



ALEJANDRO BUSCHIAZZO

Dr.

alebus@pasteur.edu.uy
<http://pasteur.uy/es/laboratorios/microbiol-molstruct>
 Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural, Institut Pasteur de Montevideo, Mataojo 2020, Montevideo (11400) Uruguay
 Teléfono: 25220910

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
 Categorización actual: Nivel III (Activo)

Fecha de publicación: 03/10/2018
 Última actualización SNI: 03/10/2018

Datos Generales**INSTITUCIÓN PRINCIPAL**

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas
 Dirección: Mataojo 2020 / 11400 / Montevideo, Montevideo, Uruguay
 Teléfono: (598) 25220910 / 120
 Correo electrónico/Sitio Web: alebus@pasteur.edu.uy <http://pasteur.uy/es/laboratorios/microbiol-molstruct>

Formación**Formación académica****CONCLUIDA****DOCTORADO****Ciencias Químicas (1993 - 1998)**

Universidad de Buenos Aires, Argentina
 Título de la disertación/tesis: Estudios moleculares de sialidasas de Trypanosomátidos: relación estructura/función
 Tutor/es: Alberto Carlos Clemente Frasch
 Obtención del título: 1999
 Institución financiadora: Universidad de Buenos Aires, Argentina
 Areas de conocimiento:
 Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Química Biológica
 Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología Molecular

GRADO**Ciencias Biológicas (1986 - 1991)**

Facultad de Ciencias Naturales y Museo de la Universidad Nacional de La Plata, Argentina
 Título de la disertación/tesis:
 Obtención del título: 1991
 Areas de conocimiento:
 Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología / Zoología

Formación complementaria**CONCLUIDA****POSDOCTORADOS****Biología Estructural de Sialidasas de Trypanosomatidos (1999 - 2003)**

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur, Francia
 Institución financiadora: Institut Pasteur Paris, Francia
 Palabras Clave: Cristalografía difracción de rayos X glicobiología estructural

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

ESRF/EMBL COURSE: Strategies in Macromolecular Structure Determination at 3rd Generation Synchrotron Radiation Sources (01/2003 - 01/2003)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Comunidad Europea , Francia

80 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

CCP4/MAX-INF Refinement Workshop (2001)

Tipo: Taller

Institución organizadora: York University, Inglaterra

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Cristalografía Computacional

Idiomas

Francés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Transducción de señales en bacterias

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Actuación profesional

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - FRANCIA

Institut Pasteur

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (12/2015 - a la fecha)

Inv Científico (equivalente a Prof Asociado) ,50 horas semanales

Cargo permanente (staff) equivalente a Profesor Asociado, por concurso. Transferido en comisión al Institut Pasteur de Montevideo (agosto 2006 - continúa).

Funcionario/Empleado (07/2003 - 12/2015)

Inv Científico (equivalente a Prof Asistente) ,40 horas semanales / Dedicación total

Cargo permanente (staff) equivalente a Profesor Asistente (por concurso). Transferido en comisión al Institut Pasteur de Montevideo (agosto 2006 - continúa).

Funcionario/Empleado (08/1999 - 06/2003)

Investigador Contractual Postdoctoral ,40 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Structural biology of glycogen synthase (06/2004 - 07/2006)

20 horas semanales

Departamento de Biología Estructural y Química, Bioquímica Estructural , Integrante del equipo
Equipo: PEDRO ALZARI , LARA, S. , GUERIN, ME , UGALDE, R. , UGALDE, J.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Crystallographic studies of the trans-sialidase from Trypanosoma cruzi (09/1999 - 05/2004)

40 horas semanales

Departamento de Biología Estructural y Química, Bioquímica Estructural , Integrante del equipo
Equipo: ALZARI , WITHERS , FRASCH , AMAYA

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Parasitología

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (10/2006 - 11/2006)

Análisis funcional de genomas microbianos

UdelAR - Facultad de medicina, Departamento de Bioquímica (11/2005 - 11/2005)

Glicobiología Molecular y Celular Coordinador: Dr. Eduardo Osinaga

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO

(07/2006 - a la fecha)

Unidad de Cristalografía de Proteínas

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (07/2006 - a la fecha)

Investigador Científico ,50 horas semanales / Dedicación total

Responsable de la Unidad de Cristalografía de Proteínas / Investigador Principal del Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Biología Estructural de transducción de señales en bacterias (11/2006 - a la fecha)

El objetivo general es entender al nivel molecular los mecanismos de modificaciones estructurales en proteínas que participan en procesos de transducción de señales, con especial énfasis en sistemas a dos componentes de *Bacillus subtilis* y *Leptospira* spp. Nuestro enfoque está fuertemente anclado en aproximaciones cristalográficas para determinar las estructuras

tridimensionales de las macromoléculas a alta resolución, en distintos estados funcionales.

Fundamental

20 horas semanales

Biología Estructural, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Coordinador o Responsable

Equipo: TRAJTENBERG, F. , MECHALY, AE , IMELIO, JA , NIEVES, M

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Aislamiento y tipificación de serovares autóctonos de *Leptospira* (09/2014 - a la fecha)

Esta línea se desarrolla en el marco de un proyecto colaborativo multicéntrico, junto al Instituto Nacional de Investigaciones Agronómicas INIA, el Depto de Bacteriología de la Facultad de Medicina (Instituto de Higiene, UdelaR), el Min de Ganadería, Agricultura y Pesca a través de su División de Laboratorios Veterinarios DILAVE, y el centro nacional de referencia de leptospirosis de Francia (Unité de Biologie des Spirochetes, Institut Pasteur, Paris). El objetivo central es el de aislar cepas autóctonas de bacterias del género *Leptospira* a partir de muestras biológicas de ganado bovino, sospechosos de estar infectados con esta bacteria. Dichos aislamientos serán tipificados con técnicas complementarias (serológicas ya presentes en el país, así como introduciendo técnicas moleculares, de mayor sensibilidad). Esto permitirá la constitución de un cepario de *Leptospira*, hoy ausente en el dominio público, útil para informar sobre serovares relevantes para la preparación de vacunas de mayor eficacia.

Aplicada

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Coordinador o Responsable

Equipo: LARIEUX, N. , SCHELOTTO, F. , VARELA, G. , MENY, P. , RÍOS, C. , QUINTERO, J. , RIET, F. , FRAGA, M. , ZARANTONELLI, L. , NIEVES, C. , TRAJTENBERG, F. , SUANES, A. , SALABERRY, X. , RIVERO, R. , BURONI, F. , DUTRA, F. , BRIANO, C. , BOUHRY, P. , PICARDEAU, M.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Estudio del aparato locomotor de *Leptospira* (03/2013 - a la fecha)

Esta línea está enfocada en el estudio de la arquitectura molecular del filamento del flagelo de *Leptospira* spp. Los flagelos de las espiroquetas son únicos en el sentido de que el filamento queda confinado al espacio periplásmico entre las dos membranas celulares (a diferencia de lo que ocurre en modelos de bacterias Gram negativas "clásicas" como *Escherichia* o *Salmonella*, entre otros, en los que el filamento es típicamente extracelular, perforando la membrana externa). El flagelo periplásmico de las espiroquetas es esencial para que estas bacterias tengan movilidad translacional normal, la cual es fundamental para la virulencia de especies patogénicas. Las bases moleculares que ligan a esta estructura supramolecular con el cuerpo celular, permitiendo el movimiento de natación, son aún desconocidos. Nuestras evidencias preliminares muestran que el filamento de *Leptospira* es mucho más complejo en su constitución proteica que los flagelos de bacterias más estudiadas (en las que el filamento está constituido por una sola especie proteica, la flagelina). Esta línea se está desarrollando en colaboración con equipos en otros Institutos del extranjero, con los que estamos procurando financiación específica (Albert Ko y Charles Sindelar en la Universidad de Yale, USA; Mathieu Picardeau en el Inst Pasteur, Paris)

Fundamental

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Integrante del equipo

Equipo: TRAJTENBERG F. , PICARDEAU, M. , SAN MARTIN, F. , KO, A. , WUNDER, E. , SINDELAR, C.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Estudios estructurales, bioquímicos y biofísicos del ensamblado de la cápside retroviral (01/2011 - 12/2017)

En colaboración con el equipo liderado por el Prof Otto Pritsch (Institut Pasteur de Montevideo), nosotros nos hemos enfocado en los aspectos estructurales de la cápside del virus de la leucemia bovina (BLV por sus siglas en inglés). Hemos resuelto la estructura cristalográfica de la cápside nativa del BLV, brindando información sustancial sobre los residuos clave en el auto-ensamblado de esta superestructura macromolecular. Las interacciones con proteínas de la célula hospedera nos interesan para entender mecanismos biológicos de regulación del ensamblado y desensamblado durante el ciclo de vida de retrovirus.

Fundamental

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Integrante del equipo

Equipo: TRAJTENBERG F , CARRION, F , LARIEUX, N. , PRITSCH, O.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Factores de virulencia en la patogénesis de la enfermedad de Chagas (07/2008 - 08/2012)

El proyecto se centra en el estudio estructural y bioquímico de inmunocomplejos neutralizantes de anticuerpos específicos dirigidos contra la trans-sialidasa de Trypanosoma cruzi, un factor patogénico en la enfermedad de Chagas.

5 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas , Integrante del equipo

Equipo: CAMPETELLA, O. , LARIEUX, N.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ser/Thr Kinasas de Leishmania (10/2008 - 10/2011)

Somos un equipo colaborador en el marco del proyecto LEISHDRUG, un esfuerzo multicéntrico financiado por la Unión Europea (programa FP7 Salud), y coordinado por Gerald Spaeth (Institut Pasteur - Paris). El consorcio busca desarrollar nuevas drogas contra la infección por Leishmania, haciendo foco en las proteínas quinasas del parásito. Nuestro grupo está a cargo de los objetivos vinculados a los estudios estructurales de dichas enzimas, siguiendo una estrategia de priorización en función de datos fenotípicos y bioinformáticos provistos por otros laboratorios del consorcio.

20 horas semanales

Biología Estructural, Unidad de Cristalografía de Proteínas , Integrante del equipo

Equipo: BUSCHIAZZO, A. , SPAETH, G. , HORJALES, S.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalización

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Mecanismo molecular de la señalización en bacterias: la direccionalidad desde la señal a la respuesta (04/2018 - a la fecha)

La señalización es un fenómeno distintivo de la vida, permitiendo a las células adaptarse en respuesta a señales de entrada. Los sistemas de dos componentes (TCS, del inglés "two-component systems"), son maquinarias proteicas que controlan el flujo de información de un modo señal-dependiente en una gran variedad de organismos. Para ello utilizan arreglos conformacionales 3D de las proteínas implicadas, ligados a la transferencia de un grupo fosforilo, entre la histidina-quinasa sensora (HKs, del inglés "histidine kinase"), y el regulador de respuesta (RR). Los TCSs aseguran alta especificidad (evitando la asociación de pares HK:RR inespecíficos, entre docenas de TCSs co-expresados en la célula), eficiencia y direccionalidad. Estos últimos dos aspectos están aún mal comprendidos, a pesar de su relevancia fundamental en Biología. ¿Cómo se evita la pérdida del fosforilo en ciclos fútiles de fosfotransferencia/desfosforilación? O bien, ¿cómo se regula la dirección apropiada de las vías minimizando las fosfotransferencias reversas? Revelar los mecanismos moleculares subyacentes es un objetivo central de esta propuesta. Nuestros resultados preliminares apoyan la hipótesis de que la fosfotransferencia ocurre como una reacción de sustitución nucleofílica disociativa, directamente correlacionada a la importante distancia interatómica observada entre los átomos dador (HisHK-Ne) y aceptor (AspRR-Od) del fosforilo. Este proyecto pondrá a prueba las hipótesis, interrogando TCSs modelo de sistemas reversibles e irreversibles, combinando abordajes complementarios, experimentales (mutagénesis sitio-específica, cristalografía y bioquímica de reacciones de fosfotransferencia) y computacionales (simulaciones clásicas y cuánticas). Los avances contribuirán a entender la evolución de sistemas de fosfotransferencia irreversible (P~His-->Asp), tal como en los TCSs canónicos. Así como otros reversibles ([P~]His<-->Asp[~P]), típicos en módulos TCS de sistemas más complejos de tipo "phosphorelay". Anticipamos también contribuir en Biología Sintética, haciendo más predecible el diseño de biosensores basados en nuevas especificidades HK/RR: asegurando eficiencia y direccionalidad, por incorporación de elementos de simetría/asimetría en los sitios de reacción.

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural

Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Doctorado:2
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Marcelo Martí , Felipe TRAJTENBERG PAREJA , Joaquín DALLA RIZZA AISHEMBERG ,
Claudia Nicole LARRIEUX CIUFFREDA , Matías Rodrigo MACHADO GONZALEZ
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología
Estructural y Ciencia de Proteínas

Integrative Microbiology of Zoonotic Agents (IMiZA) (01/2017 - a la fecha)

This project is aimed at studying leptospirosis, an emerging zoonosis, integrating complementary approaches. *Leptospira* adapts to diverse conditions within the human/animal hosts and the environment. We are conducting genetics, genomics, transcriptomics, proteomics, biochemistry and structural biology approaches to understand signaling, regulation and motility in these atypical bacteria. Fundamental biology insights shall uncover critical protein targets, instrumental for novel immunoprophylactic/therapeutic intervention strategies. This project is funded through an Joint International Unit program (Institut Pasteur-Paris/Institut Pasteur Montevideo). IMiZA is built upon complementation of existing skills in the two associated labs, Structural Biology (at IP-Montevideo) and Molecular Genetics (at IP-Paris), skills that are being consolidated. Vaccine design, an exciting new challenge, will jointly build expertise in Structural and Reverse Vaccinology. To undertake such a challenge, current collaborations will be consolidated, and new ones launched within and beyond the Inst Pasteur International Network. This project will set the foundations for future studies of other zoonoses (TB, brucellosis, campylobacteriosis). The general aims of IMiZA are focused on i- elucidating adaptation mechanisms of *Leptospira* in human and animal hosts, as well as in the environment; ii- uncovering novel protein targets; iii- identifying novel immunoprophylactic/therapeutic intervention strategies; and, iv- building novel capacities to tackle other zoonoses (TB, brucellosis, etc) in the future. Specific aims: 1. To identify mechanisms involved in the survival and persistence of leptospires in the environment and the host. This aim will significantly extend our current lines of research; 2. To perform a comprehensive analysis of leptospiral exoproteins. We have preliminary proteomics data of *Leptospira* extracellular proteins (Eshghi et al., 2015). Outer membrane and secreted proteins constitute key components through which the bacteria interact with their surrounding environments. Critical targets, including the immunoglobulin-like protein LigA and Leucine-Rich Repeat (LRR) proteins will be studied focusing on their interactions with host proteins. 3. To develop new leptospirosis vaccines. With expected impact in animal and public health, the Buschiazzi team is focused on bovine leptospirosis within a collaborative multi-centric project (2015-2018; including veterinarian vaccine companies). This Uruguayan network has been established, with key local partners enabling sampling and field studies of vaccine efficacy and potency. The Picardeau team is identifying *Leptospira* strains in France, and surface-exposed antigens, towards canine vaccines (in collaboration with industrial partners). A synergic cooperation between Paris and Montevideo will now be possible through this project.

