 08/2021)

Facultad de Ciencias, Extensión

4 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Actividades de extensión organizadas por la Sección Genética Evolutiva (08/2015 - 08/2021)

10 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Curso EFI: Ciencia en las escuelas rurales: una experiencia de aprendizaje en colaboración con el Laboratorio Móvil de Facultad de Ciencias (03/2016 - 08/2021)

Facultad de Ciencias, Extensión

6 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Zambullite en la Ciencia, Programa corto de pasantías para estudiantes de bachillerato. Participación como docente de la actividad denominada "Genética, genes, expresión y variación?". (02/2020 - 02/2020)

Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva

15 horas

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

Universidad Nacional Autónoma de México, Laboratorio de Genética Molecular del Departamento de Genética y Bioestadística (03/2025 - 04/2025)

El curso tuvo como objetivo capacitar a los participantes en el desarrollo de estrategias para la obtención y el análisis de genomas virales mediante la generación, manipulación y análisis de datos masivos de secuencias. Además realizamos la transferencia

40 horas semanales

Facultad de Ciencias, Plataforma Genómica (07/2023 - 12/2023)

Participación en la capacitación en técnicas de enriquecimiento viral, secuenciación masiva y análisis bioinformático en el marco del proyecto "Virus discovery: una exploración desde la metagenómica a la interfase animal-humano con un enfoque de Una Salud

15 horas semanales

Facultad de Ciencias, Plataforma Genómica (09/2022 - 12/2022)

Participación en la capacitación en técnicas de enriquecimiento viral, secuenciación masiva y análisis bioinformático en el marco del proyecto "Descifrando la relación entre las abejas melíferas y el ácaro Varroa destructor"
15 horas semanales

Facultad de Ciencias, Plataforma Genómica (12/2020 - 12/2020)

Entrenamiento de las actividades prácticas de laboratorio para la transferencia de tecnología en el marco del Proyecto Fundación Manuel Pérez-Fondo COVID-19 titulado "Optimización y transferencia de tecnologías de secuenciación masiva para la identificación"
30 horas semanales

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO

Servicio de diagnóstico de virus caninos (08/2012 - a la fecha)

Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva
10 horas semanales

PASANTÍAS

Pasantía en el Laboratorio Enfermedades Infecciosas del Dr. Nicola Decaro en Italia (02/2019 - 05/2019)

Universidad de Bari - Aldo Moro, Departamento de Medicina Veterinaria
40 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral, evolución, epidemiología

ACTIVIDAD HONORARIA

Colaboración honoraria en curso práctico Genética General (08/2014 - 12/2014)

Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva
4 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Colaboración honoraria en curso práctico Genética General (08/2012 - 12/2012)

Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva
4 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 20 horas
Carga horaria de investigación: 20 horas
Carga horaria de formación RRHH: 5 horas
Carga horaria de extensión: 4 horas
Carga horaria de gestión: 1 hora

Producción científica/tecnológica

Formo parte de un grupo de investigación en Sanidad Animal creado en el 2004 en la Sección Genética Evolutiva de Facultad de Ciencias. Nuestro grupo de investigación es multidisciplinario y se halla conformado por investigadores de la Sección Genética Evolutiva y por veterinarios del ámbito público y privado. El principal objetivo de esta línea es el estudio genético e investigación epidemiológica de patógenos que afectan animales domésticos y de granja mediante el desarrollo de métodos de diagnóstico y caracterización molecular. Desde el año 2012 formo parte de este grupo de investigación realizando mi tesis de grado y actualmente mi tesis de Doctorado. Estoy dedicada al estudio del parvovirus canino (CPV), es el agente etiológico de la parvovirus, una de las enfermedades infecciosas con mayores tasas de mortalidad y morbilidad en canes domésticos y silvestres. Realizamos diagnóstico molecular por qPCR, caracterización genómica, aplicación de

metodologías de multiplex-PCR acopladas a secuenciación masiva, análisis filogeográfico y filodinámico, así como la integración de estos estudios en un marco conceptual de Una Salud.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Multiplex NGS Panel for whole-genome recovery and molecular epidemiology of canine morbillivirus (Completo, 2026)

YANINA PANZERA, EMMA CONDON, JOSEFINA ESCARDÓ, SOFÍA GRECCO, FLORENCIA LUNDBERG, ROGELIO ALONSO-MORALES, MAURICIO REALPE-QUINTERO, JAVIER ENCISO, JAIME ALDAZ, ARIEL LOZA VEGA, FABRIZIO BACCI, RUBEN PÉREZ

npj Veterinary Sciences, v.: 1 2026

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 3059328X

DOI: [10.1038/s44433-026-00007-8](https://doi.org/10.1038/s44433-026-00007-8)

<https://doi.org/10.1038/s44433-026-00007-8>



A mass mortality event of crab-eating foxes (*Cerdocyon thous*) and Pampas foxes (*Lycalopex gymnocercus*) linked to a canine distemper virus outbreak in a protected area of Argentina (Completo, 2026)

RICARDO E. GÜRTLER, YANINA PANZERA, GABRIELA NICOSIA, JOSEFINA ESCARDÓ, SOFÍA GRECCO, LUCÍA I. RODRÍGUEZ-PLANES, ANA C. BRATANICH, ANDREA MARCOS, ARISTÓBULO MARANTA, RUBEN PÉREZ, DANILO BUCAFUSCO

European Journal of Wildlife Research, v.: 72 2026

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Germany

ISSN: 16124642

E-ISSN: 14390574

DOI: [10.1007/s10344-026-02064-0](https://doi.org/10.1007/s10344-026-02064-0)

<https://doi.org/10.1007/s10344-026-02064-0>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Honey Bee Viromes From *Varroa destructor*?Resistant and Susceptible Colonies (Completo, 2025)

