



**GREGORIO MANUEL  
IRAOLA BENTANCOR**

Dr.

[giraola@pasteur.edu.uy](mailto:giraola@pasteur.edu.uy)  
Valencia 1790  
099394982

### SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información  
Categorización actual: Iniciación (Activo)

Fecha de publicación: 18/09/2018  
Última actualización SNI: 18/09/2018

## Datos Generales

### INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioinformática / Uruguay

### DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas  
Dirección: Mataojo 2020 / 11400 / Montevideo, Montevideo, Uruguay  
Teléfono: (5982) 25220910  
Correo electrónico/Sitio Web: [giraola@pasteur.edu.uy](mailto:giraola@pasteur.edu.uy) <http://www.pasteur.edu.uy/>

## Formación

### Formación académica

#### CONCLUIDA

##### DOCTORADO

###### Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2012 - 2016)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay  
Título de la disertación/tesis: Desarrollo y aplicación de herramientas computacionales para el análisis taxonómico y patogenómico de procariontas  
Tutor/es: Hugo Naya  
Obtención del título: 2016  
Institución financiadora: Universidad de la República / Comisión Académica de Posgrado, Uruguay  
Palabras Clave: Genómica comparativa Patogenicidad bacteriana Machine Learning  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

##### GRADO

###### Licenciatura en Ciencias Biológicas (2006 - 2010)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay  
Título de la disertación/tesis: Estandarización De Un Método Molecular Para La Detección De Campylobacteriosis Bovina En Uruguay  
Tutor/es: Ruben Gustavo Pérez Crossa  
Obtención del título: 2010  
Palabras Clave: Campylobacter PCR  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana

#### EN MARCHA

##### MAESTRÍA

###### Maestría en Bioinformática (2010)

Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas, Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas, Uruguay  
Título de la disertación/tesis:  
Institución financiadora: Universidad de la República / Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay

Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

## Formación complementaria

### CONCLUIDA

#### CURSOS DE CORTA DURACIÓN

##### **Bioinformatics & Comparative Genome Analyses (01/2011 - 01/2011)**

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur de Paris , Francia  
88 horas

Palabras Clave: Bioinformática Genómica comparativa

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

##### **Molecular Biology of Viral Diseases (01/2011 - 01/2011)**

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Virología molecular

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología Molecular

##### **Next Generation Sequencing Data Analysis (01/2010 - 01/2010)**

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Next Generation Sequencing

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Tecnologías de Secuenciación Masiva

##### **Molecular Basis of Bacterial Infection (01/2010 - 01/2010)**

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Trust Sanger Institute , Inglaterra

45 horas

Palabras Clave: Bioinformática Mutagénesis Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

##### **Biología Molecular de Enfermedades Virales (01/2010 - 01/2010)**

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Regional Norte - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Biología Molecular

##### **Working With Pathogen Genomes Wellcome Trust Sanger Institute (01/2009 - 01/2009)**

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Bioinformática, Artemis, Genómica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

#### PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

##### **MISP Reaserch Camp (2017)**

Tipo: Taller

Institución organizadora: PERSIMUNE, Dinamarca

Palabras Clave: Medicina de precisión Metagenómica Genómica bacteriana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

#### **Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2016)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Institut Pasteur International Network, Francia

Palabras Clave: Metagenómica Genómica comparativa Biomarcadores

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

#### **MISP Research Camp (2015)**

Tipo: Taller

Institución organizadora: Institut Pasteur International Network, Uruguay

Palabras Clave: Genómica Secuenciación masiva Biomedicina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Biología computacional

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

#### **Microbiology after the genomics revolution (2014)**

Tipo: Congreso

Palabras Clave: Genómica Microbiología

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

#### **Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2014)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Institut Pasteur, Francia

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

#### **III Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)**

Tipo: Congreso

Palabras Clave: Genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

#### **ISCB-LA Conference on Bioinformatics (2012)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: International Society of Computational Biology, Uruguay

Palabras Clave: Bioinformatics Computational Biology

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

#### **Pasantía en Genética Bacteriana (2011)**

Tipo: Otro

Institución organizadora: INTA Balcarce, Argentina

Palabras Clave: Campylobacter Genética Bacteriana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana

**Pasantía en Bioinformática (2011)**

Tipo: Otro

Institución organizadora: Institut Pasteur Montevideo, Uruguay

Palabras Clave: Genómica comparativa Leptospira

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

**Pasantía en Bioinformática (2011)**

Tipo: Otro

Institución organizadora: Núcleo de Bioinformática, Universidad de Caxias do Sul, Uruguay

Palabras Clave: Patogenicidad bacteriana Redes neurales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Patogenicidad bacteriana

**XX Congreso Latinoamericano de Microbiología (2010)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Asociación Latinoamericana de Microbiología, Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

**XII Congreso Argentino de Microbiología (2010)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Argentina de Microbiología, Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

**XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2010)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SUB, Uruguay

**VI Jornadas Técnicas de la Facultad de Veterinaria (2009)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Facultad de Veterinaria, Uruguay