15 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural

Investigación
Coordinador o Responsable

En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Maestría/Magister:1

Doctorado:3

Financiación:
Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: Mathieu PICARDEAU (Responsable)

Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de
Espiroquetas

Creación y caracterización de un banco de cepas de *Leptospira* spp. aisladas de casos de leptospirosis bovina en Uruguay (06/2015 - a la fecha)

La leptospirosis es una de las zoonosis más extendidas mundialmente. Es una enfermedad transmisible que afecta a animales y a seres humanos, causada por las especies patógenas del género *Leptospira*. Se transmite de los animales infectados al hombre generando en este último una enfermedad seria, con signos clínicos severos. Si no es diagnosticada y tratada adecuadamente puede ser mortal. La leptospirosis tiene un alto impacto en el área veterinaria y de salud animal. En

bovinos, la infección aguda de terneros causa septicemia y alta mortalidad y en vacas causa abortos, nacimiento de crías débiles, mastitis y agalactia. La infección crónica causa disminución de la eficiencia reproductiva del rebaño, con mayor número de servicios por preñez y aumento del intervalo entre partos. Vacunas y antibióticos son herramientas disponibles para el control de esta enfermedad en animales y protección indirecta en el hombre. Sin embargo la variabilidad antigénica del género *Leptospira*, que permite la clasificación en serovares, puede comprometer la eficacia de las vacunas elaboradas con bacterias inactivadas. Para ser eficientes las vacunas tienen que incluir cepas autóctonas antigénicamente aptas dado que hay serovares que son menos inmunogénicos que otros y la protección cruzada es limitada. Uruguay no cuenta con una colección de cepas autóctonas en el dominio público y no se sabe qué cepas o serovares circulan y cuál es la dinámica de cambio de serovares prevalentes en el tiempo. Este proyecto propone la constitución de un equipo colaborativo e interdisciplinario para abordar la leptospirosis bovina. La culminación exitosa permitirá la creación de un banco de cepas de *Leptospira* spp aisladas a partir de casos de leptospirosis en el ganado vacuno. Dicho banco será caracterizado mediante técnicas serológicas y moleculares generando datos microbiológicos locales genuinos que sirvan de base para la producción y el control de calidad de las vacunas nacionales.

15 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Desarrollo

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: SCHELOTTO, F. , VARELA, G. (Responsable) , MENY, P. , RÍOS, C. , RIET, F. (Responsable) , FRAGA, M. , ZARANTONELLI, L. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable) , ACUÑA, P. (Responsable) , CATTANEO, M (Responsable) , COSTOYA, R (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Tipificación y diagnóstico de *Leptospira* spp. por técnicas moleculares: hacia el diseño de vacunas recombinantes (09/2014 - 09/2017)

La leptospirosis es una de las zoonosis con más amplia distribución en el mundo. Causada por distintas cepas patógenas de *Leptospira* spp., afecta a todas las especies de animales domésticos. En bovinos es una de las principales causas de aborto, así como un permanente riesgo de dispersión de la zoonosis, en especial para trabajadores vinculados al trabajo de campo. *Leptospira* spp. presenta una enorme variabilidad antigénica, y una gran cantidad de hospedadores potenciales. Es por ende un tema complicado a la hora de generar programas de control eficaces. La vacunación sigue siendo una herramienta muy preciada para la prevención de los animales sanos y susceptibles. Las vacunas contra leptospirosis bovina actualmente disponibles en el mercado consisten en suspensiones de leptospirosis inactivadas. En dichas formulaciones se incluyen uno o más serovares. Sin embargo, la eficacia de las vacunas actuales es cuestionada. Si bien la técnica de microaglutinación (MAT), que lleva adelante la DILAVE (Ministerio de Ganadería, Agricultura y Pesca) continúa siendo la técnica gold standard para diagnosticar infecciones de acuerdo a serovares, es bien conocido que presenta una baja sensibilidad. El MAT puede ser útil para el diagnóstico en casos agudos, pero puede dificultarlo en otros, por ejemplo en el curso crónico y subclínico de la enfermedad. Este proyecto se propone aislar cepas locales de *Leptospira*, y tipificarlas con aproximaciones tanto serológicas como moleculares. Así se podrá contar con un cepario bien caracterizado, del que hoy no disponen las entidades nacionales de vigilancia y control sanitario. Asimismo, desarrollar un método de diagnóstico molecular rápido de *Leptospira* a partir de muestras biológicas, permitiría implementar precozmente la terapia con antibióticos. Toda esta información asesorará en la formulación de vacunas. El análisis de antígenos inmunogénicos permitirá también establecer bases moleculares para el diseño u optimización de futuras vacunas recombinantes.

15 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:2

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TRAJTENBERG F , LARIEUX, N. , ZARANTONELLI, L. , NIEVES, C. , SUANES, A. , SALABERRY, X. , BURONI, F. , BOUHRY, P. , PICARDEAU, M. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Determination of the molecular and immunological features of the non-structural secreted glycoprotein from Ebola virus (05/2015 - 05/2017)

La fiebre hemorrágica Ébola es una enfermedad viral que afecta a los seres humanos y los primates no humanos, para la que aún nos falta información importante en cuanto al mecanismo de patogénesis. Nosotros nos planteamos generar datos relevantes al nivel molecular, que serán pues pertinentes para el desarrollo de estrategias profilácticas efectivas y/o intervenciones terapéuticas. Nos proponemos estudiar en detalle la estructura 3D de la forma secretada de la glicoproteína (sGP) del virus Ébola, que a pesar de ser secretada abundantemente en los pacientes infectados, aún no ha sido dilucidada su función biológica. sGP comparte una gran parte de su secuencia con la glicoproteína estructural de superficie del virus. Por ende nos parece interesante entender mejor las características comunes y distintivas entre las dos variantes, dadas las funciones clave que desempeña la forma de superficie: fijación a la célula hospedera y fusión de membranas. La expresión temprana y la secreción en el torrente sanguíneo de los pacientes también hace de la glicoproteína no estructural sGP una molécula de mucho interés para diagnóstico.

5 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural
Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Institut Pasteur Paris, Francia, Apoyo financiero

Equipo: CARRION, F , PRITSCH, O.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Cell signaling in bacterial pathogenesis: iron metabolism regulation in *Leptospira* as a working model (10/2011 - 03/2014)

El proyecto está centrado en la dilucidación de los mecanismos moleculares de la transducción de señales en *Leptospira* spp., incluyendo en particular a las especies patógenas que causan leptospirosis, a través de una aproximación multidisciplinaria. Más específicamente, procuramos combinar la potencia de la genómica masiva de próxima generación, genética, biología estructural y biología celular, para conectar las escalas de nivel molecular y celular. Nos proponemos identificar genes en *Leptospira*, involucrados en la respuesta a niveles de hemo y hierro; caracterizar la vía de señalización que implica al sistema a dos componentes Hklep/Rrlep, ligado a la regulación de la biosíntesis de hemo en estas bacterias; y, realizar estudios de localización subcelular de sistemas de señalización bacterianos.

10 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Cristalografía de Proteínas

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: TRAJTENBERG, F., BOTTI, H., AGUILAR, P., PICARDEAU, M., KO, A.

Palabras clave: Cristalografía biosíntesis de hemo regulación sistema a dos componentes

Virulence factors in the pathogenesis of Chagas Disease. (07/2008 - 08/2012)

Trypanosoma cruzi is the causative agent of Chagas disease or American Trypanosomiasis. Chagas Disease continues to be a relevant infectious cause of death in Latin America where at least 50,000 people die every year and many young men become disabled to rural work with high economic impact to their families. It is estimated that 18,000,000 persons are already infected and 100,000,000 are at risk of infection with 200,000 new cases/year. The disease is also transmitted in uterus and by contaminated blood extending the risk of infection out of the endemic regions.

Even though this parasite is unable to synthesize sialic acids de novo, its attachment to, and invasion of host cell as well as its physical protection against serum lytic factors depend upon the sialylation of its membrane-anchored components. To circumvent this gap, the parasite expresses a novel trans-sialidase (TS) activity on its surface, which scavenges sialyl residues from host glycoconjugates and use them to transglycosylate its own acceptor molecules. No similar mammal enzyme is described. In addition to the parasite surface-associated role TS is shed into the bloodstream. The systemically distributed enzyme triggers several of the pathologic findings associated to the acute phase of the disease by inducing apoptosis on different cells of the immune system, thrombocytopenia and erythropenia. The control of this virulence factor by neutralizing antibodies results in prevention of all those abnormalities then suggesting a target for

chemotherapy This project attempts to obtaining novel cellular and molecular insights into the multiple pathogenic roles played by TS during infection and to obtain clues for the rational design of inhibitors that might be used in chemotherapy. The immune cells glycoconjugates involved as targets of the TS are being identified by tagged sugars and mass spectra to gain knowledge on the cellular mechanisms involved. The interaction of the modified surface molecules with the endogenous ligands that leads to the associated mechanisms of death are also being searched. The extent to which the immune system damage induced by the TS is reflected on the ongoing immune response will be determined by using ovalbumin specific TCR transgenic mice. The structural basis of the TS inhibition is being studied by the 3D resolution of the binary complex with a high affinity neutralizing monoclonal antibody.

5 horas semanales

Institut Pasteur de Montevideo , Unidad de Cristalografía de Proteínas

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: CAMPETELLA, O. (Responsable) , LARRIEUX, N.

Palabras clave: chagas anticuerpos monoclonales neutralizantes cristalografía de inmunocomplejos factores de virulencia

Signal transduction in *Leptospira* virulence regulation: a multidisciplinary approach. (07/2010 - 07/2012)

Signal transduction is a fundamental biologic phenomenon, allowing cells to sense and adapt to changing environmental conditions. In bacteria, two component systems (TCS) play a key role in signaling. *Leptospira* has a high number of kinase/regulatory TCSs. Serine/threonine protein kinases, which are much more common in eukaryotes, are also present in *Leptospira* genomes, strongly suggesting complex modes of regulation. This pilot project aims to generate preliminary results to prove that protein-kinase mediated signaling, regulates *Leptospira* virulence. This will produce novel insights into pathogenesis mechanisms at the molecular level. A multidisciplinary approach complementing bioinformatics, molecular biology, in vivo and structural biology methods, is envisaged to achieve our goals. The term virulence is explicitly associated to any biological function of the bacteria enabling it to better colonize, invade, or damage the cognate hosts it infects. Phenomena such as chemotaxis, locomotion, temperature sensing, quorum sensing and biofilm formation, among others, may all be directly coupled to virulence and pathogenicity. Many of these aforementioned processes are probably controlled by sensory transduction systems, as has been described in other bacterial models, thereby allowing to safely predict kinase/regulators as main players in *Leptospira* pathogenesis. Very little is known about signaling and regulation in *Leptospira*, in contrast with other classical bacterial models. Simultaneously, the understanding of the mechanisms of signal transduction and how these pathways are able to regulate different cellular responses, is still poorly understood at the molecular level in the whole Microbiology field. This makes *Leptospira* spp. an excellent model to undertake a combined microbiological and structural/molecular approach. Our work will rely on microbiological and animal model approaches to study selected HK mutants, which will be also studied at the molecular level using protein crystallography. In combination with a data mining effort based on state-of-the-art bioinformatics tools, we will attempt to extend current knowledge of signal transduction by exploiting the available genomic/transcriptomic/proteomic data in *Leptospira* spp. The teams involved have complementary expertise in all these areas, enabling to pursue the consolidation of a molecular pathogenesis task force. The training of personnel in these complementary techniques will be a major aim of the program. At the end of the project we expect to have *obtained a database of novel kinase/regulator targets in *Leptospira* spp.; *identified kinase/regulator knockouts that attenuate *Leptospira* virulence; and, *solved high resolution 3D structures of selected kinase/regulator proteins to determine structural motifs related to virulence. The collaborative nature of this proposal will allow this task force to later join ongoing wider-scope efforts in leptospirosis, offering a validated knowhow in molecular pathogenesis.