DANIELA ARREDONDO, SOFIA GRECCO, YANINA PANZERA, PABLO ZUNINO, KARINA ANTÚNEZ

Environmental Microbiology Reports, v.: 17 2025

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: United states

E-ISSN: 17582229

DOI: [10.1111/1758-2229.70097](https://doi.org/10.1111/1758-2229.70097)

<https://doi.org/10.1111/1758-2229.70097>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Targeted Enrichment Sequencing Utilizing a Respiratory Pathogen Panel for Genomic Wastewater-Based Viral Epidemiology in Uruguay (Completo, 2025)

FLORENCIA CANCELA, ANDRÉS LIZASOAIN, YANINA PANZERA, ELENA FERNÁNDEZ-LÓPEZ, JOAQUÍN LOZANO, LUCIA CALLEROS, SOFIA GRECCO, ANA EUGENIA MARANDINO, MARÍA NOEL CORTINAS, GISELA MASACHESSI, SILVIA NATES, ROMINA ICASURIAGA, RODNEY COLINA, SANTIAGO MIRAZO

Food and Environmental Virology, v.: 17 2025

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Germany

ISSN: 18670334

E-ISSN: 18670342

DOI: [10.1007/s12560-024-09629-9](https://doi.org/10.1007/s12560-024-09629-9)

<https://doi.org/10.1007/s12560-024-09629-9>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Diagnosis and genomic characterization of the largest western equine encephalitis virus outbreak in Uruguay during 2023-2024 (Completo, 2024)

GONZALO TOMÁS , ANA MARANDINO , SIRLEY RODRÍGUEZ , GABRIEL LUZ WALLAU , FILIPE ZIMMER DEZORDI , ANDRÉ LUIZ SÁ DE OLIVEIRA , CLAUDIA TECHERA , LUCÍA CALLEROS , SOFÍA GRECCO , JOAQUÍN WILLIMAN , RAMIRO PÉREZ , LUCÍA BASSETTI , RAÚL NEGRO , LUCÍA MOREIRA MARRERO , ADRIANA DELFRARO , ROBERTO VIDAL , YANINA PANZERA , RUBEN PÉREZ

npj Viruses, v.: 2 2024

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 29481767

DOI: [10.1038/s44298-024-00078-6](https://doi.org/10.1038/s44298-024-00078-6)

<https://doi.org/10.1038/s44298-024-00078-6>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

Longitudinal study of the bovine cervico-vaginal bacterial microbiota throughout pregnancy using 16S ribosomal RNA gene sequences (Completo, 2024)

LUCÍA CALLEROS , MAILA BARCELLOS , SOFÍA GRECCO , JUAN PABLO GARZÓN , JOAQUÍN LOZANO , VICTORIA URIOSTE , GUSTAVO GASTAL

Infection Genetics and Evolution, v.: 124 p.:105657 2024

Palabras clave: Bovine pregnancy Vaginal microbiota Longitudinal study 16S sequencing

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 15671348

DOI: [10.1016/j.meegid.2024.105657](https://doi.org/10.1016/j.meegid.2024.105657)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.meegid.2024.105657>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

Comparative genomics of canine parvovirus in South America: Diversification patterns in local populations (Completo, 2024) Trabajo relevante

SOFÍA GRECCO , EMMA CONDON , DANILO BUCAFUSCO , ANA CRISTINA BRATANICH , YANINA PANZERA , RUBEN PÉREZ

Infection Genetics and Evolution, v.: 123 p.:105633 2024

Palabras clave: Canine parvovirus Evolution Uruguay Argentina Local diversification

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 15671348

DOI: [10.1016/j.meegid.2024.105633](https://doi.org/10.1016/j.meegid.2024.105633)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.meegid.2024.105633>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

Development of an accurate and rapid method for whole genome characterization of canine parvovirus (Completo, 2024) Trabajo relevante

EMMA CONDON , SOFÍA GRECCO , ANA MARANDINO , JAIME ALDAZ , JAVIER ENCISO , LUIS ALFARO , DANILO BUCAFUSCO , RUBEN PÉREZ , YANINA PANZERA

Journal of Virological Methods, v.: 325 p.:114870 2024

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 01660934

DOI: [10.1016/j.jviromet.2023.114870](https://doi.org/10.1016/j.jviromet.2023.114870)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.jviromet.2023.114870>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

A multiplex-NGS approach to identifying respiratory RNA viruses during the COVID-19 pandemic (Completo, 2023)

NATALIA RAMOS , YANINA PANZERA , SANDRA FRABASILE , GONZALO TOMÁS , LUCÍA CALLEROS , ANA MARANDINO , NATALIA GOÑI , CLAUDIA TECHERA , SOFÍA GRECCO , EDDIE FUQUES , LETICIA COPPOLA , VIVIANA RAMAS , MARIA NOELIA MOREL , CRISTINA MOGDASY , HÉCTOR CHIPARELLI , JUAN ARBIZA , RUBEN PÉREZ , ADRIANA DELFRARO

Archives of Virology, v.: 168 2023

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Germany

ISSN: 03048608

E-ISSN: 14328798

DOI: [10.1007/s00705-023-05717-6](https://doi.org/10.1007/s00705-023-05717-6)
<http://dx.doi.org/10.1007/s00705-023-05717-6>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Detection and genome characterisation of SARS-CoV-2 P.6 lineage in dogs and cats living with Uruguayan COVID-19 patients (Completo, 2023)

PANZERA, Y., MIRAZO, S., Baz M., TECHERA C., GRECCO S., CANCELA F., Fuques E., Condon E., CALLEROS L., Camilo N., Fregossi A., Vaz I., Pessina P., Deshpande N., PÉREZ R., BENECH A. *Memórias do Instituto Oswaldo Cruz*, v.: 117 e2201, 2023

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 00740276

DOI: [10.1590/0074-02760220177](https://doi.org/10.1590/0074-02760220177)