**VI Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2009)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Facultad de Ciencias - Institut Pasteur Montevideo, Uruguay

**Foro de Innovación de las Américas (2009)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: ANII, Uruguay

**Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2008)**

Tipo: Congreso

Institución organizadora: UDELAR, Uruguay

## Idiomas

**Español**

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

**Inglés**

Entiende bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Portugués

Entiende regular / Lee bien /

## Áreas de actuación

### CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Biología Celular, Microbiología

### CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática/Genómica microbiana

### CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática/Evolución viral

## Actuación profesional

### SECTOR EMPRESAS/PRIVADO - EMPRESA PRIVADA - URUGUAY

Oxygene

### VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (06/2014 - a la fecha)

Director ,1 hora semanal

### ACTIVIDADES

### LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Desarrollo de herramientas de diagnóstico por secuenciación masiva (06/2014 - a la fecha)

Aplicada

1 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo:

Palabras clave: Bioinformática Secuenciación masiva Biomedicina Biotecnología

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

### PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

**Oxygene: diagnóstico de aneuploidías prenatales, alelos de riesgo y enfermedades infecciosas usando tecnologías de secuenciación masiva (06/2014 - a la fecha)**

1 horas semanales

Desarrollo

Coordinador o Responsable

En Marcha

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo:

Palabras clave: Bioinformática Secuenciación masiva Biotecnología

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

### SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PRIVADO - UNIVERSIDAD ORT URUGUAY - URUGUAY

Universidad ORT Uruguay - Facultad de Ingeniería

## VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

### Funcionario/Empleado (05/2014 - a la fecha)

Profesor Asistente

## ACTIVIDADES

### DOCENCIA

#### Licenciatura en Biotecnología (05/2014 - a la fecha)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Bioinformática I, 4 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

### SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo

## VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

### Funcionario/Empleado (01/2013 - 06/2016)

Investigador Asistente ,20 horas semanales

### Funcionario/Empleado (12/2010 - 12/2012)

Pasante honorario ,20 horas semanales

## ACTIVIDADES

### LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

#### Desarrollo de herramientas bioinformáticas para análisis de patogenicidad en bacterias (12/2010 - a la fecha)

Esta línea de investigación busca desarrollar herramientas bioinformáticas basadas en machine learning, con el objetivo de clasificar las especies bacterianas en patógenos humanos y no patógenos, basado en su composición de genes.

30 horas semanales

IPMon, Unidad de Bioinformática, Integrante del equipo

Equipo: NAYA H, SPANGENBERG L, IRAOLA G, VAZQUEZ G, CAMARGO A

Palabras clave: Genómica comparativa Patogenicidad bacteriana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

#### Genómica comparativa de Campylobacter (05/2011 - a la fecha)

10 horas semanales

Institut Pasteur Montevideo, Unidad de Bioinformática, Coordinador o Responsable

Equipo: NAYA H, IRAOLA G, VALENZUELA S, PASTOR E

Palabras clave: Genómica comparativa NGS Campylobacteriosis bovina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

#### Genómica comparativa de Mycobacterium (01/2013 - a la fecha)

5 horas semanales

Institut Pasteur Montevideo, Unidad de Biología Molecular, Integrante del equipo

Equipo: NAYA H , IRAOLA G , ROBELLO C , BERNÁ L , GREIF G  
Palabras clave: Genómica comparativa NGS tuberculosis Mycobacterium  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

**Genómica y transcriptómica de Leptospira (02/2013 - a la fecha)**

5 horas semanales , Integrante del equipo  
Equipo: NAYA H , IRAOLA G , RISTOW P  
Palabras clave: Biofilm Leptospirosis RNA-seq  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

**PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO**

**Biología computacional aplicada a la predicción de patogenicidad bacteriana en humanos (01/2013 - a la fecha)**

Tesis de Doctorado en Biología  
30 horas semanales  
Institit Pasteur Montevideo , Unidad de Bioinformática  
Desarrollo  
Coordinador o Responsable  
En Marcha  
Financiación:  
Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Beca  
Equipo: NAYA H (Responsable) , IRAOLA G (Responsable)  
Palabras clave: Patogenicidad bacteriana  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

**Genómica comparativa de Campylobacter (05/2011 - a la fecha)**

5 horas semanales  
Institit Pasteur Montevideo , Unidad de Bioinformática  
Investigación  
Coordinador o Responsable  
En Marcha  
Alumnos encargados en el proyecto:  
Pregrado:1  
Financiación:  
Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay, Cooperación  
Intituto nacional de investigación Agropecuaria, Argentina, Cooperación  
Wellcome Trust Sanger Institute, Inglaterra, Apoyo financiero  
Equipo: CALLEROS L , PÉREZ R , NAYA H , PAOLICCHI F  
Palabras clave: Campylobacter Genómica comparativa  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

**diagnóstico de aneuploidías prenatales, alelos de riesgo y enfermedades infecciosas usando tecnologías de secuenciación masiva (05/2014 - a la fecha)**

Oxygene es una empresa recientemente creada como producto de la Incubadora de Empresas del Institut Pasteur Montevideo (Bioespinn) y el programa Jóvenes Emprendedores de la ANII. Los objetivos de la empresa son el desarrollo y aplicación de tecnologías de secuenciación masiva y análisis de datos orientados a la medicina personalizada; además de servicios de asesoramiento bioinformático y análisis de datos de secuenciación.