15 horas semanales

Biología Estructural , Unidad de Cristalografía de Proteínas

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: BOTTI, H , TRAJTENBERG, F. , GRAÑA, M. , PICARDEAU, MATHIEU , KO, ALBERT , RISTOW, P , NAYA, H , BENAROUDJ, N , WUNDER, E , REIS, M , BOURHY, P

Palabras clave: two component systems response regulators Ser/Thr protein kinases protein crystallography leptospirosis signal transduction

Targeting the *Leishmania* kinome for the development of novel anti-parasitic strategies (10/2008 - 10/2011)

Type of funding scheme: Framework Program 7 multicentric Collaborative project, Small or medium-scale focused research project) HEALTH-2007-2.3.4-1: Development of new tools to control infections due to parasites of the Trypanosomatidae family

10 horas semanales

Biología Estructural , Unidad de Cristalografía de Proteínas

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: GERALD SPAETH (Responsable) , LUCIO FREITAS-JUNIOR , ALIA BENKAHLA , DAN ZILBERSTEIN , SIMON CROFT , MANUELA HELMER-CITTERICH , LUIS RIVAS , CEDRIC NOTREDAME , LAURENT MEIJER , IAIN PEMBERTON , DAVID ANDREU , CONRAD KUNICK

Estudios estructurales del mecanismo de transducción de señales en bacterias Gram+ (04/2009 - 04/2011)

Nos proponemos estudiar al nivel molecular cómo las bacterias son capaces de transducir la señal externa ligada a la variación térmica ambiental, adaptando su maquinaria de desaturación de ácidos grasos para modular la fluidez de la membrana. Para ello, centraremos nuestros esfuerzos en el estudio estructural del sistema de dos componentes DesK/DesR de *B. subtilis*. Comprender, 1) cómo una histidin-quinasa logra transducir una señal a través de rearrreglos moleculares, 2) cómo estos cambios modulan su actividad enzimática, y, en fin, 3) cómo la histidin-quinasa se asocia específicamente con su regulador de respuesta para transferirle el grupo fosfato o desfosforilarlo, constituyen el núcleo de nuestro interés científico. Nuestra hipótesis es que la transducción de la señal en histidin-quinasas implica un rearrreglo conformacional intramolecular que modula sus actividades catalíticas y, eventualmente, su afinidad por otras proteínas específicas de la vía. DesK salvaje y mutantes específicos permiten atrapar distintos estados funcionales. Determinar sus estructuras 3D a alta resolución, brindará información relevante para comprender el mecanismo de transducción de señales al nivel molecular.

10 horas semanales

Biología Estructural , Unidad de Cristalografía de Proteínas

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Equipo: TRAJTENBERG, F. , RUETALO, N. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable)

Palabras clave: Cristalografía coiled-coils transduccion de señales

Molecular mechanisms of signaling in fatty acid synthesis of Gram-positive bacteria (01/2007 - 05/2010)

The molecular understanding of lipid biosynthesis regulation in Gram+ bacteria is still fragmentary. To unravel the mechanisms of signal integration in two key pathways of lipid homeostasis in *Bacillus subtilis*, we will focus on the study of two proteins that play a central role, DesK and FapR. The synthesis of unsaturated fatty acids is tightly controlled in response to cold shock, through a two-components system. This system includes a trans-membrane histidine-kinase, DesK, from which we have recently solved the 3D structure of the cytoplasmic domain. DesK detects a drop in environmental temperature, autophosphorylates and transfers thereafter the phosphate to its response regulator partner DesR, which finally regulates the expression of a key desaturase. We wish to understand which is the molecular nature of the signal detected by DesK and how this protein is able to integrate it in order to further transduce it. On the other hand, FapR is a protein that represses the transcription of almost all the genes encoding the enzymes of fatty acid synthesis. We have solved the 3D structure of one of its domains, proving that it directly binds the positive effector: malonyl-coenzymeA. Our current hypothesis puts forward a major conformational rearrangement triggered by malonyl-CoA, ultimately resulting in FapR releasing its DNA operator. Given that FapR is a global regulator highly conserved among Gram+ bacteria, validation of our structural hypotheses will also contribute to the identification and design of novel antibiotic molecules. All the target proteins of the project are available from the coordinators team as recombinant soluble material, highly purified and corresponding both to the full-length and the separated sub-domain versions. We will use an approach combining disciplines coming from biology and physics. We will rely on crystal-state X-ray diffraction to pursue our work aimed at solving the 3D structures of each different component, free or complexed with its cognate partner/ligand: full-length DesK (including its trans-membrane domain), alone and associated with DesR; full-length FapR with and without DNA and/or malonyl-CoA. Detailed comparison of high resolution structures along the transduction pathways will generate and/or validate mechanistic hypotheses to be tested by site-directed mutagenesis and functional experiments. The static crystallographic

structures will be complemented by physics techniques that study the proteins in solution. NMR spectroscopy and complete thermodynamic characterizations of the protein targets represent high priority tasks. Methodological developments are envisaged both in NMR analyses of conformational dynamics as well as in structural thermodynamics to explain the cooperative phenomena. We plan to apply structural bioinformatics methods to both systems under study, in order to design small molecules using the structural and dynamic information that will be gathered. We are particularly interested in identifying malonyl-CoA mimetics unable to trigger transcriptional induction. The synthesis of candidate molecules selected from the virtual screenings, will allow their characterization in vitro and their validation in vivo.

20 horas semanales

Unidad de Cristalografía de Proteínas , Lab de Biología Estructural

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:1

Doctorado:1

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: ALZARI, P. , NILGES, M. , DE MENDOZA, D. , VILA, A. , BUSCHIAZZO, A. (Responsable)

EXTENSIÓN

Actividad conjunta de formación de profesores secundarios en Biología, Química y Física (04/2008 - 10/2008)

Institut Pasteur de Montevideo, Cristalografía y Biofísica de Proteínas - junto con el CERP de

Colonia

2 horas

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (04/2015 - 04/2015)

Macromolecular Crystallography School 2013: From data processing to structure refinement and beyond

45 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (11/2014 - 11/2014)

Modern Approaches in Drug Discovery for Neglected Infectious Diseases

45 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (04/2013 - 04/2013)

Macromolecular Crystallography School 2013: From data processing to structure refinement and beyond

45 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas (04/2010 - 04/2010)

Macromolecular Crystallography : Introduction and Applications

45 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Biología Estructural, Unidad de Cristalografía de Proteínas (09/2008 - 09/2008)

Curso de Introducción a la Virología Estructural
40 horas semanales

Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

UdelaR - Facultad de Ciencias, Curso Regional AMSUD Pasteur (11/2007 - 12/2007)

Folding, misfolding and degradation of cellular proteins. Coordinadora: Dr. Monica Marin

UdelaR, Fac de Medicina (12/2005 - 12/2005)

Curso Regional AMSUD-Pasteur, sobre Glicobiología Celular y Molecular
40 horas semanales

Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO

Jefe de la Plataforma Tecnológica de Cristalografía de Proteínas - Institut Pasteur de Montevideo (09/2006 - a la fecha)

Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Cristalografía de Proteínas
2 horas semanales

Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro Pleno (06/2007 - a la fecha)

Institut Pasteur de Montevideo, Claustro de Investigadores
Participación en consejos y comisiones

Miembro de la Comisión de Investigaciones del Inst Pasteur de Montevideo (01/2014 - 01/2017)

Institut Pasteur de Montevideo
Participación en consejos y comisiones, 5 horas semanales

Miembro Pleno en representación de los investigadores (09/2009 - 05/2010)

Institut Pasteur de Montevideo, Comisión de Plan Estratégico
Participación en consejos y comisiones

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ARGENTINA

Inst. Investigaciones Biotecnológicas-Inst. Tecnológico de Chascomús

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (03/1997 - 07/1999)

Jefe de Trabajos Prácticos, 40 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Estudios estructural/funcionales de sialidasas de Trypanosoma (03/1997 - 07/1999)

40 horas semanales
Área de Investigación, Laboratorio de Biología Molecular, Integrante del equipo
Equipo:

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Enzimología

DOCENCIA

(03/1997 - 07/1999)

Grado

Asignaturas:

Bases de Biotecnología y Biología Molecular, horas

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ARGENTINA

Facultad de Ciencias Exactas y Naturales Universidad de Buenos Aires

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (03/1993 - 03/1997)

Docente auxiliar, 9 horas semanales

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Ciencias Biológicas (03/1993 - 03/1997)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Genética Molecular, horas

Introducción a la Biología Molecular y Celular, horas

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas

Carga horaria de investigación: 30 horas

Carga horaria de formación RRHH: 15 horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

Tempranamente en mi carrera, contribuí a dilucidar el mecanismo catalítico de las sialidasas. Estudiando la estructura 3D de sialidasas de Trypanosomas, dicho trabajo también desembocó en la identificación racional de inhibidores. Extendiendo a otras enzimas relevantes de parásitos trypanosomátidos, resolví la estructura 3D de la primera prolina racemasa eucariota (*Trypanosoma cruzi*), dilucidando su mecanismo catalítico, y resultando en una patente enfocada en el desarrollo de drogas trypanocidas. A partir del trabajo en sialidasas, participé luego en el estudio estructural de otras glicosiltransferasas de relevancia biológica, tales como la primera glucógeno sintetasa reportada, o también manosiltransferasas esenciales de mycobacterias (tuberculosis).

Más recientemente, y hasta la actualidad, me he concentrado en el estudio de rearrreglos conformacionales (alosterismo) en proteínas clave de mecanismos de regulación en virus, bacterias y trypanosomátidos. Al cabo de estudiar Ser/Thr-kinasas de *Leishmania*, nuestro interés principal ha sido enfocado en bacterias. Inicialmente estudiando a FapR (regulador global de la biosíntesis de ácidos grasos en Gram+), luego nos implicamos centralmente en el estudio de sistemas de dos componentes (SDC), que transducen señales del ambiente al interior de las células disparando respuestas adaptativas. Estudiando varios SDCs (DesK/DesR de *B. subtilis*; HemK/HemR y LvrA/LvrB de *Leptospira*; entre otros), nos proponemos entender cómo trabajan en concierto las histidin-kinasas sensoras y sus partners específicos los reguladores de respuesta, al nivel molecular. Ambos componentes proteicos se comunican por transferencia de grupos fosforilo, actividad modulada en forma señal-dependiente. Nuestro trabajo ha contribuido a entender los determinantes moleculares que dichas proteínas señalizadoras poseen, asegurando que la señal se transmite en forma específica (sin "cross-talk" inespecífico entre sistemas diferentes), con la correcta dirección (catalizando fosforil-transferencias reversibles o irreversibles en distintos sistemas) y de forma eficiente (sin ciclos fútiles de fosfotransferencia y defosforilación simultáneos).

Recientemente hemos extendido el trabajo en SDCs a otros modelos biológicos con interés biomédico y veterinario. Nos interesamos en espiroquetas del género *Leptospira*, agente causal de la leptospirosis, una zoonosis de gran importancia clínica. Hemos identificado SDCs que son factores de virulencia en dichas bacterias, o que regulan la expresión de factores de patogenicidad.

En forma derivada a la identificación de proteínas clave de virulencia en *Leptospira*, ahora nos proponemos desarrollar vacunas veterinarias, usando un abanico de aproximaciones: desde las más clásicas, hasta el diseño innovador de vacunas recombinantes diseñadas con técnicas de punta de vacunología reversa y estructural. Las ideas clásicas se basan en métodos ya validados para obtener vacunas de mediana eficacia: formulaciones de bacterias enteras muertas (bacterinas), pero eligiendo los serovares antigénicos correctos que circulan en el país o región. Coordino un esfuerzo multicéntrico en este sentido, que ha creado el primer banco de cepas autóctonas en el dominio público en Uruguay, obtenidas a partir de aislamientos de casos de leptospirosis bovina. La identificación de antígenos proteicos individuales de importancia funcional para el patógeno (por ej factores de virulencia, o bien antígenos esenciales muy expuestos como los del aparato locomotor flagelar), nos guía nuestro trabajo actual hacia vacunas a subunidades recombinantes.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Isolation of pathogenic *Leptospira* strains from naturally infected cattle in Uruguay reveals high serovar diversity, and uncovers a relevant risk for human leptospirosis (Completo, 2018)

ZARANTONELLI L., A. SUANES, Buroni F., Nieves, C., Ximena SALABERRY DEAMBROSIO, BRIANO CAROLINA, Ashfield, N., Silveira, C.S., DUTRA, F., Cristina Easton, FRAGA M., Giannitti F., Camila Hamond, Macías-Rioseco, Menendez, C., Mortola, A., Picardeau, M., Quintero, J., Rios, C., Rodríguez, V., ROMERO A., VARELA, G., Rivero, R., SCHELOTTO F., Riet-Correa F., BUSCHIAZZO, A.

PLoS Neglected Tropical Diseases, v.: 12 9, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

ISSN: 19352735

DOI: [10.1371/journal.pntd.0006694](https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0006694)

WEB OF SCIENCE™

Conformational plasticity of the response regulator CpxR, a key player in Gammaproteobacteria virulence and drug-resistance (Completo, 2018)

AEM, Haouz, A., Sassoon, N., BUSCHIAZZO, A., Betton, JM, Alzari, M

Journal of Structural Biology, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

ISSN: 10478477

DOI: [10.1016/j.jsb.2018.08.001](https://doi.org/10.1016/j.jsb.2018.08.001)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

SIMBAD: a sequence-independent molecular-replacement pipeline (Completo, 2018)

Simpkin, AJ, Simkovic, F., Thomas, JMH, Savko, M, Lebedev, A, Uski, V, Ballard, C, Wojdyr, M, Wu, R, Sanishvili, R, Xu, Y, María-Natalia Lisa, BUSCHIAZZO, A., Shepard, W, Rigden, DJ, Keegan, RM
Acta Crystallographica Section D-Biological Crystallography, v.: 74 7, p.:595 - 605, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

ISSN: 09074449

DOI: [10.1107/S2059798318005752](https://doi.org/10.1107/S2059798318005752)

Scopus®

Lvr, a Signaling System That Controls Global Gene Regulation and Virulence in Pathogenic *Leptospira*. (Completo, 2018)

Adhikarla, H., Wunder, E.A. Jr., Mechaly, A.E., Mehta, S., Wang, Z., Santos, L., Bisht, V., Diggle, P., Murray, G., Adler, B., Lopez, F., Townsend, J.P., Groisman, E., Picardeau, M., BUSCHIAZZO, A., Ko, A.I.

Frontiers in Cellular and Infection Microbiology, v.: 8 p.:45 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 2235-2988

DOI: [10.3389/fcimb.2018.00045](https://doi.org/10.3389/fcimb.2018.00045)

<https://www.frontiersin.org/journals/cellular-and-infection-microbiology>

The crystal structure of the malic enzyme from *Candidatus Phytoplasma* reveals the minimal structural determinants for a malic enzyme. (Completo, 2018)

Alvarez, C.E., Trajtenberg, F., Larrieux, N., Saigo, M., Golic, A., Andreo, C.S., Hogenhout, S.A., Mussi, M.A., Drincovich, M.F., BUSCHIAZZO, A.