<https://www.scielo.br/j/mioc/a/srJffQMz9r3W3NVGpW4cnBv/?lang=en#>

WEB OF SCIENCE™ Scopus  

A rapid and affordable amplicon-based method for next-generation genome sequencing of the infectious bursal disease virus (Completo, 2023)

CLAUDIA TECHERA, GONZALO TOMÁS, SOFÍA GRECCO, JOAQUÍN WILLIMAN, MARTÍN HERNÁNDEZ, VALERIA OLIVERA, ALEJANDRO BANDA, ARIEL VAGNOZZI, YANINA PANZERA, ANA MARANDINO, RUBEN PÉREZ

Journal of Virological Methods, v.: 322 p.:114807 2023

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 01660934

DOI: [10.1016/j.jviromet.2023.114807](https://doi.org/10.1016/j.jviromet.2023.114807)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.jviromet.2023.114807>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Consecutive deletions in a unique Uruguayan SARS-CoV-2 lineage evidence the genetic variability potential of accessory genes (Completo, 2022)

YANINA PANZERA, LUCÍA CALLEROS, NATALIA GOÑI, ANA MARANDINO, CLAUDIA TECHERA, SOFÍA GRECCO, NATALIA RAMOS, SANDRA FRABASILE, GONZALO TOMÁS, EMMA CONDON, MARÍA NOEL CORTINAS, VIVIANA RAMAS, LETICIA COPPOLA, CECILIA SORHOUE, CRISTINA MOGDASY, HÉCTOR CHIPARELLI, JUAN ARBIZA, ADRIANA DELFRARO, RUBEN PÉREZ

PLoS ONE, v.: 17 e0263563, 2022

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: United states

E-ISSN: 19326203

DOI: [10.1371/journal.pone.0263563](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0263563)

<http://dx.doi.org/10.1371/journal.pone.0263563>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Origin and spreading of canine morbillivirus in South America (Completo, 2022)

E. FUQUES, G. TOMÁS, S. GRECCO, E. CONDON, C. TECHERA, A. MARANDINO, N. SARUTE, J. ALDAZ, J. ENCISO, A. BENECH, R. PÉREZ, Y. PANZERA

Virus Research, v.: 319 p.:198858 2022

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 01681702

DOI: [10.1016/j.virusres.2022.198858](https://doi.org/10.1016/j.virusres.2022.198858)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.virusres.2022.198858>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Emergence and spreading of the largest SARS-CoV-2 deletion in the Delta AY.20 lineage from Uruguay (Completo, 2022)

YANINA PANZERA, MARÍA NOEL CORTINAS, ANA MARANDINO, LUCÍA CALLEROS, VICTORIA BORMIDA, NATALIA GOÑI, CLAUDIA TECHERA, SOFÍA GRECCO, JOAQUÍN WILLIMAN, VIVIANA RAMAS, LETICIA COPPOLA, CRISTINA MOGDASY, HÉCTOR CHIPARELLI, RUBEN PÉREZ

Gene Reports, v.: 29 p.:101703 2022

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 24520144

DOI: [10.1016/j.genrep.2022.101703](https://doi.org/10.1016/j.genrep.2022.101703)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.genrep.2022.101703>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Transmission cluster of COVID-19 cases from Uruguay: emergence and spreading of a novel SARS-CoV-2 ORF6 deletion (Completo, 2021)

YANINA PANZERA , NATALIA RAMOS , LUCÍA CALLEROS , ANA MARANDINO , GONZALO TOMÁS , CLAUDIA TECHERA , SOFÍA GRECCO , SANDRA FRABASILE , EDDIE FUQUES , LETICIA COPPOLA , NATALIA GOÑI , VIVIANA RAMAS , CECILIA SORHOUE , VICTORIA BORMIDA , ANALÍA BURGUEÑO , MARÍA BRASESCO , MARIA ROSA GARLAND , SYLVIA MOLINARI , MARIA TERESA PEREZ , ROSINA SOMMA , SILVANA SOMMA , MARIA NOELIA MOREL , CRISTINA MOGDASY , HÉCTOR CHIPARELLI , JUAN ARBIZA , ADRIANA DELFRARO , RUBEN PÉREZ

Memorias Do Instituto Oswaldo Cruz, v.: 116 2021

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Brazil

E-ISSN: 16788060

DOI: [10.1590/0074-02760210275](https://doi.org/10.1590/0074-02760210275)

<http://dx.doi.org/10.1590/0074-02760210275>

WEB OF SCIENCE™ Scopus  

Genome Sequences of SARS-CoV-2 P. 1 (Variant of Concern) and P. 2 (Variant of Interest) Identified in Uruguay (Completo, 2021)

PANZERA, Y., Natalia Goñi , CALLEROS L , RAMOS, N., FRABASILE S, MARANDINO A , TOMÁS, G , TECHERA C , GRECCO S. , Fuques E. , Viviana Ramas , Leticia Coppola , María Rosa Flieller , Noelia Morel , María Noel Cortinas , Cristina Mogdasy , ARBIZA, J. , DELFRARO A. , PÉREZ R , Héctor Chiparelli

Microbiology Resource Announcements, 2021

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 257098X

DOI: [10.1128/MRA.00410-21](https://doi.org/10.1128/MRA.00410-21)

<https://doi.org/10.1128/MRA.00410-21>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Origin, spreading and genetic variability of chicken anemia virus: Origin and spreading of CAV (Completo, 2021)

TECHERA C , MARANDINO A , TOMÁS, G , GRECCO S. , HERNÁNDEZ M , Diego Hernandez , PANZERA, Y., PÉREZ R

Avian Pathology, 2021

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 03079457

E-ISSN: 14653338

DOI: [10.1080/03079457.2021.1919289](https://doi.org/10.1080/03079457.2021.1919289)

<https://doi.org/10.1080/03079457.2021.1919289>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

A deletion in SARS-CoV-2 ORF7 identified in COVID-19 outbreak in Uruguay (Completo, 2021)