2 horas semanales  
Desarrollo  
Coordinador o Responsable  
En Marcha  
Financiación:  
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero  
Equipo:

Palabras clave: NGS Oxygene Medicina personalizada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

**Desarrollo y validación de metodologías para el diagnóstico y control de la campylobacteriosis genital bovina (07/2015 - a la fecha)**

5 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: CALLEROS L. (Responsable)

Palabras clave: Genética Bacteriana Campylobacter fetus Biotecnología Genómica bacteriana

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

**Análisis transcripcional en Leptospiras formadoras de biofilms (12/2012 - 12/2014 )**

2 horas semanales

Institut Pasteur Montevideo , Unidad de Bioinformática

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Pregrado:1

Equipo: NAYA H (Responsable) , RISTOW P

Palabras clave: Leptospira biofilms NGS

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

**DOCENCIA**

**(12/2014 - 12/2014 )**

Doctorado

Asistente

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

**(11/2014 - 11/2014 )**

Doctorado

Asistente

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

**(10/2013 - 10/2013 )**

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Anotación de genomas procariotas, 10 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana



Facultad de Ciencias - UDeLaR

**VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**

**Funcionario/Empleado (08/2010 - 08/2015)**

Docente Ayudante ,20 horas semanales  
Escalafón: Docente  
Grado: Grado 1  
Cargo: Efectivo

**Funcionario/Empleado (05/2011 - 07/2011)**

Ayudante de la Maestría en Bioinformática ,25 horas semanales  
Dictado de las clases prácticas del curso de posgrado de la Maestría en Bioinformática titulado "Genética y Evolución"  
Escalafón: Docente  
Grado: Grado 1  
Cargo: Interino

**ACTIVIDADES**

**LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN**

**Estandarización y desarrollo de metodologías moleculares para el diagnóstico y caracterización de bacterias patógenas en animales de producción (03/2008 - a la fecha)**

2 horas semanales  
Sección Genética Evolutiva, Grupo Genética de Microorganismos , Integrante del equipo  
Equipo: HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., PÉREZ R.  
Palabras clave: RealTime PCR Campylobacter fetus  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana

**Evolución de virus que afectan animales de producción y compañía (03/2009 - a la fecha)**

2 horas semanales  
Sección Genética Evolutiva, Grupo Genética de Microorganismos , Integrante del equipo  
Equipo: CALLEROS L., PÉREZ R., TOMÁS G, MARANDINO A., PANZERA Y., SARUTE N  
Palabras clave: Genética viral  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Viral

**PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO**

**Diagnóstico y caracterización molecular de campylobacteriosis bovina en Uruguay (03/2008 - a la fecha)**

2 horas semanales  
Sección Genética Evolutiva , Grupo Genética de Microorganismos  
Desarrollo  
Integrante del Equipo  
En Marcha  
Financiación:  
Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay, Cooperación  
Equipo: CALLEROS L., PÉREZ R. (Responsable)  
Palabras clave: PCR Diagnóstico Campylobacteriosis bovina  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

**Evolución genómica de Parvovirus Canino (06/2012 - a la fecha)**

2 horas semanales  
Facultad de Ciencias , Sección Genética Evolutiva  
Investigación  
Integrante del Equipo  
En Marcha  
Alumnos encargados en el proyecto:  
Pregrado:1  
Financiación:  
Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay, Cooperación  
Equipo: CALLEROS L. , PÉREZ R. (Responsable)  
Palabras clave: Parvovirus Filodinámica  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Evolución viral  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

## **DOCENCIA**

### **Licenciatura en Ciencias Biológicas (08/2010 - 08/2015 )**

Grado  
Asistente  
Asignaturas:  
Genética General, 20 horas, Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

### **Licenciatura en Ciencias Biológicas (03/2015 - 06/2015 )**

Maestría  
Asistente  
Asignaturas:  
Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 4 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

### **Maestría en Bioinformática PEDECIBA (11/2013 - 12/2013 )**

Maestría  
Invitado  
Asignaturas:  
Taller de Bioinformática, 4 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

### **Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2013 - 06/2013 )**

Maestría  
Asistente  
Asignaturas:  
Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 8 horas, Teórico-Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral y bacteriana

### **Maestría en Bioinformática PEDECIBA (05/2011 - 07/2011 )**

Maestría  
Asistente  
Asignaturas:  
Genética y Evolución, 2 horas, Práctico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genética y Evolución

## Licenciatura en Ciencias Biológicas (04/2010 - 05/2010)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 30 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Microorganismos

## Maestría en Genética (04/2009 - 06/2009)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

Organización, variabilidad y función del genoma eucariota, 5 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

## SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Latinhire

## VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

### Funcionario/Empleado (07/2008 - 05/2010)

Tutor Bilingüe ,10 horas semanales

### CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas

Carga horaria de investigación: 40 horas

Carga horaria de formación RRHH: 10 horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: 10 horas