Acta Crystallographica Section D-Biological Crystallography, v.: 74 p.:332 - 340, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural y Ciencia de Proteínas
ISSN: 09074449
DOI: [10.1107/S2059798318002759](https://doi.org/10.1107/S2059798318002759)
Scopus

FcpB is a surface filament protein of the endoflagellum required for the motility of the spirochete *Leptospira* (Completo, 2018)

Wunder Jr., E.A. , Slanti, L. , Suwondo, D.N. , Gibson, K.H. , Shang, Z. , Sindelar, C.V. , Trajtenberg, F. , BUSCHIAZZO, A. , Ko, A.I. , Picardeau, M.
Frontiers in Cellular and Infection Microbiology, v.: 8 p.:130 2018
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 2235-2988
DOI: [10.3389/fcimb.2018.00130](https://doi.org/10.3389/fcimb.2018.00130)
<https://www.frontiersin.org/article/10.3389/fcimb.2018.00130>

Structural Coupling between Autokinase and Phosphotransferase Reactions in a Bacterial Histidine Kinase (Completo, 2017)

MECHALY AE , SOTO DIAZ S , SASSOON N , BUSCHIAZZO, A. , BETTON JM , ALZARI PM
Structure (London, England), v.: 25 6 , p.:939 - 944, 2017
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
ISSN: 09692126
DOI: [10.1016/j.str.2017.04.011](https://doi.org/10.1016/j.str.2017.04.011)
Scopus WEB OF SCIENCE

Crystallization of FcpA from *Leptospira*, a novel flagellar protein that is essential for pathogenesis. (Completo, 2017)

SAN MARTIN F , MECHALY AE , LARRIEUX N , WUNDER EA JR , KO AI , PICARDEAU M , TRAJTENBERG, F. , BUSCHIAZZO, A.
Acta Crystallographica Section F: Structural Biology and Crystallization Communications, v.: 73 p.:123 - 129, 2017
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
ISSN: 17443091
DOI: [10.1107/S2053230X17002096](https://doi.org/10.1107/S2053230X17002096)
WEB OF SCIENCE

Snapshots of the Signaling Complex DesK:DesR in Different Functional States Using Rational Mutagenesis and X-ray Crystallography. (Completo, 2017)

Imelio, J.A. , Larrieux, N. , Mechaly, A.E. , Trajtenberg, F. , BUSCHIAZZO, A.
Bio-Protocol, v.: 7 p.:2510 2017
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas
Medio de divulgación: Internet
Escrito por invitación
ISSN: 2331-8325
DOI: [10.21769/BioProtoc.2510](https://doi.org/10.21769/BioProtoc.2510)
<https://bio-protocol.org/>

What Makes a Bacterial Species Pathogenic?:Comparative Genomic Analysis of the Genus *Leptospira* (Completo, 2016)

MATTHIAS, MA , FOUTS, DE , ADHIKARLA, H , ADLER, B. , AMORIM-SANTOS, L. , BERG, D.E. , BULACH, D. , BUSCHIAZZO, A. , CHANG, Y.F. , GALLOWAY RL , HAAKE DA , HAFT DH , HARTSKEERL R , KO, A.I. , LEVETT PN , MATSUNAGA J , MECHALY A.E. , MONK JM ,

NASCIMENTO AL, NELSON KE, PALSSON B, PEACOCK SJ, PICARDEAU M, RICALDI JN, THAIPANDUNGPANIT J, WUNDER EA JR, YANG XF, ZHANG JJ, VINETZ JM
PLoS Neglected Tropical Diseases, v.: 10 2, 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 19352735

DOI: [10.1371/journal.pntd.0004403](https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0004403)

WEB OF SCIENCE™

Data publication with the structural biology data grid supports live analysis. (Completo, 2016)

MEYER PA, BUSCHIAZZO, A., SOCIAS S, KEY J, RANSEY E, TJON EC, LEI M, BOTKA C, WITHROW J, NEAU D, RAJASHANKAR K, ANDERSON KS, BAXTER RH, BLACKLOW SC, BOGGON TJ, BONVIN AM, BOREK D, BOREK D, CAFLISCH A, CHANG CI, CHAZIN WJ, CORBETT KD, COSGROVE MS, CROSSON S, DHE-PAGANON S, DI CERA E, DRENNAN CL, ECK MJ, EICHMAN BF, FAN QR, FROMME JC, GARCIA KC, GAUDET R, GONG P, HARRISON SC, HELDWEIN EE, JIA Z, KEENAN RJ, KRUSE AC, KVANSAKUL M, MCLELLAN JS, MODIS Y, NAM Y, OTWINOWSKI Z, PAI EF, PEREIRA PJ, PETOSA C, RAMAN CS, RAPOPORT TA, ROLL-MECAK A, ROSEN MK, RUDENKO G, SCHLESSINGER J, SCHWARTZ TU, SHAMOO Y, SONDERMANN H, TAO YJ, TOLIA NH, TSODIKOV OV, WESTOVER KD, WU H, FOSTER I, FRASER JS, MAIA FR, GONEN T, KIRCHHAUSEN T, DIEDERICHS K, CROSAS M, SLIZ P
Nature Communications, v.: 7 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

ISSN: 20411723

DOI: [10.1038/ncomms10882](https://doi.org/10.1038/ncomms10882)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A novel flagellar sheath protein, FcpA, determines filament coiling, translational motility and virulence for the Leptospira spirochete. (Completo, 2016)

WUNDER EA JR, FIGUEIRA CP, BENAROU DJ N, HU B, TONG BA, TRAJTENBERG, F., LIU J, REIS MG, CHARON NW, BUSCHIAZZO, A., PICARDEAU M, KO AI
Molecular Microbiology (E), v.: 101 3, p.:457 - 470, 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
ISSN: 13652958

DOI: [10.1111/mmi.13403](https://doi.org/10.1111/mmi.13403)

Crystal Structure of the Metallo- β -Lactamase GOB in the Periplasmic Dizinc Form Reveals an Unusual Metal Site. (Completo, 2016)

MORÁN-BARRIO J, LISA MN, LARRIEUX N, DRUSIN SI, VIALE AM, MORENO DM, BUSCHIAZZO, A., VILA AJ

Antimicrobial Agents and Chemotherapy, v.: 60 10, p.:6013 - 6022, 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

ISSN: 00664804

DOI: [10.1128/AAC.01067-16](https://doi.org/10.1128/AAC.01067-16)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Regulation of signaling directionality revealed by 3D snapshots of a kinase:regulator complex in action. (Completo, 2016)

TRAJTENBERG, F., IMELIO JA, MACHADO MR, LARRIEUX N, MARTI MA, OBAL G, MECHALY AE, BUSCHIAZZO, A.

eLife, v.: 5 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Señalización
ISSN: 2050084X

DOI: [10.7554/eLife.21422](https://doi.org/10.7554/eLife.21422)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural Basis of Pullulanase Membrane Binding and Secretion Revealed by X-Ray Crystallography, Molecular Dynamics and Biochemical Analysis (Completo, 2016)

EAST, A., MECHALY, AE, HUYSMANS, GHM, BERNARDE, C., TELLO-MANIGNE, D., NADEAU, N., PUGSLEY, AP, BUSCHIAZZO, A., ALZARI, P.M., BOND, PJ, FRANCETIC, O.
Structure (London, England), v.: 24 1, p.:92 - 104, 2016

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / ISSN: 09692126

DOI: [10.1016/j.str.2015.10.023](https://doi.org/10.1016/j.str.2015.10.023)

[http://www.cell.com/structure/abstract/S0969-2126\(15\)00463-3](http://www.cell.com/structure/abstract/S0969-2126(15)00463-3)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Consecutive interactions with HSP90 and eEF1A underlie a functional maturation and storage pathway of AID in the cytoplasm (Completo, 2015)

METHOT, SP, LITZLER, LC, TRAJTENBERG, F., ZAHN, A, ROBERT, F, PELLETIER, J, BUSCHIAZZO, A., MAGOR, BG, DI NOIA, JM
Journal of Experimental Medicine, v.: 212 4, p.:581 - 596, 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / ISSN: 00221007

DOI: [10.1084/jem.20141157](https://doi.org/10.1084/jem.20141157)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Conformational plasticity of a native retroviral capsid revealed by x-ray crystallography (Completo, 2015)

OBAL, G, TRAJTENBERG, F., CARRION, F, TOMÉ, L., LARRIEUX, N., ZHANG, X., PRITSCH, O., BUSCHIAZZO, A.
Science, v.: 349 6243, p.:95 - 98, 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / ISSN: 00368075

DOI: [10.1126/science.aaa5182](https://doi.org/10.1126/science.aaa5182)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A coiled coil switch mediates cold sensing by the thermosensory protein DesK (Completo, 2015)

SAITA E, ABRIATA LA, TSAI YT, TRAJTENBERG, F., LEMMIN T, BUSCHIAZZO, A., DAL PERARO M, DE MENDOZA, D., ALBANESI, D.
Molecular Microbiology, 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

ISSN: 0950382X

DOI: [10.1111/mmi.13118](https://doi.org/10.1111/mmi.13118)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

HemR is an OmpR/PhoB-like response regulator from Leptospira, which simultaneously effects transcriptional activation and repression of key haem metabolism genes. (Completo, 2014)

MORERO, N.R., BOTTI, H, NITTA, KR, CARRION, F, OBAL, G, PICARDEAU, M, BUSCHIAZZO, A.
Molecular Microbiology, 2014

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / ISSN: 0950382X

DOI: [10.1111/mmi.12763](https://doi.org/10.1111/mmi.12763)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Allosteric Activation of Bacterial Response Regulators: the Role of the Cognate Histidine Kinase Beyond

Phosphorylation. (Completo, 2014)

TRAJTENBERG, F., ALBANESI, D., RUETALO, N., BOTTI, H., MECHALY, AE, NIEVES, M., AGUILAR, PS, CYBULSKI, L, LARRIEUX, N., DE MENDOZA, D., BUSCHIAZZO, A.
mBio, 2014

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

ISSN: 21507511

DOI: [10.1128/mBio.02105-14](https://doi.org/10.1128/mBio.02105-14)

WEB OF SCIENCE™

Structural and molecular basis of the peroxynitrite-mediated nitration and inactivation of Trypanosoma cruzi iron-superoxide dismutases (Fe-SODs) A and B: disparate susceptibilities due to the repair of Tyr35 radical by Cys83 in Fe-SODB through intramolecular electron transfer. (Completo, 2014)

MARTINEZ, A., PELUFFO, G., PETRUK, A.A., HUGO, M., PIÑEYRO, D., DEMICHELI, V., MORENO, D.M., LIMA, A., BATTHYANY, C., DURAN, R., ROBELLO, C., MARTI, M.A., LARRIEUX, N., BUSCHIAZZO, A., TRUJILLO, M., RADI, R., PIACENZA, L.

Journal of Biological Chemistry, 2014

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

ISSN: 00219258

DOI: [10.1074/jbc.M113.545590](https://doi.org/10.1074/jbc.M113.545590)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural insights into bacterial resistance to cerulenin. (Completo, 2014)

TRAJTENBERG, F., ALTABE, S., LARRIEUX, N., FICARRA, F., DE MENDOZA, D., BUSCHIAZZO, A., SCHUJMAN, GE

FEBS Journal (The), 2014

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Estructural

ISSN: 1742464X

DOI: [10.1111/febs.12785](https://doi.org/10.1111/febs.12785)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structure of a human IgA1 Fab fragment at 1.55 Å resolution: potential effect of the constant domains on antigen-affinity modulation (Completo, 2013)

CORREA A, TRAJTENBERG F, OBAL G, PRITSCH, O., DIGHIERO G, OPPEZZO P, BUSCHIAZZO, A.

Acta Crystallographica Section D-Biological Crystallography, v.: 69 3, p.:388 - 397, 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunología Molecular

Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 09074449

DOI: [10.1107/S0907444912048664](https://doi.org/10.1107/S0907444912048664)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural basis for feed-forward transcriptional regulation of membrane lipid homeostasis in Staphylococcus aureus (Completo, 2013)

ALBANESI, D., REH, G, GUERIN, ME, SCHAEFFER, F., DEBARBOUILLE, M., BUSCHIAZZO, A., SCHUJMAN, GE, DE MENDOZA, D., ALZARI, P.M.

PLOS Pathogens, v.: 9 1, 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15537366

<http://www.plospathogens.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.ppat.1003108>

Scopus®

The Crystal Structure of the MAP Kinase LmaMPK10 from Leishmania major Reveals Parasite-specific Features pointing to Novel Regulatory Mechanisms (Completo, 2012)

HORJALES S , SCHMIDT-ARRAS D , RODRIGUEZ LIMARDO R , LECLERCQ O , OBAL G , PRINA E , TURJANSKI A , SPAETH G , BUSCHIAZZO, A.

Structure (London, England), v.: 20 10 , p.:1649 - 1660, 2012

Palabras clave: Ser/Thr kinases

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 09692126

<http://www.cell.com/structure/retrieve/pii/S0969212612002560>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Trypanosoma cruzi trans-sialidase in complex with a neutralizing antibody: structure/function studies towards the rational design of inhibitors (Completo, 2012)

BUSCHIAZZO, A., MUIÁ, R., LARRIEUX, N., PITCOVSKY, T., MUCCI, J., CAMPETELLA, O.

PLOS Pathogens, v.: 8 1 , 2012

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15537366

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC3252381/>

Scopus[®]

Swapping FAD binding motifs between plastidic and bacterial ferredoxin-NADP(H) reductases (Completo, 2011)

MUSUMECI, M , BOTTI, H , BUSCHIAZZO, A., CECCARELLI, E

Biochemistry, v.: 50 12 , p.:2111 - 2122, 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00062960

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Expression, crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of glucose-6-phosphate dehydrogenase from the human pathogen Trypanosoma cruzi in complex with substrate (Completo, 2011)

ORTIZ, C., LARRIEUX, N., MEDEIROS, A., BOTTI, H., COMINI, M., BUSCHIAZZO, A.

Acta Crystallographica Section F: Structural Biology and Crystallization Communications, v.: 67 11 , p.:1457 - 1461, 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 17443091

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Crystal structure of an enzymatically inactive trans-sialidase-like lectin from Trypanosoma cruzi: The carbohydrate binding mechanism involves residual sialidase activity (Completo, 2011)

OPPEZZO, P., OBAL, G., BARAIBAR, M.A., PRITSCH, O., ALZARI, P.M., BUSCHIAZZO, A.