PANZERA, Y., RAMOS, N., FRABASILE S, CALLEROS L , MARANDINO A , TOMÁS, G , TECHERA C , GRECCO S. , Fuques E. , Natalia Goñi , Viviana Ramas , Leticia Coppola , Héctor Chiparelli , Cecilia Sorhouet , Cristina Mogdasy , ARBIZA, J. , DELFRARO A. , PÉREZ R

Transboundary and Emerging Diseases, 2021

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 18651674

E-ISSN: 18651682

DOI: [10.1111/tbed.14002](https://doi.org/10.1111/tbed.14002)

<https://doi.org/10.1111/tbed.14002>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Domestic dog origin of Carnivore Protoparvovirus 1 infection in a rescued free ranging guíña (Leopardus guigna) in Chile (Completo, 2021)

Rene Ortega , Juan Mena , GRECCO S. , PÉREZ R , PANZERA, Y., Constanza Napolitano , Nhur?


Aischa Zegpi, Alberto Sandoval, Daniel Sandoval, Daniel González?Acuña, Sergio Cofré, Víctor Neira, Cristóbal Castillo?Aliaga
Transboundary and Emerging Diseases, 2021
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 18651674
E-ISSN: 18651682
DOI: [10.1111/tbed.13807](https://doi.org/10.1111/tbed.13807)
<https://doi.org/10.1111/tbed.13807>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

First Molecular Identification of Canine Parvovirus Type 2 (CPV2) in Chile Reveals High Occurrence of CPV2c Antigenic Variant (Completo, 2020)

Cristobal Castillo, Víctor Neira, Pamela Añinir, GRECCO S., PÉREZ R, PANZERA, Y., Nhur-Aischa Zegpi, Alberto Sandoval, Daniel Sandoval, Sergio Cofre, Rene Ortega
Frontiers in Veterinary Science, 2020
Palabras clave: Parvovirus canino
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 22971769

DOI: [10.3389/fvets.2020.00194](https://doi.org/10.3389/fvets.2020.00194)

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Origin and Global Spreading of an Ancestral Lineage of the Infectious Bursal Disease Virus (Completo, 2020)

TOMÁS, G, MARANDINO A, TECHERA C, Olivera V., PERBOLIANACHIS, P, Fuques E., GRECCO S., HERNÁNDEZ M, Hernandez D., CALLEROS L, Craig M, PANZERA, Y., Vagnozzi A., PÉREZ R
Transboundary and Emerging Diseases, 2020
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 18651674
E-ISSN: 18651682

DOI: [10.1111/tbed.13453](https://doi.org/10.1111/tbed.13453)

WEB OF SCIENCE™ Scopus

Inter- and intracontinental migrations and local differentiation have shaped the contemporary epidemiological landscape of canine parvovirus in South America (Completo, 2018) Trabajo relevante

GRECCO S., IRAOLA G., Nicola Decaro, Alice Alfieri, Amauri Alfieri, Marina Gallo Calderón, Ana Paula da Silva, Daniela Name, Jaime Aldaz, CALLEROS L, MARANDINO A, TOMÁS, G, MAYA L, Lourdes Francia, YANINA MONTEMOÑO, PÉREZ R
Virus Evolution, v.: 4 1, 2018

Palabras clave: canine parvovirus genomic evolution South America phylodynamics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20571577

DOI: [10.1093/ve/vey011](https://doi.org/10.1093/ve/vey011)

<https://academic.oup.com/ve/article/4/1/vey011/4965880>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

Development of RT-qPCR assays for the specific identification of two major genotypes of avian infectious bronchitis virus (Completo, 2016)

ANA MARANDINO, GONZALO TOMÁS, MARTÍN HERNÁNDEZ, YANINA PANZERA, MARÍA ISABEL CRAIG, ARIEL VAGNOZZI, FEDERICO VERA, CLAUDIA TECHERA, SOFÍA GRECCO, ALEJANDRO BANDA, DIEGO HERNÁNDEZ, RUBEN PÉREZ
Journal of Virological Methods, v.: 235 p.:21 - 25, 2016

Lugar de publicación: Netherlands
ISSN: 01660934

DOI: [10.1016/j.jviromet.2016.05.007](https://doi.org/10.1016/j.jviromet.2016.05.007)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.jviromet.2016.05.007>

WEB OF SCIENCE™ Scopus

Development of an RT-qPCR assay for the specific detection of a distinct genetic lineage of the

infectious bursal disease virus (Completo, 2016)

GONZALO TOMÁS , MARTÍN HERNÁNDEZ , ANA MARANDINO , CLAUDIA TECHERA , SOFIA GRECCO , DIEGO HERNÁNDEZ , ALEJANDRO BANDA , YANINA PANZERA , RUBEN PÉREZ
Avian Pathology, v.: 46 p.:150 - 156, 2016
Lugar de publicación: United kingdom
ISSN: 03079457
E-ISSN: 14653338
DOI: [10.1080/03079457.2016.1228827](https://doi.org/10.1080/03079457.2016.1228827)
<http://dx.doi.org/10.1080/03079457.2016.1228827>



Phylogenetic and Genome-Wide Deep-Sequencing Analyses of Canine Parvovirus Reveal Co-Infection with Field Variants and Emergence of a Recent Recombinant Strain (Completo, 2014)

Trabajo relevante

Ruben Pérez , Lucía Calleros , Ana Marandino , N. SARUTE , IRAOLA G , GRECCO S. , H. BLANC , M. VIGNUZZI , O. ISAKOV , N. SHOMRON , CARRAU L , Martín Hernández , Lourdes Francia , SOSA K , Gonzalo Tomás , Yanina Panzera
PLoS ONE, v.: 9 11 e111779, 2014
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral
E-ISSN: 19326203
DOI: [10.1371/journal.pone.0111779](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0111779)



NO ARBITRADOS

Epidemiología molecular de virus aviares en la industria avícola uruguaya (Completo, 2019)