## Producción científica/tecnológica

Mi trabajo como investigador se enmarca en el estudio del genoma de virus y bacterias, valiéndome de herramientas de biología computacional a través del análisis de datos de secuenciación masiva. Actualmente, estoy enfocado en el estudio de bacterias de interés sanitario para humanos y animales de producción, realizando aportes fundamentalmente en la comprensión de la dinámica evolutiva de *Campylobacter*, *Leptospira* y *Mycobacterium*. Por otro lado, colaboro en el estudio evolutivo de virus de impacto en la sanidad animal (Distemper canino, Parvovirus canino, virus de la Bursitis Infecciosa Aviar y de la Bronquitis Infecciosa Aviar) utilizando aproximaciones filodinámicas. Más recientemente, he comenzado a desarrollar estudios que implican el estudio de la microbiota, tanto a nivel ambiental como asociado a hospederos (bovinos y humanos) en condiciones de salud y enfermedad.

## Producción bibliográfica

### ARTÍCULOS PUBLICADOS

#### ARBITRADOS

##### Surveying what's flushed away (Completo, 2018)

IRAOLA G., Kumar N

Nature Reviews Microbiology, 2018

Palabras clave: Microbiota Saneamiento Metagenómica Salud pública

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 17401526

DOI: <https://doi.org/10.1038/s41579-018-0047-7>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Inter-and intracontinental migrations and local differentiation have shaped the contemporary epidemiological landscape of canine parvovirus in South America (Completo, 2018)**

GRECCO S., IRAOLA G., Decaro N., Alfieri A., Alfieri AM., Calderón MG., da Silva AP., Name D., Aldaz J., CALLEROS L., Marandino A., Tomás G., Maya L., Francia L., PANZERA, Y., PÉREZ R  
Virus Evolution, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Evolución viral

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20571577

DOI: <https://doi.org/10.1093/ve/vey011>

<https://academic.oup.com/ve/article/4/1/vey011/4965880>

**MLSTar: automatic multilocus typing of bacterial genomes in R (Completo, 2018)**

FERRÉS I., IRAOLA G.

PeerJ, v.: 6 e2663, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21678359

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Biodiversity of environmental Leptospira: improving identification and revisiting the diagnosis (Completo, 2018)**

Thibeaux R., Girault D., Bierque E., Soupé-Gilbert ME., Rettinger A., Douyere A., Meyer M., IRAOLA G., Picardeau M., Goarant C

Frontiers in Microbiology, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 1664302X

DOI: [10.1099/mgen.0.000144](https://doi.org/10.1099/mgen.0.000144)

<http://mgen.microbiologyresearch.org/content/journal/mgen/10.1099/mgen.0.000144>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Whole genome sequencing of the monomorphic pathogen Mycobacterium bovis reveals local differentiation of cattle clinical isolates (Completo, 2018)**

LASSERRE, M., Fresia P., GREIF, G., IRAOLA G., Castro-Ramos M., Arturo JUAMBELTZ MARTINEZ, Alvaro NÚÑEZ FERNANDEZ, NAYA H., ROBELLO, C., BERNA, L.

BMC Genomics, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 14712164

DOI: <https://doi.org/10.1186/s12864-017-4249-6>

<https://bmcgenomics.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12864-017-4249-6>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Deciphering the unexplored Leptospira diversity from soils uncovers genomic evolution to virulence (Completo, 2018)**

Thibeaux R., IRAOLA G., FERRÉS I., Bierque E., Girault D., Soupé-Gilbert ME., Picardeau M., Goarant C

Microbial Genomics, v.: 4 2018

Palabras clave: Leptospira Diversidad Taxonomía genómica Virulencia Evolución Genómica comparativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 2057-5858

DOI: [10.1099/mgen.0.000144](https://doi.org/10.1099/mgen.0.000144)

<http://mgen.microbiologyresearch.org/content/journal/mgen/10.1099/mgen.0.000144>

Primer autor compartido con Roman Thibeaux.

**Phylen: automatic phylogenetic reconstruction using the EggNOG database (Completo, 2018)**

FERRÉS I., IRAOLA G.

Journal of Open Source Software, 2018

Palabras clave: Filogenética Filogenómica bacteriana R

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética

ISSN: 2475-9066

DOI: [10.21105/joss.00593](https://doi.org/10.21105/joss.00593)

<https://joss.theoj.org/papers/aeedb5e6a0e6d0cd88ec273eb50e1254>

Autor de correspondencia.