Biochimica et Biophysica Acta - Proteins and Proteomics, 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15709639

DOI: [10.1016/j.bbapap.2011.04.012](https://doi.org/10.1016/j.bbapap.2011.04.012)

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Evidence of adaptability in metal coordination geometry and active-site loop conformation among B1 metallo-beta-lactamases (Completo, 2010)

GONZÁLEZ, JM , BUSCHIAZZO, A. , VILA, AJ
Biochemistry, v.: 49 36 , p.:7930 - 7938, 2010

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Cristalografía de Macromoléculas
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00062960

DOI: [10.1021/bi100894r](https://doi.org/10.1021/bi100894r)

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Crystal structure of Mycobacterium tuberculosis LppA, a lipoprotein confined to pathogenic mycobacteria. (Completo, 2010)

GRAÑA, M. , BELLINZONI, M. , BELLALOU, J , HAOUZ, A. , MIRAS, I. , BUSCHIAZZO, A. , WINTER, N , ALZARI, P.M.

Proteins: Structure, Function and Genetics, v.: 78 p.:769 - 772, 2010

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 08873585

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Phylogenetic analysis of bovine leukemia viruses isolated in South America reveals diversification in seven distinct genotypes. (Completo, 2010)

MORATORIO, G. , OBAL, G. , DUBRA, A. , CORREA, A. , BIANCHI, S. , BUSCHIAZZO, A. , CRISTINA, J. , PRITSCH, O.

Archives of Virology, v.: 155 p.:481 - 489, 2010

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 03048608

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Structural and enzymatic insights into the ATP-binding and autophosphorylation mechanism of a sensor histidine kinase. (Completo, 2010)

TRAJTENBERG, F. , GRAÑA, M. , RUETALO, N. , BOTTI, H , BUSCHIAZZO, A.

Journal of Biological Chemistry, 2010

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalización

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: May 27. [Epub ahead of print]

ISSN: 00219258

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Active nuclear import and cytoplasmic retention of activation-induced deaminase. (Completo, 2009)

PATENAUDE, A.M. , ORTHWEIN, A. , HU, Y. , CAMPO, V.A. , KAVLI, B. , BUSCHIAZZO, A. , DI NOIA, J.M.

Nature Structural Biology, v.: 16 p.:517 - 527, 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 10728368

DOI: [10.1038/nsmb.1598](https://doi.org/10.1038/nsmb.1598)

Structural plasticity and catalysis regulation of a thermosensor histidine kinase (Completo, 2009)

ALBANESI, D. , MARTIN, M. , TRAJTENBERG, F. , MANSILLA, M.C. , HAOUZ, A. , ALZARI, P.M. , DE MENDOZA, D. , BUSCHIAZZO, A.

Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, v.: 106 p.:16185 - 16190, 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalización

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00278424

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Discovery of novel inhibitors of Trypanosoma cruzi trans-sialidase from in silico screening (Completo, 2009)

NERES, J , BREWER, ML , RATIER, L , BOTTI, H , BUSCHIAZZO, A. , EDWARDS, PN , MORTENSON, PN , CHARLTON, MH , ALZARI, PM , FRASCH, AC , BRYCE, RA , DOUGLAS, KT

Bioorganic & Medicinal Chemistry Letters, v.: 19 p.:589 - 596, 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / síntesis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 0960894X

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structure of Mycobacterium tuberculosis Rv2714, a representative of a duplicated gene family in Actinobacteria. (Completo, 2009)

GRAÑA, M. , BELLINZONI, M. , MIRAS, I. , FIEZ-VANDAL, C. , HAOUZ, A. , SHEPARD, W. , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM

Acta Crystallographica Section F: Structural Biology and Crystallization Communications, v.: 65 p.:972 - 977, 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 17443091

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural insights into sialic acid enzymology (Completo, 2008)

BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM

Current opinion in chemical biology, v.: 12 p.:565 - 572, 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 13675931

Electronic print ahead of publication

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A new generation of specific Trypanosoma cruzi trans-sialidase inhibitors (Completo, 2008)

BUCHINI, S. , BUSCHIAZZO, A. , WITHERS, SG

Angewandte Chemie, v.: 47 p.:2700 - 2703, 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / síntesis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 05700833

Kinetic and mechanistic analysis of Trypanosoma cruzi trans-sialidase reveals a classical ping-pong mechanism with acid/base catalysis. (Completo, 2008)

BUCHINI, S. , DAMAGER, I. , AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , FRASCH, A.C. , WATTS, AG , WITHERS, SG

Biochemistry, v.: 47 p.:3507 - 3512, 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00062960

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The crystal structure of *M. leprae* ML2640c defines a large family of putative S-adenosylmethionine-dependent methyltransferases in mycobacteria (Completo, 2007)

GRAÑA, M., HAOUZ, A., BUSCHIAZZO, A., MIRAS, I., WEHENKEL, A., BONDET, V., SHEPARD, W., SCHAEFFER, F., COLE, ST., ALZARI, PM
Protein Science, v.: 16 p.:1896 - 1904, 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / bioinformatica estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / bacteriología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 09618368

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Molecular recognition and interfacial catalysis by the essential phosphatidylinositol mannosyltransferase PimA from mycobacteria (Completo, 2007)

GUERIN, ME, KORDULAKOVA, A., SCHAEFFER, F., SVETLIKOVA, Z., BUSCHIAZZO, A., GIGANTI, D., GICQUEL, B., MIKUSOVA, K., JACKSON, J., ALZARI, PM
Journal of Biological Chemistry, v.: 282 p.:20705 - 20714, 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Glicobiología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00219258

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Benzoic acid and pyridine derivatives as inhibitors of *Trypanosoma cruzi* trans-sialidase (Completo, 2007)

NERES, J, BONNET, P, EDWARDS, PN, KOTIAN, PL, BUSCHIAZZO, A., ALZARI, PM, BRYCE, RA, DOUGLAS, KT
Bioorganic & Medicinal Chemistry, v.: 15 5, p.:2106 - 2119, 2007

Palabras clave: trans-sialidase inhibitors Chagas disease neuraminidase

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / síntesis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 09680896

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The crystal structure of Rv0813c from *Mycobacterium tuberculosis* reveals a new family of FABP-like proteins in bacteria (Completo, 2007)

SHEPARD, W, HAOUZ, A, GRAÑA, M., BUSCHIAZZO, A., BETTON, JM, COLE, ST, ALZARI, PM
Journal of Bacteriology, 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00219193

<http://jb.asm.org/cgi/reprint/JB.01435-06v1>

published online ahead of print on 15 December 2006 J. Bacteriol. doi:10.1128/JB.01435-06

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural basis of lipid biosynthesis regulation in Gram-positive bacteria (Completo, 2006)

SCHUJMAN, GE, GUERIN, ME, BUSCHIAZZO, A., SCHAEFFER, F., LLARRULL, LI, REH, G, VILA, AJ, ALZARI, PM, DE MENDOZA, D.

Embo Journal, v.: 25 17, p.:4074 - 4083, 2006

Palabras clave: fatty acid synthesis Gram-positive bacteria lipid homeostasis malonyl-CoA X-ray crystallography

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Regulación transcripcional

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 02614189

<http://www.nature.com/emboj/journal/v25/n17/abs/7601284a.html;jsessionid=26450A6AF4523B7DE>
Schujman GE and Guerin M contributed equally to this work

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Continuous fluorimetric assay for high-throughput screening of inhibitors of trans-sialidase from *Trypanosoma cruzi* (Completo, 2006)

NERES, J, BUSCHIAZZO, A., ALZARI, PM, WALSH, L., DOUGLAS, KT

Analytical Biochemistry, v.: 357 2, p.:302 - 304, 2006

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / síntesis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00032697

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Crystal structure, catalytic mechanism, and mitogenic properties of *Trypanosoma cruzi* proline racemase (Completo, 2006)

BUSCHIAZZO, A., GOYTIA, M, SCHAEFFER, F, DEGRAVE, W., SHEPARD, W, GRÉGOIRE, C,

CHAMOND, N., COSSON, A, BERNEMAN, A, COATNOAN, N., ALZARI, PM, MINOPRIO, P.

Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, v.: 103 6,

p.:1705 - 1710, 2006

Palabras clave: B cell mitogen pyridoxal phosphate-independent proline racemase epimerases

enzyme-inhibitor complex titration calorimetry

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00278424

<http://www.pnas.org/cgi/content/full/103/6/1705>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural and kinetic analysis of two covalent sialosyl-enzyme intermediates on *Trypanosoma rangeli* sialidase (Completo, 2006)

WATTS, AG, OPPEZZO, P., WITHERS, SG, ALZARI, PM, BUSCHIAZZO, A.

Journal of Biological Chemistry, v.: 281 7, p.:4149 - 4155, 2006

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / síntesis

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00219258

<http://www.jbc.org/cgi/content/full/281/7/4149>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Crystallization and preliminary crystallographic analysis of PimA, an essential mannosyltransferase from *Mycobacterium smegmatis* (Completo, 2005)

GUERIN, ME, BUSCHIAZZO, A., KORDULAKOVA, A., JACKSON, J., ALZARI, PM

Acta Crystallographica. Section E, Structure Reports Online (electrónica), v.: F61 p.:518 - 520,

2005

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 16005368

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Crystal structure of glycogen synthase: homologous enzymes catalyze glycogen synthesis and degradation (Completo, 2004)

BUSCHIAZZO, A., UGALDE, JE, GUERIN, ME, SHEPARD, W, UGALDE, R., ALZARI, PM

Embo Journal, v.: 23 16, p.:3196 - 3205, 2004

Palabras clave: X-ray crystallography glycogen glycosyltransferase starch 3D structure

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 02614189

<http://www.pubmedcentral.nih.gov/articlerender.fcgi?tool=pubmed&pubmedid=15272305>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural insights into the catalytic mechanism of *Trypanosoma cruzi* trans-sialidase (Completo, 2004)

AMAYA, MF , WATTS, AG , DAMAGER, I , WEHENKEL, A , NGUYEN, T. , BUSCHIAZZO, A. , PARIS, G , FRASCH, A.C. , WITHERS, SG , ALZARI, PM

Structure (London, England), v.: 12 5 , p.:775 - 784, 2004

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 09692126

http://www.sciencedirect.com/science?_ob=ArticleURL&_udi=B6VSR-4CC1J6C-8&_user=10&_coverDate=05%2F31

Scopus® WEB OF SCIENCE™

***Trypanosoma cruzi* trans-sialidase operates through a covalent sialyl-enzyme intermediate: tyrosine is the catalytic nucleophile (Completo, 2003)**

WATTS, AG , DAMAGER, I , AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , FRASCH, A.C. , WITHERS, SG

Journal of the American Chemical Society, v.: 125 25 , p.:7532 - 7533, 2003

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / síntesis

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica / Espectrometría de masa

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00027863

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Preliminary crystallographic studies of glycogen synthase from *Agrobacterium tumefaciens* (Completo, 2003)

GUERIN, ME , BUSCHIAZZO, A. , UGALDE, JE , UGALDE, R. , ALZARI, PM

Acta Crystallographica Section D-Biological Crystallography, v.: 59 3 , p.:526 - 528, 2003

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 09074449

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The high resolution structures of free and inhibitor-bound *Trypanosoma rangeli* sialidase and its comparison with *T. cruzi* trans-sialidase (Completo, 2003)

AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , NGUYEN, T. , ALZARI, PM

Journal of Molecular Biology, v.: 325 4 , p.:773 - 784, 2003

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00222836

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The crystal structure and mode of action of trans-sialidase, a key enzyme in *Trypanosoma cruzi* pathogenesis (Completo, 2002)

BUSCHIAZZO, A. , AMAYA, MF , CREMONA, ML , FRASCH, A.C. , ALZARI, PM

Molecular Cell, v.: 10 4 , p.:757 - 768, 2002

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 10972765

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The trans-sialidase from the african trypanosome *Trypanosoma brucei* (Completo, 2002)

MONTAGNA, G. , CREMONA, ML , PARIS, G , AMAYA, MF , BUSCHIAZZO, A. , ALZARI, PM , FRASCH, A.C.

European Journal of Biochemistry, v.: 269 12 , p.:2941 - 2950, 2002

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00142956

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Probing molecular function of trypanosomal sialidases: single point mutations can change substrate specificity and increase hydrolytic activity (Completo, 2001)

PARIS, G, CREMONA, ML, AMAYA, MF, BUSCHIAZZO, A., GIAMBAGI, S., FRASCH, A.C.,
ALZARI, PM

Glycobiology, v.: 11 4, p.:305 - 311, 2001

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 09596658

Scopus® WEB OF SCIENCE™

The tyrosine aminotransferase from Trypanosoma rangeli: sequence and genomic characterization (Completo, 2000)

BONTEMPI, EJ, GARCIA, GA, BUSCHIAZZO, A., HENRIKSSON, J., PRAVIA, CA, RUIZ, AM,
PETTERSSON, U., PSZENNY, V.

Fems Microbiology Letters, v.: 189 2, p.:253 - 257, 2000

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781097

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Structural basis of sialyltransferase activity in trypanosomal sialidases (Completo, 2000)

BUSCHIAZZO, A., TAVARES, GA, CAMPETELLA, O., SPINELLI, S., CREMONA, ML, PARIS, G,
AMAYA, MF, FRASCH, A.C., ALZARI, PM

Embo Journal, v.: 19 1, p.:16 - 24, 2000

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 02614189

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Trypanosoma rangeli sialidase: cloning, expression and similarity to T. cruzi trans-sialidase (Completo, 1997)

BUSCHIAZZO, A., CAMPETELLA, O., FRASCH, A.C.

Glycobiology, v.: 7 8, p.:1167 - 1173, 1997

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 09596658

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Medium scale production and purification to homogeneity of a recombinant trans-sialidase from Trypanosoma cruzi (Completo, 1996)

BUSCHIAZZO, A., FRASCH, A.C., CAMPETELLA, O.