MARANDINO A , TOMÁS, G , PANZERA, Y. , HERNÁNDEZ M , Diego Hernandez , TECHERA C , Andrés MILANO VIDAL , PERBOLIANACHIS, P , GRECCO S. , PÉREZ R

INIA Inform@, 2019
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 1510902X
<http://www.inia.uy/Publicaciones/Documentos%20compartidos/inia-fpta-74-proyecto-319-2019.pdf>

Genome sequence of a distinct infectious bursal disease virus (Completo, 2015)

Gonzalo Tomás , Martín Hernández , Ana Marandino , HERNÁNDEZ D. , TECHERA C. , GRECCO S. , Yanina Panzera , Ruben Pérez

Genome Announcements, 2015
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral
Medio de divulgación: Papel
E-ISSN: 21698287

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Epidemiología genómica del parvovirus canino (2025)

GRECCO S. , Condon E. , Escardó, J , PANZERA, Y. , PÉREZ R
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: IV Congreso Nacional de Biociencias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2025
Medio de divulgación: Otros

Vigilancia genómica del virus distemper canino en América Latina (2025)

Escardó, J , Condon E. , GRECCO S. , Javier Enciso , Jaime Aldaz , Danilo Bucafusco , PÉREZ R , PANZERA, Y.
Publicado
Completo

Evento: Nacional
Descripción: IV Congreso Nacional de Biociencias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2025
Medio de divulgación: Otros

De bichos y flores: Entendiendo la interacción de las abejas, los virus y las plantas en Uruguay (2025)

ARREDONDO, D. , GRECCO S. , NIELL, S. , ZUNINO, P. , ANTUNEZ, K. , Palacios S. , D.E., Vázquez , Alarcón, M , CASTELLI, L. , MARIM , ARBULO N. , INVERNIZZI C. , IVANNAH. TOMASCO , Salvarrey, S. , PANZERA, Y.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: Congreso Uruguayo en Una Salud - I Jornada Académica del Instituto de Investigación Una Salud

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

Caracterización genómica de coinfecciones por parvovirus y distemper en caninos mediante el desarrollo de un panel multiplex NGS (2025)

Escardó, J , N/A , GRECCO S. , PÉREZ R , PANZERA, Y.

Publicado

Completo

Evento: Regional

Descripción: III Encuentro Uruguayo de Virología

Ciudad: Salto

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

Primer reporte de parvovirus y distemper en carnívoros silvestres de Uruguay: detección y caracterización genómica mediante un panel multiplex NGS (2025)

N/A, Escardó, J , Lourdes Casas , GRECCO S. , PÉREZ R , PANZERA, Y.

Publicado

Completo

Evento: Regional

Descripción: III Encuentro Uruguayo de Virología

Ciudad: Salto

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

PRIMER REPORTE DE COINFECCIÓN POR VARIANTES DE PARVOVIRUS EN PUMA (Puma concolor) EN ARGENTINA: CARACTERIZACIÓN GENÓMICA COMPLETA (2025)

Arrabal, JP , Bucafusco, D , Di Nucci, D , Díaz, L , Bratanich, A , Escardó, J , GRECCO S. , PÉREZ R , PANZERA, Y.

Publicado

Completo

Evento: Regional

Descripción: I JORNADAS INTERDISCIPLINARIAS de Medicina, Manejo y Conservación de Fauna Silvestre

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

IMPLICANCIAS EPIDEMIOLÓGICAS DEL ANÁLISIS GENÓMICO DEL VIRUS DEL DISTEMPER CANINO EN UN BROTE DE ZORROS DEL NORESTE ARGENTINO (2025)

PANZERA, Y. , Gürtler, RE , Nicosia, G , Escardó, J , GRECCO S. , Rodríguez Planes, LI , Bratanich, AC , Marcos, A , Maranta, A , PÉREZ R , Bucafusco, D

Publicado

Completo

Evento: Regional

Descripción: I Jornadas Interdisciplinarias de Medicina, Manejo y Conservación de Fauna Silvestre

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

PRIMERA DETECCIÓN Y CARACTERIZACIÓN GENÓMICA DE UN PROTOPARVOVIRUS EN AGUARÁ POPÉ (*Procyon cancrivorus*) (2025)

Unger, M., Díaz, L., PANZERA, Y., Bratanich, A., Malacari, D., Pécora, A., Escardó, J., GRECCO S., PÉREZ R., Bucafusco, D

Publicado

Completo

Evento: Regional

Descripción: I Jornadas Interdisciplinarias de Medicina, Manejo y Conservación de Fauna Silvestre

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

Desarrollo de un sistema de diagnóstico molecular para Coronavirus Canino mediante PCR en tiempo real (2025)

Solares, H., GRECCO S., PÉREZ R., PANZERA, Y.

Publicado

Completo

Evento: Regional

Descripción: III Encuentro Uruguayo de Virología

Ciudad: Salto

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

Epidemiología basada en aguas residuales: una prometedora herramienta para la promoción de la salud pública (2025)

CANCELA F., LIZASOAIN, A., PANZERA, Y., Fernández-López, E., J. Lozano, CALLEROS L., GRECCO S., MARANDINO A., Cortinas, M.N., Gisela Masachessi, R Icasuriaga, Colina R, Davida Smyth, MIRAZO, S.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: IV Congreso Nacional de Microbiología

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2025

Medio de divulgación: Otros

Parvovirus en animales domésticos y su relación con la fauna silvestre (2024)

Escardó, J., Condon E., GRECCO S., PÉREZ R., PANZERA, Y.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: I Jornadas de estudiantes de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2024

Medio de divulgación: Otros

Genetic Variability and Evolutionary Patterns of Canine Parvovirus in South America (2024)

GRECCO S., Condon E., PANZERA, Y., Danilo Bucafusco, PÉREZ R

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: I Jornadas de Estudiantes de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2024