**Distinct *Campylobacter fetus* lineages adapted as livestock pathogens and human pathobionts in the intestinal microbiota (Completo, 2017)**

IRAOLA G., FORSTER S., KUMAR N., LEHOURS P., BEKAL S., GARCÍA-PEÑA F., PAOLICCHI F., MORSELLA C., HOTZEL H., HSUEH P.R., VIDAL A., LEVÉSQUE S., YAMAZAKI W., BALZAN C., VARGASA., PICCIRILLO A., CHABAN B., HILL J., BETANCOR L., COLLADO L., TRUYERS I., MIDWINTER A., DAGI HT., MÉGRAUD F., CALLEROS L., PÉREZ R., NAYA H., LAWLEY T.D.  
Nature Communications, v.: 8 1, 2017

Palabras clave: *Campylobacter fetus* Genómica Microbiota Adaptación Patobionte

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20411723

DOI: [10.1038/s41467-017-01449-9](https://doi.org/10.1038/s41467-017-01449-9)

Autor de correspondencia compartido con Trevor D. Lawley.

Scopus® WEB OF SCIENCE™

***Campylobacter ornithocola* sp. nov., a new member of the *Campylobacter lari* group isolated from wild bird faecal samples (Completo, 2017)**

CÁCERES A., MUÑOZ I., IRAOLA G., DÍAZ-VIRAQUÉ F., COLLADO L.  
International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (E), 2017

Palabras clave: *Campylobacter* Taxonomía genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 14665034

***Leptospira venezuelansiae* sp. nov., a new intermediate species isolated from rats, cattle and humans (Completo, 2017)**

PUCHE R., FERRÉS I., CARABALLO L., PICARDEAU M., TAKRIFF H., IRAOLA G.

International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (E), 2017

Palabras clave: *Leptospira* Taxonomía genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 14665034

Autor de correspondencia.

**Genomic and clinical evidence uncovers the enterohepatic species *Helicobacter valdiviensis* as a potential**

**human intestinal pathogen (Completo, 2017)**

FRESIA P , JARA R , SIERRA R , FERRÉS I , GREIF G , IRAOLA G , COLLADO L  
Helicobacter, 2017

Palabras clave: Genómica Helicobacter Enteroepática

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 10834389

DOI: [10.1111/hel.12425](https://doi.org/10.1111/hel.12425)

Autor de correspondencia compartido con Luis Collado.

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Assessing the intra-species genetic variability in the clonal pathogen Campylobacter fetus: CRISPRs are highly polymorphic DNA markers (Completo, 2017)**

CALLEROS L , BETANCOR L , IRAOLA G , MÉNDEZ A , MORSELLA C , PAOLICCHI F , SILVEYRA S , VELILLA A , PÉREZ R.

Journal of Microbiological Methods, v.: 132 p.:86 - 94, 2017

Palabras clave: Campylobacter fetus CRISPR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Evolución bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01677012

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Transcriptome sequencing reveals wide expression reprogramming of basal and unknown genes in Leptospira biflexa biofilms (Completo, 2016)**

IRAOLA G , SPANGENBERG L , LOPES BASTOS B , GRAÑA M , VASCONCELOS L , ALMEIDA A , GREIF G , ROBELLO C , RISTOW P , NAYA H

mSphere, 2016

Palabras clave: Leptospira biofilms transcriptoma

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 23795042

**A novel real-time PCR assay for quantitative detection of Campylobacter fetus based on ribosomal sequences (Completo, 2016)**

IRAOLA G , PÉREZ R , BETANCOR L , MARANDINO A , MORSELLA C , MÉNDEZ A , PAOLICCHI F , PICCIRILLO A , CALLEROS L

BMC Veterinary Research, 2016

Palabras clave: Campylobacter fetus Campylobacteriosis Real-Time PCR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 17466148

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Campylobacter geochelonis sp. nov. isolated from the western Hermann's tortoise (Testudo hermanni hermanni) (Completo, 2016)**

NIERO G , PICCIRILLO A , CALLEROS L , PÉREZ R , NAYA H , IRAOLA G.

International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (E), p.:3468 - 3476, 2016

Palabras clave: Campylobacter Testudo hermanni Reptiles Taxonomía Filogenética

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica bacteriana  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Taxonomía bacteriana  
Medio de divulgación: Internet  
ISSN: 14665034  
DOI: [10.1099/ijsem.0.001219](https://doi.org/10.1099/ijsem.0.001219)  
Autor de correspondencia compartido con Alessandra Piccirillo.

**Genetic characterization of South American Infectious Bursal Disease Virus reveals the existence of a distinct worldwide-spread genetic lineage (Completo, 2015)**

HERNÁNDEZ M., TOMÁS G., MARANDINO A., IRAOLA G., MAYA L., MATTION N., HERNÁNDEZ D., VILLEGAS P., BANDA A., PANZERA Y., PÉREZ R.  
Avian Pathology, 2015  
Palabras clave: Evolución IBDV Filogenética  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 03079457  
**Scopus** WEB OF SCIENCE™

**Phylogenetics analysis of avian infectious bronchitis virus in South America (Completo, 2015)**

MARANDINO A., PEREDA A., TOMÁS G., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., CRAIG MI., HERNÁNDEZ D., BANDA A., VILLEGAS P., PANZERA Y., PÉREZ R.  
Journal of General Virology, 2015  
Palabras clave: Filodinámica Virus de la Bronquitis Infecciosa Aviar Evolución  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 00221317  
**Scopus** WEB OF SCIENCE™