Cellular and Molecular Biology, v.: 42 5, p.:703 - 710, 1996

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Cromatografía

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01455680

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Sequence of a Trypanosoma rangeli gene closely related to Trypanosoma cruzi trans-sialidase (Completo, 1993)

BUSCHIAZZO, A., CREMONA, ML, CAMPETELLA, O., FRASCH, A.C., SÁNCHEZ, DO
Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 62 1, p.:115 - 116, 1993

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01666851

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Sequence of the gene for a Trypanosoma cruzi protein antigenic during the chronic phase of human Chagas disease (Completo, 1992)

BUSCHIAZZO, A., CAMPETELLA, O., MACINA, RA, SALCEDA, S., FRASCH, A.C., SÁNCHEZ, DO
Molecular and Biochemical Parasitology, v.: 54 1, p.:125 - 128, 1992

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01666851

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Identification of the gene(s) coding for the trans-sialidase of Trypanosoma cruzi (Completo, 1992)

PARODI, AJ, POLLEVICK, GD, MAUTNER, M., BUSCHIAZZO, A., SÁNCHEZ, DO, FRASCH, A.C.
Embo Journal, v.: 11 5, p.:1705 - 1710, 1992

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 02614189

Scopus® WEB OF SCIENCE™

LIBROS

Biology of Parasitism (Participación , 1994)

CAMPETELLA, O., SÁNCHEZ, D.O., REYES, M.B., POLLEVICK, G.D., BUSCHIAZZO, A.,
CREMONA, M.L., GUERIN, M., DINOIA, J., FRASCH, A.C.C.

Edición: ,

Editorial: Ediciones Trilce, Montevideo

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Parasitología Molecular

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN:

Capítulos:

Trans-sialidase and the superfamily of Trypanosoma cruzi antigens

Organizadores: R. Ehrlich A. Nieto

Página inicial 187, Página final 195

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

The 3Dstructure of a virulence regulator protein fromLeptospira interrogans reveal a novel signaling mechanism (2018)

Resumen

AEM, TRAJTENBERG, F, Haritha ADHIKARLA, Elsie WUNDER JR, Mathieu PICARDEAU, Albert I. KO, BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Gordon Research Conference "Biology of Spirochetes"

Ciudad: Ventura (USA)

Año del evento: 2018

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Watching the Phosphotransferase-Phosphatase Switch: 3D Structures of a TCS Complex in Action (2018)

Resumen
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference "Signal Transduction in Micro-organisms"
Ciudad: Ventura (USA)
Año del evento: 2018
Publicación arbitrada
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Avances en la epidemiología y diagnóstico de la Leptospirosis bovina en Uruguay (2017)

Resumen expandido
BUSCHIAZZO, A., A. SUANES

Evento: Nacional
Descripción: Congreso Buiatría 2017
Ciudad: Paysandú
Año del evento: 2017
Publicación arbitrada
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas
Medio de divulgación: Papel

TWO-COMPONENT SYSTEMS IN BACTERIA: HOW IS THE SIGNAL UNIDIRECTIONALLY TRANSMITTED? (2017)

Resumen
BUSCHIAZZO, A., IMELIO J., TRAJTENBERG, F., AEM, Nicole LARRIEUX

Evento: Internacional
Descripción: Twenty-Fourth Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography
Ciudad: Hyderabad (India)
Año del evento: 2017
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Isolation and Typing of Leptospira spp from Urine and Kidney of Naturally Infected Cattle in Uruguay (2017)

Resumen
ZARANTONELLI ML, Cecilia NIEVES, A. SUANES, SALABERRY DEAMBROSIO Ximena, BRIANO CAROLINA, RIVERO, R., DUTRA, F., PAULINA MENY, VARELA, G., SCHELOTTO F., FRAGA M., Riet-Correa F., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: 10th International Leptospirosis Society Meeting
Ciudad: Palmerston North (Nueva Zelanda)
Año del evento: 2017
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas
Financiación/Cooperación:
Dirección de Ciencia y Tecnología / Beca, Uruguay

Bacterial signaling from structure to movement, and back again (2017)

Resumen
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: Biophysics at the end of the world
Ciudad: Buenos Aires (Argentina)
Año del evento: 2017
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

The Times They Are a-Changin' : can protein structure and flexibility be seen, together? (2016)

Resumen
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: V Latin American Protein Society (LAPS) Meeting
Ciudad: Río de Janeiro
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
<http://cnrmn.bioqmed.ufrj.br/laps2016/>

An extra twist in Leptospira flagella: filament structure, flagellin, and beyond (2016)

Resumen expandido
TRAJTENBERG, F., WUNDER JR, E., SAN MARTIN, F., MECHALY, AE, PICARDEAU, M., KO, AI, BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference
Ciudad: Ventura (USA)
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
<https://www.grc.org/programs.aspx?id=12455>

Novel structural insights into bacterial signal transduction from the crystal structure of the DesK-DesR complex (2016)

Resumen expandido
TRAJTENBERG, F., IMELIO, JA, MECHALY, AE, OBAL, G, LARRIEUX, N., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Año del evento: 2016
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
<https://www.grc.org/programs.aspx?id=12139>

Macromolecular Crystallography within Integrative Landscapes: New Challenges and Opportunities (2016)

Resumen
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: First Pan African Conference of Crystallography
Ciudad: Dschang (Camerun)
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
<http://pccr1-2016.univ-dschang.org>

¿Cómo perciben las bacterias las señales de su entorno? (2016)

Resumen
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: FAPESP Week Montevideo 2016
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
<http://www.fapesp.br/week2016/montevideo/>

Biología Estructural Integrativa: nuevos desafíos y oportunidades para la Cristalografía de Macromoléculas (2016)

Resumen
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: 2do encuentro de la Red Uruguaya de Cristalografía
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
<https://sites.google.com/site/2encuentrorucr/>

HemR: un regulador de respuesta de Leptospira que activa y reprime la transcripción de genes clave para el metabolismo del hemo (2015)

Resumen
BUSCHIAZZO, A., MORERO, N.R., BOTTI, H., NITTA, KR., CARRION, F., OBAL, G., PICARDEAU, M

Evento: Nacional
Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos - Sociedad Uruguaya de Microbiología (SUM)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2015
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

ESTANDARIZACIÓN DE MÉTODOS SEROLÓGICOS Y MOLECULARES PARA SU APLICACIÓN EN EL DIAGNÓSTICO Y VIGILANCIA EPIDEMIOLÓGICA DE LA LEPTOSPIROSIS BOVINA EN URUGUAY (2015)

Resumen
ZARANTONELLI, L., NIEVES, C., PICARDEAU, M., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional
Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos - Sociedad Uruguaya de Microbiología (SUM)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2015
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

THE CRYSTAL STRUCTURE OF THE NATIVE CAPSID FROM BOVINE LEUKEMIA VIRUS: RETROVIRAL CAPSIDS ARE PLASTIC (2015)

Resumen
OBAL G., TRAJTENBERG F., CARRION, F., TOMÉ, L., LARIEUX, N., ZHANG, X., PRITSCH, O.,
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: 1st Meeting of the Latin American Crystallographic Association
Ciudad: Sao Paulo
Año del evento: 2015

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

THE CRYSTAL STRUCTURE OF THE NATIVE CAPSID FROM BOVINE LEUKEMIA VIRUS: RETROVIRAL CAPSIDS ARE PLASTIC (2015)

Resumen

BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Scientific Meeting of the Institut Pasteur International Network

Ciudad: París

Año del evento: 2015

Escrita por invitación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

LA ESTRUCTURA 3D DE LA CAPSIDE NATIVA DEL VIRUS DE LA LEUCEMIA BOVINA: LAS CAPSIDES RETROVIRALES SON PLÁSTICAS (2015)

Resumen

OBAL G , TRAJTENBERG F , CARRION, F , TOMÉ, L , LARIEUX, N. , ZHANG, X. , PRITSCH, O. , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: 9as Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular SBBM

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2015

Escrita por invitación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Novel insights into Bacterial Signaling : the 'One Sequence - Multiple Structures' Perspective (2014)

Resumen

TRAJTENBERG, F. , BOTTI, H , ALBANESI, D. , DE MENDOZA, D. , LARRIEUX, N. , MECHALY, AE , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: XLIII Annual Meeting of Sociedade Brasileira de Bioquímica e Biología Molecular SBBq

Ciudad: Foz do Iguazu, Brasil

Año del evento: 2014

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

SEÑALIZACIÓN EN BACTERIAS: ESTUDIOS MOLECULARES DEL SISTEMA DE DOS COMPONENTES DESK-DESR (2014)

Resumen

IMELIO, JA , TRAJTENBERG, F. , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias SUB

Ciudad: Piriapolis

Año del evento: 2014

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Motilidad de Espiroquetas: estudios estructurales del flagelo de Leptospira (2014)

Resumen

SAN MARTIN, F , TRAJTENBERG, F. , MECHALY, AE , MORERO, N.R. , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias SUB
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2014
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Two components, two systems: protein conformational switches in bacterial signaling (2014)

Resumen expandido
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional
Descripción: X CONGRESO ARGENTINO DE MICROBIOLOGÍA GENERAL SAMIGE
Ciudad: Mar del Plata, Argentina
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Two components, two systems: signal transduction in Leptospira and Bacillus - a way to approach pathogenesis through protein science (2014)

Resumen expandido
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: International Union of Microbiological Societies Congresses: XIVth International Congress of Bacteriology and Applied Microbiology, XIVth International Congress of Mycology, XVth International Congress of Virology
Ciudad: Montreal, Canada
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Crystallographic snapshots of DesK and DesR: two component systems on the move (2014)

Resumen expandido
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: 23rd Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography IUCr
Ciudad: Montreal, Canada
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Activation of Response Regulators is Mediated by a Non-canonical Allosteric Mechanism Linking Dimerization and Cognate Kinase Binding (2014)

Resumen expandido
BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional
Descripción: Gordon Research Conference - Sensory Transduction in Microorganisms
Ciudad: Ventura CA, USA
Año del evento: 2014
Escrita por invitación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

<https://www.grc.org/programs.aspx?id=12138>

Functional and crystallographic characterization of the response regulator HemR from *Leptospira biflexa* (2014)

Resumen

MORERO, N.R. , BOTTI, H , ESHGHI, A. , KAZUHIRO, NR , PICARDEAU, M , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Gordon Research Conference - Biology of Spirochetes

Ciudad: Ventura CA, USA

Año del evento: 2014

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

Crystallographic studies of flagellar proteins from *Leptospira* (2014)

Resumen

TRAJTENBERG, F. , WUNDER, E. , MORERO, N.R. , PICARDEAU, M , KO, A , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Gordon Research Conference - Biology of Spirochetes

Ciudad: Ventura CA, USA

Año del evento: 2014

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

De los genes a las proteínas en *Leptospira*: enfoques moleculares en la comprensión de la patogenicidad (2013)

Resumen

BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: Jornada Científica: Leptospirosis Bovina

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Escrita por invitación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

ESTUDIO ESTRUCTURAL DE LA PROTEÍNA-QUINASA MPK4 DE LEISHMANIA: HACIA EL DISEÑO DE NUEVOS FÁRMACOS (2013)

Resumen

IMELIO, JA , HORJALES, S. , CORREA, A , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB)

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

http://www.iibce.edu.uy/SBBM/Docs/jornadas/jornadas2013/2013_LIBRO%20RESUMENES.pdf

ANÁLISIS ESTRUCTURAL DE LA PROTEIN-QUINASA CK1 DE *Leishmania major*: UN BLANCO PARA EL DESARROLLO DE NUEVOS MEDICAMENTOS ANTI-PARASITARIOS (2013)

Resumen

SAN MARTIN, F , HORJALES, S. , RACHIDI, N , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: 8vas Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (SBBM, SUB)

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

http://www.iibce.edu.uy/SBBM/Docs/jornadas/jornadas2013/2013_LIBRO%20RESUMENES.pdf

Activation of Response Regulators is Mediated by a Non-canonical Allosteric Mechanism Linking Dimerization and Cognate Kinase Binding (2013)

Resumen

TRAJTENBERG, F., ALBANESI, D., RUETALO, N., BOTTI, H., MECHALY, AE, CYBULSKI, L, LARRIEUX, N., DE MENDOZA, D., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Regional

Descripción: I Reunion Latinoamericana de Cristalografía y IX Reunion Anual de la Asociacion Argentina de Cristalografía

Ciudad: Cordoba, Argentina

Año del evento: 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Novel insights into bacterial signaling : the 'one sequence - multiple structures' perspective (2013)

Resumen

TRAJTENBERG, F., BOTTI, H, ALBANESI, D., DE MENDOZA, D., LARRIEUX, N., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: 4yh Latin American Protein Society Meeting & XII Congress of the Pan-American Association of Biochemistry and Molecular Biology

Ciudad: Puerto Varas, Chile

Año del evento: 2013

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

La cristalografía en biología : su contribución a la biología estructural como nueva disciplina (2013)

Resumen

BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: 3er Encuentro Nacional de Ciencias Químicas ENAQUI 3.0

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Escrita por invitación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

APROXIMACIONES CRISTALOGRÁFICAS PARA ENTENDER LA SEÑALIZACIÓN CELULAR: PROTEIN-QUINASAS EN MODELOS PROCARIOTAS Y EUCARIOTAS (2012)

Resumen

BUSCHIAZZO, A.

Evento: Regional

Descripción: VIII Reunion Anual de la Asociacion Argentina de Cristalografía

Ciudad: Santa Fe, Argentina

Año del evento: 2012

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

<http://www.unl.edu.ar/aacr2012>

Bacterial signaling: a molecular perspective from thermometers to virulence factors (2012)

Resumen

TRAJTENBERG, F., MORERO, N., BOTTI, H., RUETALO, N., KO, A., PICARDEAU, M., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region: Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Año del evento: 2012

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

<http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/>

Signaling, heme metabolism and motility in *Leptospira* virulence (2012)

Resumen

MORERO, N. , BOTTI, H. , TRAJTENBERG, F. , WUNDER, E. , KO, A. , PICARDEAU, M. , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region: Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Año del evento: 2012

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

<http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/>

Structural studies of the kinase LmaMPK10 from *Leishmania major*: parasite-specific features and auto-inhibition mechanism (2012)

Resumen

HORJALES, S. , SCHMIDT-ARRAS, D. , LECLERCQ, O. , OBAL, G. , PRINA, E. , SPAETH, G. , BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region: Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Año del evento: 2012

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

<http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/>

Bacterial signaling: a molecular perspective from thermometers to virulence factors (2012)

Resumen

BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Journées Départementales 2012 Biologie Structurale et Chimie

Ciudad: Paris, Francia

Año del evento: 2012

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

LA CRISTALOGRAFÍA DE RAYOS X EN BIOLOGÍA: SU CONTRIBUCIÓN EN LA CONSTITUCIÓN DE LA BIOLOGÍA ESTRUCTURAL COMO NUEVA DISCIPLINA (2012)

Resumen

BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: Simposio uruguayo de celebración de 100 años de la Cristalografía Moderna

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2012

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

Conformational Plasticity of Histidine Kinases is Key for Signal Transduction (2011)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., TRAJTENBERG, F., ALBANESI, D., BOTTI, H., RUETALO, N., FORMAN, J., NILGES, M., DE MENDOZA, D., ALZARI, P.