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Otros

Fue seleccionado como mejor trabajo de Doctorado

Genetic Variability and Evolutionary Patterns of Canine Parvovirus in South America (2023)

GRECCO S., Condon E., PANZERA, Y., Danilo Bucafusco, PÉREZ R

Publicado
Completo
Evento: Internacional
Descripción: 16th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases
Ciudad: Dresden
Año del evento: 2023
Medio de divulgación: Otros

Taxonomic analysis of the bovine cervico-vaginal microbiota and its relationship with pregnancy (2023)

Barcellos M. , J. Lozano , Gustavo Gastal , GRECCO S. , victoria urioste , Garzón JP , CALLEROS L
Publicado
Completo
Evento: Internacional
Descripción: 16th International Conference on Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics of Infectious Diseases
Ciudad: Dresden
Año del evento: 2023
Medio de divulgación: Otros
<https://www.elsevier.com/events/conferences/all/meegid>

Virus canino. Desarrollos metodológicos para la caracterización genómica (2022)

PANZERA, Y. , GRECCO S.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: Tercer Congreso Multidisciplinario de Ciencias Veterinarias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2022
Medio de divulgación: Otros

Caracterización antigénica y genómica del virus SARS-CoV-2 en perros y gatos convivientes con pacientes con COVID-19 (2022)

PANZERA, Y. , GRECCO S.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: Congreso Interdisciplinario COVID-19, pandemia y pospandemia.
Ciudad: Virtual
Año del evento: 2022
Medio de divulgación: Otros

Circulación en Uruguay de variantes Delta de SARS-CoV-2 que carecen de tres genes accesorios (2022)

PÉREZ R , GRECCO S.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: Congreso Interdisciplinario COVID-19, pandemia y pospandemia.
Ciudad: Virtual
Año del evento: 2022
Medio de divulgación: Otros

Descifrando el viroma de las abejas melíferas en Uruguay (2022)

ARRONDONDO, D. , GRECCO S. , PANZERA, Y. , ZUNINO, P. , ANTUNEZ, K.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: Congreso Nacional de Bociencias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2022
Medio de divulgación: Otros

Perfiles virales de colonias susceptibles y sobrevivientes a Varroa destructor (2022)

ARREDONDO, D. , GRECCO S.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: XV Congreso de la Federación Latinoamericana de Apicultura FILAPI,
Congreso Latinoamericano de Apicultura

Ciudad: Cusco

Año del evento: 2022

Medio de divulgación: Otros

UNA SALUD: CIRCULACIÓN DEL VIRUS DE LA HEPATITIS E (HEV) EN AGUAS RESIDUALES Y ANIMALES DE COMPAÑÍA (2022)

R Icasuriaga , Hergatacorzian, Valentina , CUEVAS, S. , BEROIS M , GRECCO S. , PÉREZ R ,
PANZERA, Y. , BENECH A , CANCEL A F. , MIRAZO, S.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: III Congreso Nacional de Biociencias

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2022

Medio de divulgación: Otros

DESARROLLO DE UN MÉTODO EFECTIVO PARA LA OBTENCIÓN Y ANÁLISIS DE GENOMAS COMPLETOS DE PARVOVIRUS CANINO MEDIANTE PCR-MULTIPLEXNGS (2022)

Condon E. , PANZERA, Y. , GRECCO S. , PÉREZ R

Publicado

Completo

Evento: Regional

Descripción: II Jornadas Bionacionales Aregentina-Uruguay

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2022

Medio de divulgación: Otros

Heterogeneidad de cepas de CPV en Uruguay y la región (2019)

Condon E. , Bucafusco D. , CALLEROS L , MARANDINO A , TOMÁS, G , PANZERA, Y. , PÉREZ R ,
GRECCO S.

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: XVII Latin American Congress of Genetics

Ciudad: Mendoza

Año del evento: 2019

Palabras clave: Genética Viral Evolución

Medio de divulgación: Papel

Epidemiología molecular de patógenos que afectan la avicultura industrial (2018)

MARANDINO A , TOMÁS, G , PANZERA, Y. , HERNÁNDEZ M , Diego Hernández , TECHERA C ,
MILANO VIDAL Andrés , PERBOLIANACHIS, P , GRECCO S. , E. Fuques , Barcellos M. , CALLEROS
L , PÉREZ R

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: VI Congreso de la Asociación Uruguaya de Producción Animal

Ciudad: Tacuarembó

Año del evento: 2018

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

Global phylodynamics of canine parvovirus from domestic and wild-life hosts (2018)

GRECCO S. , CALLEROS L , PANZERA, Y. , PÉREZ R

Publicado

Resumen

Evento: Internacional
Descripción: XXII International Congress of Genetics (ICG)
Ciudad: Foz de Iguazú, Paraná
Año del evento: 2018
Palabras clave: Parvovirus canino Evolución
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral
Medio de divulgación: Otros
Financiación/Cooperación:
Comisión Sectorial de Investigación Científica / Apoyo financiero, Uruguay

Origen y evolución molecular de Parvovirus canino en Sudamérica (2018)

PÉREZ R , GRECCO S., CALLEROS L , MARANDINO A , TOMÁS, G., Francia L., PANZERA, Y.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XX Congreso Chileno de Medicina Veterinaria.
Ciudad: Chillán
Año del evento: 2018
Medio de divulgación: Otros

Análisis Filogenético de Parvovirus Canino Tipo 2 en Perros Cursando Gastroenteritis Aguda en la Ciudad de Chillán, Chile (2018)

Aniñir P., GRECCO S., Castillo C., PÉREZ R., Sandoval D., PANZERA, Y., Cofré S., Ortega R.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XX Congreso Chileno de Medicina Veterinaria
Ciudad: Chillán
Año del evento: 2018

Análisis Molecular de Región NS1 de Parvovirus Canino (CPV) en Guiña (Leopardus Guigna) y Perros Domésticos (Canis Familiaris) (2018)