**A rural worker infected with a bovine-prevalent genotype of Campylobacter fetus subsp. fetus supports zoonotic transmission and inconsistency of MLST and whole-genome typing (Completo, 2015)**

IRAOLA G., BETANCOR L., CALLEROS L., GADEA P., ALGORTA G., GALEANO S., MUXI P., GREIF G., PÉREZ R.  
European Journal of Clinical Microbiology & Infectious Diseases : Official Publication of the Europe, v.: 34-8, p.:1593 - 1596, 2015  
Palabras clave: Campylobacter fetus MLST Genómica Cancer Bacteremia  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana  
ISSN: 09349723  
DOI: [10.1007/s10096-015-2393-y](https://doi.org/10.1007/s10096-015-2393-y)  
<https://link.springer.com/article/10.1007%2Fs10096-015-2393-y>  
Autor de correspondencia.  
**Scopus** WEB OF SCIENCE™

**Molecular phylogeography of canine distemper virus: geographic origin and global spreading (Completo, 2015)**

PANZERA Y., SARUTE N., IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., PÉREZ R.  
Molecular Phylogenetics and Evolution (E), 2015  
Palabras clave: Filogeografía Virus Distemper Canino Evolución viral  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución viral  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 10959513  
**Scopus**

**Whole-genome sequences of Mycobacterium bovis strain MbURU-001, isolated from fresh bovine infected samples (Completo, 2015)**

LASSERRE M, BERNÁ L, GREIF G, DÍAZ-VIRAQUÉ F, IRAOLA G., NAYA H, CASTRO-RAMOS M, JUAMBELTZ A, ROBELLO C  
Genome Announcements, 2015  
Palabras clave: Genómica tuberculosis Mycobacterium  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana  
ISSN: 21698287

**Phylogenetic and Genome-Wide Deep-Sequencing Analyses of Canine Parvovirus Reveal Co-Infection with Field Variants and Emergence of a Recent Recombinant Strain (Completo, 2014)**

PÉREZ R., CALLEROS L., MARANDINO A., SARUTE N, IRAOLA G., GRECCO S, BLANC H, VIGNUZZI M, ISAKOV O, SHOMRON N, CARRAU L, HERNÁNDEZ M., FRANCIAL, SOSA K, TOMÁS G, PANZERA Y.  
PLoS ONE, 2014  
Palabras clave: Secuenciación Parvovirus Recombinación Co-infección  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /  
Medio de divulgación: Internet  
ISSN: 19326203  
**Scopus' WEB OF SCIENCE™**

**Whole-Genome Sequencing of an Isoniazid-Resistant Clinical Isolate of Mycobacterium tuberculosis Strain MtURU-002 from Uruguay (Completo, 2014)**

BERNÁ L, IRAOLA G., GREIF G, COITINHO C, RIVAS C, NAYA H, ROBELLO C  
Genome Announcements, 2014  
Palabras clave: NGS Genómica tuberculosis Mycobacterium  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana  
ISSN: 21698287

**Complete genome sequence of Mycobacterium tuberculosis strain MtURU-001, isolated from a rapidly progressing outbreak in Uruguay (Completo, 2014)**

GREIF G, IRAOLA G., BERNÁ L, COITINHO C, RIVAS C, NAYA H, ROBELLO C  
Genome Announcements, 2014  
Palabras clave: NGS Mycobacterium  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana  
Medio de divulgación: Internet  
ISSN: 21698287

**Genomic evidence for the emergence and evolution of pathogenicity and niche preferences in the genus Campylobacter (Completo, 2014)**

IRAOLA G., PÉREZ R., NAYA H, PAOLICCHI F, PASTORE E, VALENZUELA S, CALLEROS L., VELILLA A, HERNÁNDEZ M., MORSELLA C  
Genome Biology and Evolution, 2014  
Palabras clave: Patogenicidad Campylobacter sputorum Tropismo de tejido Genómica bacteriana Patogenicidad  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Bacteriana  
Medio de divulgación: Papel  
ISSN: 17596653  
Autor de correspondencia.



Scopus<sup>®</sup> WEB OF SCIENCE™

**Phylogenetics analysis of canine parvovirus in Uruguay: evidence of two successive invasions by different variants (Completo, 2013)**

MAYA L., CALLEROS L., FRANCIA L., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., PANZERA Y., SOSA K., PÉREZ R.

Archives of Virology, 2013

Palabras clave: Canine Parvovirus Phylogenetics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Vienna

ISSN: 03048608

<http://www.springer.com/biomed/virology/journal/705>

Scopus<sup>®</sup> WEB OF SCIENCE™

**Glycerol-3-phosphate dehydrogenase Isoforms' Differential Expression in Flight Muscles of the Chagas Disease Vector Triatoma infestans (Hemiptera, Reduviidae) (Completo, 2013)**

STOPPA M., LAGUNAS M., GARCÍA B., PANZERA Y., IRAOLA G., GEREZ DE BURGOS N

American Journal of Tropical Medicine and Hygiene, 2013

Palabras clave: Triatoma infestans Chagas Glycerol-3-fosfato deshidrogenasa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00029637

Scopus<sup>®</sup> WEB OF SCIENCE™

**High local genetic diversity of canine parvovirus from Ecuador (Completo, 2013)**

ALDAZ J., GARCÍA J., CALLEROS L., SOSA K., IRAOLA G., MARANDINO A., HERNÁNDEZ M., PANZERA Y., PÉREZ R.