Evento: Internacional

Descripción: XXII Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography

Ciudad: Madrid

Año del evento: 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

Molecular mechanisms of signaling in fatty acid synthesis of Gram-positive bacteria (2011)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., NILGES, M., DE MENDOZA, D., VILA, AJ

Evento: Internacional

Descripción: Grand Colloque Biologie & Sante - Agence Nationale de la Recherche

Ciudad: Lyon

Año del evento: 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Papel

Invitado como orador, en el marco de la reunion final de balance de proyectos de la "Agence Nationale de la Recherche" (ANR), Francia.

A method for the absolute scaling of refined atomic B factors (2011)

Resumen

BOTTI, H., BONILLA, L., TRAJTENBERG, F., RADJ, R., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: XXII Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography

Ciudad: Madrid

Año del evento: 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

Structural Study of PK10, a MAPK from Leishmania major with unique characteristics (2011)

Resumen

HORJALES, S., SCMHIDT-ARRAS, D., LIMA, A., BATTHYANY, C., SPAETH, G., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: XXII Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography

Ciudad: Madrid

Año del evento: 2011

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

Conformational plasticity of histidine kinases is key for catalysis regulation (2010)

Resumen expandido

TRAJTENBERG, F., ALBANESI, D., MARTIN, M., ALZARI, PM, DE MENDOZA, D., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: III Latin American Protein Society Meeting

Ciudad: Salta

Año del evento: 2010

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

Motivos estructurales de unión a flavina adenina dinucleótido (FAD) como determinantes de la diferente eficiencia catalítica de ferredoxina/flavodoxina-NADP+ reductasas vegetales y bacterianas (2010)

Resumen

BOTTI, H., MUSUMECI, M., BUSCHIAZZO, A., CECCARELLI, E.

Evento: Nacional

Descripción: SUB XIII

Ciudad: Piriapolis

Año del evento: 2010

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

OBTENCIÓN DEL COMPLEJO FORMADO ENTRE EL REGULADOR TRANSCRIPCIONAL MUR Y SU ADN BLANCO PARA ENSAYOS DE CO-CRISTALIZACIÓN (2010)

Resumen

CABRERA CARRASCO, ML., ROSCONI, F., LARRIEUX, N., BUSCHIAZZO, A., PLATERO, R., FABIANO, E.

Evento: Nacional

Descripción: XIII SUB

Ciudad: Piriapolis

Año del evento: 2010

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Estudio estructural de la MAP Quinasa PK10 de Leishmania major (2010)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., HORJALES, S., SCHMIDT-ARRAS, D.

Evento: Nacional

Descripción: SUB XIII

Ciudad: Piriapolis

Año del evento: 2010

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Coiled-coil helical rearrangements control the histidine-kinase/phosphatase activities of a bacterial thermosensor (2010)

Resumen

TRAJTENBERG, F., ALBANESI, D., DE MENDOZA, D., ALZARI, PM., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: 42th Course: Structure and Function from Macromolecular Crystallography:

Organisation in Space and Time

Ciudad: Erice

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings: «Ettore Majorana» Foundation and International Centre for Scientific Culture INTERNATIONAL SCHOOL OF CRYSTALLOGRAPHY

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

<http://www.crystalalice.org/erice2010/2010.htm>

The Crystal Structure of MAP Kinase LmaMPK10 from Leishmania major at 1.9Å Resolution (2010)

Resumen

HORJALES, S., SCMHIDT-ARRAS, D., LECLERCQ, O., SPAETH, G., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: LEISHDRUG consortium mid-term meeting

Ciudad: Paris

Año del evento: 2010

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

Medio de divulgación: Papel

Structural plasticity and catalysis regulation of histidine kinases: a structural approach (2010)

Resumen

TRAJTENBERG, F., ALBANESI, D., ALZARI, P.M., DE MENDOZA, D., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: Gordon Research Conferences : Sensory Transduction In Microorganisms

Ciudad: Ventura

Año del evento: 2010

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Señalización

Medio de divulgación: Papel

Crystallographic studies of the cytoplasmic domain of the histidine kinase DesK from Bacillus subtilis (2009)

Resumen

TRAJTENBERG, F., ALBANESI, D., MARTIN, M., MANSILLA, M.C., ALZARI, P.M., DE MENDOZA, D., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: ACA2009 Meeting of the American Crystallography Association

Ciudad: Toronto

Año del evento: 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

Medio de divulgación: Papel

On the detection, analysis and prediction of allosteric information pathways derived from human serum albumin crystallographic data. (2009)

Resumen

BOTTI, H., TRAJTENBERG, F., MANTA, B., PRITSCH, O., BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: ACA2009 Meeting of the American Crystallography Association

Ciudad: Toronto

Año del evento: 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología

Estructural

Medio de divulgación: Papel

The Protein Crystallography Facility at the Institut Pasteur of Montevideo : structural biology of lipid synthesis regulation in bacteria (2009)

Resumen

BUSCHIAZZO, A.

Evento: Internacional

Descripción: IV Workshop de Biología Molecular Estructural do LNLS

Ciudad: Campinas

Año del evento: 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Structural insights into sialic acid biology of Trypanosomes : a special look at neuraminidase structures (2009)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., ALZARI, P.

Evento: Internacional

Descripción: XIII International Congress of Protistology

Ciudad: Buzios

Año del evento: 2009

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Glicobiología

Medio de divulgación: Papel

Structural basis of lipid biosynthesis regulation in Gram-positive bacteria (2008)

Resumen

PEDRO ALZARI, DANIELA ALBANESI, FRANCIS SCHAEFFER, GEORGINA REH, BUSCHIAZZO, A., DIEGO DE MENDOZA

Evento: Internacional

Descripción: XXI Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography

Ciudad: Osaka

Año del evento: 2008

Anales/Proceedings: Acta Crystallographica A

Editorial: International Union of Crystallography

Ciudad: Chester

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Papel

Sensing Lipid Fluidity in Bacterial Membranes (2008)

Resumen

M MARTIN, L CYBULSKI, D ALBANESI, MC MANSILLA, BUSCHIAZZO, A., PM ALZARI, D DE MENDOZA

Evento: Internacional

Descripción: Meeting of HHMI International Research Scholars

Ciudad: Lisboa

Año del evento: 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Medio de divulgación: Otros

Structural Biology at the Pasteur Institute of Montevideo: Protein Crystallography to Understand Bacterial Lipid Biosynthesis Regulation (2008)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., P ALZARI, D DE MENDOZA

Evento: Internacional

Descripción: XXXVII Annual Meeting of the Brazilian Society of Biochemistry and Molecular Biology

Ciudad: Aguas de Lindoia

Año del evento: 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: CD-Rom

Structure/Functional Studies of Trypanosomal Neuraminidases (2008)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., SWITHERS, PMALZARI

Evento: Internacional

Descripción: Research on infectious diseases: a global challenge

Ciudad: Paris

Año del evento: 2008

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Química Orgánica /

Medio de divulgación: Internet

http://www.pasteur.fr/infosci/conf/sb/RIIP08/fichiers/book_RIIP_complet.pdf

Structure/functional studies of trypanosomal sialidases (2007)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., SWITHERS, PMALZARI

Evento: Internacional

Descripción: Second Latin American Protein Society Meeting

Ciudad: Acapulco

Año del evento: 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Medio de divulgación: Papel

Estudios Estructurales del Complejo Proteico DesKC-DesR de Bacillus subtilis, un Sistema que Sensa Temperatura (2007)

Resumen

F TRAJTENBERG, D ALBANESI, L CYBULSKI, C MANSILLA, G OBAL, O PRITSCH, D DE MENDOZA, BUSCHIAZZO, A.

Evento: Nacional

Descripción: XII jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Minas

Año del evento: 2007

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Crystal structure and catalytic mechanism of the proline racemase, a B-cell mitogen from Trypanosoma cruzi (2006)

Resumen

BUSCHIAZZO, A., FRANCIS SCHAEFFER, PEDRO M ALZARI

Evento: Nacional

Descripción: XLII Reunión Anual Sociedad Argentina de Investigación en Bioquímica y Biología Molecular

Ciudad: Rosario

Año del evento: 2006

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Micología / Biología Estructural

Producción técnica

PROCESOS

Crystallographic structure of TcPRACA and uses therefor (2005)

Otros procesos o técnicas

MINOPRIO, P., ALZARI, P., BUSCHIAZZO, A., DEGRAVE, W., GREGOIRE, C., CHAMOND, N.

País: Francia

Disponibilidad: Restringida

Institución financiadora: Institut Pasteur Paris

Patente o Registro:

Otros registros

BRP10410975, Crystallographic structure of TcPRACA an
Depósito: 04/07/2006; Examen: ; Concesión: 04/07/2006
Patente nacional: NO

Otros registros
20050250195, Crystallographic structure of TcPRACA an
Depósito: 01/11/2005; Examen: ; Concesión: 01/11/2005
Patente nacional: NO
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural
Medio de divulgación: Otros

Otras Producciones

CURSOS DE CORTA DURACIÓN DICTADOS

Macromolecular Crystallography School : From data processing to structure refinement and beyond (2017)

BUSCHIAZZO, A., Ronan KEEGAN, Richard GARRATT
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: International Union of Crystallography / Centro de Biología Estructural del Mercosur
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Integrative methods in Structural Biology to enhance high impact research in health and disease (2016)

BUSCHIAZZO, A., Dave STUART
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 1 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: British Council / Centro de Biología Estructural del Mercosur
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Macromolecular Crystallography School : From data processing to structure refinement and beyond (2015)

BUSCHIAZZO, A., KEEGAN, R.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Modern Approaches in Drug Discovery for Neglected Infectious Diseases (2014)

BUSCHIAZZO, A., Wim HOL
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 1 semanas

Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: UNU/Biolac; Centro de Biología Estructural del Mercosur (CeBEM)
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Macromolecular Crystallography School : From data processing to structure refinement and beyond (2013)

BUSCHIAZZO, A., KEEGAN, R.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Macromolecular Crystallography : Introduction and Applications (2010)

BUSCHIAZZO, A., ALZARI, P.M., SHEPARD, W.
Especialización
País: Uruguay
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Tipo de participación: Organizador
Duración: 2 semanas
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo
Ciudad: Montevideo
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

DESARROLLO DE MATERIAL DIDÁCTICO O DE INSTRUCCIÓN

¿Qué es un cristal? (2014)

BUSCHIAZZO, A., SUESCUN, L., ALVAREZ N., Santiago Vázquez

País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Web: <http://www.pedeciba.edu.uy/QueEs/cristal.html>
Proyecto ¿Qué es? de PEDECIBA en asociación con TarkioFilm: videos de divulgación científica sobre temas en los que trabajan algunos investigadores del programa.
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Ciencias Químicas / Cristalografía

EDICIÓN O REVISIÓN

PLOS Neglected Tropical Diseases (2010)

BUSCHIAZZO, A.
Revista
País: Estados Unidos
Idioma: Inglés
Medio divulgación: Internet
Web: <http://www.plosntds.org>
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Enfermedades Infecciosas / Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología / Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Información adicional: Desde el año 2010 hasta el presente, soy uno de los Editores Asociados de la revista.

ORGANIZACIÓN DE EVENTOS

Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region : Alliance for Molecular Research in Infectious Diseases (2012)

BUSCHIAZZO, A., AGUILAR, P.

Congreso

Lugar: Uruguay ,Institut Pasteur de Montevideo Montevideo

Idioma: Inglés

Medio divulgación: Papel

Web: <http://pasteur-network-meeting.org/Montevideo2012/>

Duración: 1 semanas

Evento itinerante: SI

Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur International Network

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

COMITÉ EVALUACIÓN DE PROYECTOS

Actions Concertees Inter-Pasteuriennes ACIP (2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur Paris , Francia

Cantidad: Mas de 20

Projets Transversaux de Recherche PTR (2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur Paris , Francia

Cantidad: Mas de 20

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Individual Research Grants (Israel Science Foundation) (2018)

Israel

Cantidad: Menos de 5

Fondo Clemente Estable (2015)

Uruguay

Agencia Nacional de Investigación e Innovación

Cantidad: Menos de 5

Actions Concertees Inter-Pasteuriennes ACIP (2014)

Francia

Cantidad: Mas de 20

Projets Transversaux de Recherche PTR (2014)

Francia

Cantidad: Mas de 20

FAPESP (2012 / 2012)

Brasil

FAPESP

Cantidad: Menos de 5

CSIC - UdelaR (2010 / 2013)

Uruguay

CSIC - UdelaR
Cantidad: Menos de 5

Consejo Nacional de Investigaciones Cientificas y Tecnicas (2008 / 2008)

Argentina
Consejo Nacional de Investigaciones Cientificas y Tecnicas
Cantidad: Menos de 5

Agencia Nacional de Promocion Cientifica y Tecnologica (2006 / 2013)

Argentina
Agencia Nacional de Promocion Cientifica y Tecnologica
Cantidad: De 5 a 20

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

COMITÉ EDITORIAL

PLOS Neglected Tropical Diseases (2010 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Editorial: Edición
Cantidad: Mas de 20
Soy miembro del comité editorial de esta revista en calidad de Editor Asociado.