Castillo C., Aniñir P., GRECCO S., PÉREZ R., PANZERA, Y., Sandoval D., Cofré S., Ortega R.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XX Congreso Chileno de Medicina Veterinaria
Ciudad: Chillán
Año del evento: 2018
Medio de divulgación: Papel

Análisis Molecular de Región VP2 de Parvovirus Canino (CPV) en Guiña (Leopardus Guigna) y Perros Domésticos (Canis Familiaris) (2018)

Castillo C., Aniñir P., GRECCO S., PÉREZ R., PANZERA, Y., Sandoval D., Cofré S., Ortega R.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XX Congreso Chileno de Medicina Veterinaria
Ciudad: Chillán
Año del evento: 2018

Genetic variability of canine distemper Virus in South America (2018)

PANZERA, Y., Fuques E., GRECCO S., TOMÁS, G., PÉREZ R.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: XX Congreso Chileno de Medicina Veterinaria
Ciudad: Chillán
Año del evento: 2018
Medio de divulgación: Papel

Migraciones y diferenciación local de parvovirus canino en Sudamérica (2017)

GRECCO S., IRAOLA G., Nicola Decaro, Alice Alfieri, Amauri Alfieri, Marina Gallo Calderón, Ana Paula da Silva, Daniela Name, Jaime Aldaz, CALLEROS L., MARANDINO A., TOMÁS, G., MAYA L., Lourdes Francia, PANZERA, Y., PÉREZ R

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: XII Congreso Argentino de Virología

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2017

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

Variabilidad genómica de CPV en Uruguay (2016)

GRECCO S., Yanina Panzera, Lucía Calleros, Ana Marandino, Gonzalo Tomás, Lourdes Francia, Ruben Pérez

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: XVI Congreso Latinoamericano de Genética (ALAG)

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2016

Palabras clave: Parvovirus canino Genética

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética viral

Evolución genómica de parvovirus canino en Uruguay (2015)

GRECCO S., Lucía Calleros, Ana Marandino, Lourdes Francia, CASABONE V., Yanina Panzera, Ruben Pérez

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XI Congreso Argentino de Virología 2015

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

Recombinación en parvovirus canino (2015)

GRECCO S., Lucía Calleros, Yanina Panzera, Ana Marandino, ALDAZ J., Ruben Pérez

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2015

Palabras clave: Parvovirus canino Recombinación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

Análisis filodinámico del virus de la bronquitis infecciosa aviar en la industria avícola Sudamericana: Dos genotipos predominantes con diferente origen (2015)

Ana Marandino, Gonzalo Tomás, IRAOLA G., Martín Hernández, HERNÁNDEZ D., TECHERA C., GRECCO S., Yanina Panzera, Ruben Pérez

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XXIV Congreso Latinoamericano de Avicultura

Ciudad: Guayaquil

Año del evento: 2015

Palabras clave: IBV

Areas de conocimiento:

Análisis evolutivo de cepas de Parvovirus canino en la región (2014)

GRECCO S., AP SILVA, A. ALFIERI, M. BARCELLOS, Lucía Calleros, Yanina Panzera, Lourdes Francia, A. MARANDINO, Ruben Pérez

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: I Encuentro Nacional de Jóvenes Microbiólogos, SUM

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2014

Palabras clave: CPV

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Genotipificación de variantes del Parvovirus canino mediante Real-Time PCR (2014)

CASABONE V, Gonzalo Tomás, GRECCO S., A. MARANDINO, Lucía Calleros, Lourdes Francia, BENECH A, Ruben Pérez, Yanina Panzera

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: I Encuentro Nacional de Jóvenes Microbiólogos, SUM

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2014

Palabras clave: CPV Real-Time PCR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Variación en la dinámica temporal de parvovirus canino en Sudamérica (2014)

M. BARCELLOS, AP SILVA, A. ALFIERI, GRECCO S., A. MARANDINO, Lucía Calleros, D. NAME, Yanina Panzera, Ruben Pérez

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: I Encuentro Nacional de Jóvenes Microbiólogos, SUM

Año del evento: 2014

Palabras clave: CPV

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Caracterización de Parvovirus canino en Uruguay (2014)

GRECCO S., Lucía Calleros, A. MARANDINO, Lourdes Francia, Yanina Panzera, Ruben Pérez

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2014

Palabras clave: CPV

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Genotipificación de variantes de Parvovirus canino mediante Real-Time PCR (2014)

CASABONE V, Gonzalo Tomás, GRECCO S., A. MARANDINO, Lucía Calleros, CARRAU L, Lourdes Francia, BENECH A, Ruben Pérez, Yanina Panzera

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2014

Palabras clave: CPV Real-Time PCR

Areas de conocimiento:

Caracterización de cepas recombinantes de Parvovirus canino (2014)

GRECCO S., Lucía Calleros, A. MARANDINO, Gonzalo Tomás, IRAOLA G., N. SARUTE, Martín Hernández, CARRAU L., Yanina Panzera, Ruben Pérez

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: III Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2014

Palabras clave: CPV Recombinación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Detección de aislamientos co-infectantes y recombinantes en Parvovirus canino: análisis por métodos de secuenciación masiva (2014)

CARRAU L., Yanina Panzera, Lucía Calleros, Gonzalo Tomás, A. MARANDINO, N. SARUTE, GRECCO S., Lourdes Francia, Martín Hernández, M. VIGNUZZI, Ruben Pérez

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: III Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2014

Palabras clave: CPV Recombinación Co-infección Secuenciación masiva

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Evolución de Parvovirus Canino en Uruguay (2013)

GRECCO S., Ruben Pérez, Yanina Panzera, Lucía Calleros, Lourdes Francia, IRAOLA G., Ana Marandino, Gonzalo Tomás, CARRAU L., Martín Hernández, SOSA K