Veterinary Microbiology, 2013

Palabras clave: Parvovirus canino Ecuador

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781135

Scopus<sup>®</sup> WEB OF SCIENCE™

**Complete genome sequence of Campylobacter fetus subsp. venerealis biovar. intermedius, isolated from the prepuce of a bull (Completo, 2013)**

IRAOLA G., PÉREZ R., NAYA H., PAOLICCHI F., HARRIS D., LAWLEY T., REGO N., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., CARRETTO L., VELILLA A., MORSELLA C., MÉNDEZ A., GIOFFRE A

Genome Announcements, 2013

Palabras clave: Campylobacter fetus venerealis intermedius Campylobacteriosis Secuenciación genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

Autor de correspondencia.

**Reduced set of virulence genes allows high accuracy prediction of bacterial pathogenicity in humans (Completo, 2012)**

IRAOLA G., VAZQUEZ G., SPANGENBERG L., NAYA H

PLoS ONE, v.: 7 8 e42144, p.:1 - 14, 2012

Palabras clave: Machine Learning bacterial pathogenicity virulence genes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Patogenicidad bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 19326203

<http://www.plosone.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.pone.0042144>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**Application of a multiplex PCR assay for detection and subspecies differentiation of *Campylobacter fetus* from uncultured samples of bovine aborted fetuses (Completo, 2012)**

IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., PAOLICCHI F., SILVEYRA S., CARRETTO L., VELILLA A., RODRÍGUEZ E., PÉREZ R.

Journal of veterinary science, v.: 13 4, p.:371 - 376, 2012

Palabras clave: Multiplex PCR *Campylobacter fetus*

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 1229845X

Scopus® WEB OF SCIENCE™

**PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS**

**Clinical cases of *Mycobacterium tuberculosis* in Uruguay boarded by whole genome sequencing (2014)**

Resumen

IRAOLA G., GREIF G., BERNÁ L., COITINHO C., RIVAS C., NAYA H., ROBELLO C.

Evento: Internacional

Descripción: Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network

Ciudad: París

Año del evento: 2014

Publicación arbitrada

Palabras clave: Genómica tuberculosis *Mycobacterium*

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

**Genomic evidences for the emergence and evolution of pathogenicity and tissue tropism in the genus *Campylobacter* (2014)**

Resumen

IRAOLA G., PÉREZ R., NAYA H., PAOLICCHI F., PASTOR E., VALENZUELA S., CALLEROS L., VELILLA A., MORSELLA C., HERNÁNDEZ M., MÉNDEZ A.

Evento: Internacional

Descripción: Microbiology after the genomic era

Ciudad: París

Año del evento: 2014

Palabras clave: *Campylobacter* Genómica Patogenicidad

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

**Genome-wide characterization of *Mycobacterium tuberculosis* outbreaks in the low-risk uruguayan population (2014)**

Resumen

IRAOLA G., GREIF G., BERNÁ L., NAYA H., ROBELLO C.

Evento: Internacional

Descripción: Microbiology after the genomic era

Ciudad: París

Año del evento: 2014

Palabras clave: Genómica *Mycobacterium tuberculosis*

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

**Dinámica evolutiva de la familia de proteínas Old Yellow Enzyme: la prostaglandina f2a sintasa de Trypanosoma cruzi (2014)**

Resumen

DÍAZ-VIRAQUÉ F, IRAOLA G., ROBELLO C

Evento: Nacional

Año del evento: 2014

Palabras clave: Old Yellow Enzyme Trypanosoma cruzi

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Evolución Molecular

Medio de divulgación: Otros

**Evolución genómica de la patogenicidad y el tropismo de tejido en el género Campylobacter (2014)**

Resumen

IRAOLA G., PASTOR E., PAOLICCHI F., CALLEROS L., VALENZUELA S., VELILLA A., HERNÁNDEZ M., MORSELLA C., MÉNDEZ A., NAYA H., PÉREZ R.

Evento: Nacional

Año del evento: 2014

Palabras clave: Campylobacter Genómica Patogenicidad

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

**Uso de CRISPRs (Clustered Regularly Interspaced Short Palindromic Repeat) como herramienta para la tipificación genética del patógeno clonal Campylobacter fetus. (2013)**

Resumen

CALLEROS L., VELILLA A., MORSELLA C., MÉNDEZ A., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., PÉREZ R.