REVISIONES

PLoS Biology (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Nature Reviews Microbiology (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Scientific Reports (2016 / 2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

eLife (2016)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Molecular Microbiology (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Cell Reports (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Acta Crystallographica - Section F Structural Biology Communications (2014)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Biochemistry (2014)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PLOS Neglected Tropical Diseases (2014)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Bacteriology (2014 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

Journal of Synchrotron Radiation (2013)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Biological Chemistry (2013 / 2016)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Medicinal Chemistry (2012 / 2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PLoS ONE (2011)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of the American Chemical Society (2011)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

PROTEINS: Structure, Function, and Bioinformatics (2010)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Proceedings of the National Academy of Sciences USA (2010 / 2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Glycobiology (2009 / 2011)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Bioorganic and Medicinal Chemistry (2009)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

BMC Structural Biology (2009)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Cellular and Molecular Life Sciences (2008)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

FEBS Journal (2006 / 2008)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

20th International Union for Pure and Applied Biophysics Congress (2017)

Comité programa congreso
Brasil
Arbitrado

Latin American Crosstalk in Biophysics and Physiology. SBF.uy-SAB (2015)

Revisiones
Uruguay

23rd Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography IUCr (2014)

Comité programa congreso
Canadá
Arbitrado

International Union of Crystallography - Red Uruguaya de Cristalografía

Primera Reunión Latinoamericana de Cristalografía (2013)

Comité programa congreso
Argentina
Arbitrado

Asociacion Argentina de Cristalografía

2as Jornadas +Biofísica 2013 (2013)

Revisiones
Uruguay

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Tribunal Concurso de Profesor Doctor - Instituto de Física de Sao Carlos (2017)

Comité evaluador
Brasil
Cantidad: Menos de 5
Universidad de Sao Paulo

Sistema Nacional de Investigadores / Comisión de Revisión (2016)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
Agencia Nacional de Investigación e Innovación

JURADO DE TESIS

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2015 / 2016)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Nivel de formación: Maestría

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2009 / 2016)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,
Uruguay
Nivel de formación: Doctorado

Doctorado Universidad de Buenos Aires (2007)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de Buenos Aires , Argentina
Nivel de formación: Doctorado

Licenciatura en Bioquímica (2006)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Nivel de formación: Grado

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Estudios genómicos y moleculares de bacterias del género Leptospira: análisis de la variabilidad genética y contribución en diagnóstico y tipificación (2018)

Tesis de maestría
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural , Uruguay
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Cecilia Nieves
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Caracterización estructural de la proteína CCDC28B, un modificador del síndrome de Bardet-Biedl (2017)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Matías Fabregat
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Señalización en bacterias : estudios moleculares de sistemas de dos componentes (2017)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Juan Andres Imelio
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Biología Estructural de Protein Quinasas: las Serin/Treonin-Quinasas de Leishmania (2015)

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Sofía Horjales
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Mecanismos alostéricos en la regulación funcional de un termosensor bacteriano (2011)

Tesis de doctorado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Felipe Trajtenberg
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Uruguay, Español
Palabras Clave: cristalografía de proteínas señalización celular sistemas de dos componentes alosterismo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Efectos de las regiones constantes de las inmunoglobulinas en el reconocimiento antigénico (2010)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay
Programa: Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Agustín Correa
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Inmunología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Trans-sialidasa de Trypanosoma cruzi: estudio de moléculas blanco en el sistema inmune y mecanismo de inhibición de un anticuerpo monoclonal neutralizante (2010)

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad de San Martín, Argentina
Programa: Biología Molecular y Biotecnología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Romina Muiá
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Argentina, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Parasitología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Inmunología

Etudes structurales et fonctionnelles de la trans-sialidase de trypanosoma cruzi (2003)

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / , Francia
Programa: Docteur en Sciences
Tipo de orientación: Asesor/Orientador
Nombre del orientado: Amaya, Maria Fernanda
Medio de divulgación: Papel
País/Idioma: Francia, Francés
Palabras Clave: Structure tridimensionnelle Maladie de Chagas Trypanosoma rangeli Trans-glycosylation
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / enzimología

GRADO

CLONADO, EXPRESIÓN Y PURIFICACIÓN DE LA PROTEÍNA-QUINASA PK4 DE LEISHMANIA MAJOR (2014)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Imelio, Juan

País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Estudios estructurales en el sistema de dos componentes DesK/DesR de *Bacillus subtilis* (2008)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Licenciatura en Bioquímica

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Ferrari, Mathias

Medio de divulgación: Otros

País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

OTRAS

Molecular basis of virulence regulation in *Leptospira*: a structural biology approach to bacterial signaling (2018)

Orientación de posdoctorado

Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Natalia LISA

País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Virulence regulation in *Leptospira*: a Structural Biology approach to bacterial signaling and motility (2015)

Orientación de posdoctorado

Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Ariel E. MECHALY

País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

SEÑALIZACIÓN CELULAR EN PATOGENESIS BACTERIANA: LA REGULACIÓN DEL METABOLISMO DEL HIERRO EN *Leptospira* spp. COMO MODELO DE TRABAJO (2014)

Orientación de posdoctorado

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Consejo de Investigaciones Científicas y Técnicas , Argentina

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Natalia MORERO

País/Idioma: Argentina, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Biología de Espiroquetas

Structural studies of the glycogen synthase from *Agrobacterium tumefaciens* (2005)

Otras tutorías/orientaciones

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur Paris , Francia

Tipo de orientación: Asesor/Orientador

Nombre del orientado: Lara Gonzales, Samuel

Medio de divulgación: Otros

País/Idioma: Francia, Francés
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biofísica / Biología Estructural

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Mecanismo molecular de la señalización y regulación bacterianas (2018)

Tesis de maestría
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Microbiología Molecular y Estructural, Uruguay
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Sofía Lima
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

Aproximación estructural e integrativa al estudio del endoflagelo de Leptospira (2017)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UEDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Fabiana San Martín
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Microbiología Molecular
Esta Tesis de Doctorado es en continuidad con la Tesis de Maestría (Maestría en Ciencias Biológicas / UdelAR-PEDECIBA) "Estudios Estructurales del Aparato Locomotor de Bacterias Espiroquetas: el Flagelo Periplasmático de Leptospira como Modelo" que Fabiana San Martín comenzó en 2014. Orientador : Alejandro Buschiazzi, co-orientador : Felipe Trajtenberg. Fabiana decidió utilizar la opción de hacer la transición de Maestría a Doctorado PEDECIBA-Biología, defendiendo exitosamente el proyecto ante la Comisión de Admisión y Seguimiento en 2017.

MECANISMOS DE TRANSMISIÓN ESTÍMULO-RESPUESTA EN SISTEMAS DE SEÑALIZACIÓN BACTERIANOS (2017)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UEDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Juan Andrés Imelio
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural y Ciencia de Proteínas

Señalización en bacterias: integrando las escalas molecular y celular. (2015)

Tesis de doctorado
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo, Uruguay
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UEDELAR-PEDECIBA)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Marcos Nieves
País/Idioma: Uruguay, Español
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Transducción

de señales en bacterias

Esta Tesis de Doctorado es en continuidad con la Tesis de Maestría (Maestría en Ciencias Biológicas / UdelaR-PEDECIBA) "Estudios celulares y moleculares de sistemas de transducción de señales de dos componentes en bacterias" que Marcos Nieves comenzó en 2013. Orientador : Alejandro Buschiazzo, co-orientador : Pablo Aguilar (trabajo en colaboración entre los dos laboratorios). Marcos decidió utilizar la opción de hacer la transición de Maestría a Doctorado, defendiendo exitosamente el proyecto ante la Comisión de Admisión y Seguimiento en 2015. Ahora está haciendo su trabajo de Doctorado co-orientado por mi, y por el Dr Roland Wedlich-Söldner (Univ Münster, Alemania) realizando trabajo experimental en ambos laboratorios, con estancias periódicas en Alemania.

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Miembro de Número de la Academia Nacional de Ciencias del Uruguay (2018)

(Nacional)

Academia Nacional de Ciencias del Uruguay

La Asamblea Extraordinaria de la Academia Nacional de Ciencias del Uruguay en sesión de fecha 17 de julio de 2018 aprobó por unanimidad mi incorporación como Miembro de Número de la ANCIU.

Miembro de la Comisión de Macromoléculas Biológicas-Unión Internacional de Cristalografía IUCr (2017)

(Internacional)

International Union of Crystallography

<http://www.iucr.org/iucr/commissions/biological-macromolecules>

Premio Nacional Ciudadano de Oro (2015)

(Nacional)

Centro Latinoamericano de Desarrollo - CELADE

"Considerando los méritos que lo distinguen por su destacada labor, calidad de servicio y su contribución al sostenido proceso en el desarrollo nacional"

Premios de la Cultura Uruguaya Morosoli 2015 (Morosoli Institucional) (2015)

(Nacional)

Fundación Lolita Rubial

"Por el aporte al Uruguay cultural en Ciencia y Tecnología, al grupo de Investigadores (BLV) Alejandro Buschiazzo (Instituto Pasteur - Facultad de Medicina UdelaR)"

Premio François Jacob (2014)

(Internacional)

Institut Pasteur - Paris

Premio a la labor científica de un investigador destacado del año, otorgada por el Institut Pasteur (Paris, Francia) en honor al Prof François Jacob. "This Award recognizes his work on crystallography, his great commitment in the interface with the Institut Pasteur International Network especially in a leptospirosis' project and the creation of a structural biology network in Latin America."

Miembro del Consejo Científico Internacional del Consorcio de Biología Estructural SBGrid (Harvard Medical School, USA) (2014)

(Internacional)

Structural Biology Grid SBGrid (<https://sbgrid.org>)

Scientific Advisory Board (<https://sbgrid.org/about/advisory/>)

Chair del Comité Uruguayo de Cristalografía, miembro pleno de la Unión Internacional de Cristalografía IUCr (2014)

(Internacional)

International Union of Crystallography

<http://www.iucr.org/iucr/ab.html/adhering-bodies/uy>

Miembro fundador y nodo activo de la red sudamericana de Biología Estructural CeBEM (Centro de Biología Estructural del Mercosur) (2008)

(Internacional)
Mercosur y Ministerio de Educación y Cultura
<http://www.cebem-lat.org>

Mencion Especial - premio "Profesor Doctor Luis Federico Leloir" a la mejor Tesis Doctoral en Ciencias Químicas (2006)

Universidad de Buenos Aires - Argentina

Beca Postdoctoral "Dr Roux" (2003)

(Internacional)
Institut Pasteur - Paris

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Estudio de la diversidad funcional de una familia de inhibidores Kunitz de *Echinococcus granulosus* (2016)

Candidato: Martin Flo
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
TORT, J., HERNANDEZ, J., BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular

Desarrollo y aplicación de herramientas computacionales para el análisis taxonómico y patogenómico de procariotas (2016)

Candidato: Gregorio Iraola
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
FABIANO, E., ROMERO, H., BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Bioinformática

Caracterización estructural y funcional de la única fosfatasa del virus Orf (2016)

Candidato: Danilo Segovia
Tipo Jurado: Tesis de Maestría
DENICOLA, A., MORENO, P., BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Virología

Determinación del rol de la bacterioferritina en la homeostasis de hierro en *S. meliloti* 1021 (2015)

Candidato: Daniela Costa
Tipo Jurado: Tesis de Maestría
ZUNINO, P., CECCHETTO, G., BUSCHIAZZO, A.
Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

Caracterización proteómica y funcional de una cepa de *Pseudomonas aeruginosa* que sobreexpresa una fosfodiesterasa específica de di-GMPc (2015)

Candidato: Jessica Rossello
Tipo Jurado: Tesis de Maestría
BATTISTONI, F., MÁRQUEZ, C., BUSCHIAZZO, A.
Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Proteómica

Diseño e implementación de nuevas herramientas para la solubilización, evolución y cristalogénesis de proteínas. (2014)

Candidato: Agustín Correa
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
PAULINO, M, COITIÑO, L, GONZALEZ, G, AGUILAR P, BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Estructural

ANÁLISIS FUNCIONAL DE GLUTARREDOXINAS MONOTIÓLICAS DE TRIPANOSOMAS (2013)

Candidato: Bruno Manta
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
RADI, R., SALINAS, G., BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español

Estudio de la actividad de la proteína Fur y su participación en el transporte de manganeso en Sinorhizobium meliloti (2009)

Candidato: Raul Platero
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
MONZA, J, SONCINI, F, CECCHETTO, G, MARIN, M, FABIANO, E., GARAT, B, BUSCHIAZZO, A.
Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español

Estudio cristalográfico y catalítico de la enzima Lumazina sintetasa en Brucella y otros miembros del orden Rhizobiales (2007)

Candidato: Sebastian Klinke
Tipo Jurado: Tesis de Doctorado
GOLDBAUM, F., ERMACORA, M., WOLOSUIK, R., BUSCHIAZZO, A.
Ciencias Químicas / Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institución Extranjera / Universidad de Buenos Aires / Argentina
País: Argentina
Idioma: Español

Dimensionalidades del citocromo c (2006)

Candidato: Mariana Pereyra
Tipo Jurado: Pregrado
BUSCHIAZZO, A.
Licenciatura en Bioquímica / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay
País: Uruguay
Idioma: Español
Tesis para optar por el título de Licenciada en Bioquímica

¿Son las proteínas objetos fractales? (2006)

Candidato: Mariana Pereyra

Tipo Jurado: Pregrado

BUSCHIAZZO, A.

Licenciatura en Bioquímica / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

Tesina correspondiente al Trabajo Especial I para optar por el título de Licenciada en Bioquímica

Información adicional

Agosto 2006 - continua: Responsable Científico de la Unidad de Cristalografía de Proteínas del Instituto Pasteur de Montevideo

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	125
Artículos publicados en revistas científicas	64
Completo	64
Trabajos en eventos	60
Libros y Capítulos	1
Capítulos de libro publicado	1
PRODUCCIÓN TÉCNICA	10
Procesos o técnicas	1
Con registro o patente	1
Otros tipos	9
EVALUACIONES	44
Evaluación de proyectos	10
Evaluación de eventos	5
Evaluación de publicaciones	23
Evaluación de convocatorias concursables	2
Jurado de tesis	4
FORMACIÓN RRHH	18
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	14
Tesis/Monografía de grado	2
Tesis de maestría	4
Tesis de doctorado	4
Otras tutorías/orientaciones	1
Orientación de posdoctorado	3
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	4
Tesis de doctorado	3
Tesis de maestría	1