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: V Simposio Nacional de Virología y I Congreso Latinoamericano de Virología

Ciudad: Bogotá

Año del evento: 2013

Palabras clave: Parvovirus canino

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

Co-infección y recombinación en Parvovirus canino (2013)

GRECCO S.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: 1er Encuentro de Virólogos del Uruguay

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Palabras clave: Parvovirus canino Recombinación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

LA CO-INFECCIÓN COMO MECANISMO DE DIVERSIDAD GENÉTICA EN PARVOVIRUS CANINO (2013)

CARRAU L., Yanina Panzera, Lucía Calleros, Gonzalo Tomás, Ana Marandino, GRECCO S., Lourdes Francia, Martín Hernández, Ruben Pérez

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: 8vas jornadas de Bioquímica y Biología Molecular
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Palabras clave: CPV
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral
Medio de divulgación: Papel

Diagnóstico y caracterización de parvovirus canino durante 2012 en Uruguay (2012)

GRECCO S. , Lucía Calleros , Lourdes Francia , Martín Hernández , Ana Marandino , Yanina Panzera , SOSA K , Ruben Pérez

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: XIV Jornadas de la Sociedad uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Palabras clave: Parvovirus canino

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

Gene Journal (2022 / 2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Veterinary World (2022 / 2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Plos One (2021 / 2021)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Transboundary and Emerging Diseases (2019)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Archives of Virology (2019)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Veterinary World (2019)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

GRADO

Análisis diagnóstico y filogenético de parvovirus canino en Uruguay (2019 - 2020)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sección

Genética Evolutiva , Uruguay
Programa: Carreras de la Facultad de Ciencias
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Emma Condon
País: Uruguay

TUTORÍAS EN MARCHA

GRADO

Compartimentalización de Parvovirus canino en Uruguay (2025)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva , Uruguay
Programa: Licenciatura en Biología
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Bach. Florencia Lundberg
País/Idioma: Uruguay,
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

En busca de virus de relevancia en Una Salud: Detección y Caracterización de los Coronavirus caninos en Uruguay (2024)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva , Uruguay
Programa: Licenciatura en Biología
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Bach. Helena Solares Rodríguez
País/Idioma: Uruguay,

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Mejor trabajo de Doctorado (2024)

(Nacional)
Sociedad Uruguaya de Genética
Trabajo presentado: Genetic variability and evolutionary patterns of canine parvovirus in South America

Llamado a Oportunidades de Ascenso LLOA (2019)

(Nacional)
UdelaR
En el Llamado a Oportunidades de Ascenso LLOA-2019 la comisión evaluadora de la Facultad de Ciencias me evaluó dentro de la Lista 2 - con méritos suficientes para acceder a un LLOA.

Beca Doctorado (2019)

(Nacional)
ANII

Beca Doctorado (2019)

(Nacional)
CAP

Beca Maestría (2017)

(Nacional)
ANII

PRESENTACIONES EN EVENTOS

III Encuentro Uruguayo de Virología (2025)

Congreso
Redefiniendo la clasificación del parvovirus canino: un enfoque filogeográfico con genomas completos
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Alcance geográfico: Regional

XXXVIII Reunión Científica Anual de la Sociedad Argentina de Virología (2018)

Encuentro
Epidemiología viral de parvovirus canino
Argentina
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Virología
Alcance geográfico: Regional

XXXVI Reunión Científica Anual de la Sociedad Argentina de Virología (2016)

Encuentro
Análisis de la evolución de parvovirus canino en Uruguay
Argentina
Tipo de participación: Expositor oral
Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Virología
Alcance geográfico: Regional

1er Encuentro de Virólogos del Uruguay (2013)

Encuentro
Co-infección y recombinación en Parvovirus canino
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Alcance geográfico: Nacional

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

A lo largo de mi trayectoria he realizado aportes sostenidos al fortalecimiento institucional de la Facultad de Ciencias y de organismos nacionales, mediante el desarrollo de capacidades en investigación, diagnóstico y caracterización genómica de virus y otros patógenos de relevancia sanitaria. Mi trabajo ha estado estrechamente vinculado a la promoción de colaboraciones interinstitucionales, tanto a nivel nacional como internacional, contribuyendo a la articulación entre el ámbito académico y los sistemas de salud humana y animal. En particular, he participado en proyectos conjuntos con el Departamento de Laboratorios de Salud Pública del MSP orientados a la vigilancia genómica de virus respiratorios, incluyendo la secuenciación y el análisis de genomas de SARS-CoV-2 durante la pandemia, así como en colaboraciones sostenidas con la División de Laboratorios Veterinarios del MGAP desde 2021. Estas actividades se complementan con una red de colaboración en Latinoamérica y Europa, iniciativas de transferencia tecnológica y la participación en diversas líneas de investigación sobre virus emergentes, metagenómica y vigilancia ambiental, todas ellas con impacto en publicaciones científicas arbitradas y en el desarrollo técnico y analítico del país.

Información adicional

Julio 2025: Aprobación del concurso de méritos y pruebas para la provisión efectiva de un cargo de Asistente Grado 2 de la Sección Genética Evolutiva. N° de llamado 107/24.

Agosto 2015: Aprobación del concurso de méritos y pruebas para la provisión efectiva de dos cargos de Ayudantes Grado 1 de la Sección Genética Evolutiva. N° de llamado 044/15.

Indicadores de producción

ACTIVIDADES	49
Líneas de investigación	1
Proyectos Investigación Desarrollo	13

Docencia	20
Extensión	7
Capacitación Entrenamiento	4
Servicio Técnico Especializado	1
Pasantía	1
Actividad Honoraria	2
PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	72
Artículos publicados en revistas científicas	27
Completo	27
Trabajos en eventos	45
EVALUACIONES	6
Evaluación de publicaciones	6
FORMACIÓN RRHH	3
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	1
Tesis/Monografía de grado	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	2
Tesis/Monografía de grado	2