Evento: Regional

Descripción: XIII Congreso Argentino de Microbiología

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2013

Palabras clave: Campylobacter CRISPR

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana

Medio de divulgación: Internet

**Detección mediante bacteriología y Real Time PCR de Campylobacter fetus subespecie fetus y subespecie venerealis en muestras de bovinos experimentalmente infectados. (2013)**

Resumen

VELILLA A., IRAOLA G., MORSELLA C., MÉNDEZ A., CALLEROS L., PÉREZ R., PAOLICCHI F

Evento: Regional

Descripción: XIII Congreso Argentino de Microbiología

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2013

Palabras clave: Campylobacter PCR Infección experimental

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana

Medio de divulgación: Internet

**Análisis bioinformática de genes implicados na formação de biofilmes de Leptospira (2013)**

Resumen

DOS SANTOS RIBEIRO P., LIMA G., SPANGENBERG L., IRAOLA G., DA CUNHA S., CAFEZEIRO G., ALMEIDA A., VASCONCELOS L., NAYA H., RISTOW P

Evento: Internacional

Descripción: Congresso Brasileiro de Microbiologia

Año del evento: 2013

Palabras clave: Leptospira Biofilm Leptospirosis

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana  
Medio de divulgación: Internet

**Identificación de marcadores para el estudio de la variabilidad genética en *Campylobacter fetus* (2012)**

Resumen

CALLEROS L., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., PÉREZ R.

Evento: Internacional

Descripción: XXI Congreso de la Asociación Latinoamericana de Microbiología

Ciudad: Santos

Año del evento: 2012

Palabras clave: variabilidad CRISPR

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

**Shedding light into bacterial pathogenicity prediction: a machine learning approach (2012)**

Resumen

IRAOLA G., VAZQUEZ G., SPANGENBERG L., NAYA H

Evento: Internacional

Descripción: ISCB-LA

Ciudad: Santiago de Chile

Año del evento: 2012

Palabras clave: Machine Learning Bacterial pathogenicity prediction

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Medio de divulgación: Papel

**Predicción de patogenicidad bacteriana en humanos (2012)**

Resumen

IRAOLA G., SPANGENBERG L., VAZQUEZ G., NAYA H

Evento: Regional

Descripción: Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Palabras clave: Patogenicidad bacteriana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genética bacteriana

Medio de divulgación: Papel

**Modeling the emergence of new human pathogens: bacteria as their own worst friends (2012)**

Resumen

IRAOLA G., SPANGENBERG L., VALENZUELA S., NAYA H

Evento: Internacional

Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region

Año del evento: 2012

Palabras clave: Bacteria Patogenicidad Emergente

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Otros

**Estudios de la organización del gen GPDH en *Rhodnius prolixus* y *Triatoma infestans* (Hemiptera-Reduviidae) (2011)**

Resumen

STROPPA MM, CARRIAZO C, LAGUNAS M, IRAOLA G., PANZERA Y., GEREZ DE BURGOS N

Evento: Regional

Descripción: IX Congreso Argentino de Protozoología y Enfermedades Parasitarias  
Ciudad: Mar del Plata, Argentina  
Año del evento: 2011  
Anales/Proceedings: Revista Médica de Rosario  
Volumen: 77  
ISSN/ISBN: 03275019  
Palabras clave: GDPH Triatoma Rhodnius  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética  
Medio de divulgación: Papel

#### **Genética aplicada al estudio de virus aviares (2011)**

Resumen  
HERNÁNDEZ M., TOMÁS G., MARANDINO A., IRAOLA G., MAYA L., HERNÁNDEZ D.,  
PANZERA Y., FERRARA F., PÉREZ R.

Evento: Local  
Descripción: II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética  
Ciudad: Montevideo  
Año del evento: 2011  
Palabras clave: PCR Diagnóstico Virus aviares  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética  
Viral  
Medio de divulgación: Internet

#### **Análisis de la variabilidad genética de Campylobacter fetus en Uruguay mediante MLST (2011)**

Resumen  
CALLEROS L., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., SILVEYRA S., CARRETTO L.

Evento: Local  
Descripción: II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética  
Ciudad: Montevideo  
Año del evento: 2011  
Palabras clave: Campylobacter fetus MLST Variabilidad genética  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética  
Bacteriana  
Medio de divulgación: Internet

#### **Genómica comparativa del género Campylobacter: identificación de nuevos blancos de diagnóstico para C. fetus (2010)**

Resumen  
IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., CARRETTO L., PÉREZ R.

Evento: Nacional  
Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Urugaya de Biociencias  
Ciudad: Pirápolis  
Año del evento: 2010  
Palabras clave: Genómica comparativa  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Genómica comparativa  
Medio de divulgación: Internet  
[www.pasteur.edu.uy/sub](http://www.pasteur.edu.uy/sub)

#### **Detección de Campylobacter fetus venerealis mediante multiplex PCR (2010)**

Resumen  
IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., CARRETTO L., SILVEIRA S., PÉREZ R.

Evento: Internacional  
Descripción: XX Congreso Latinoamericano de Microbiología  
Ciudad: Montevideo  
Año del evento: 2010  
Anales/Proceedings: XX Congreso Latinoamericano de Microbiología - Presentación oral

Página inicial: 32  
ISSN/ISBN: 9789974819429  
Palabras clave: Campylobacter Multiplex PCR Diagnóstico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana  
Medio de divulgación: Papel  
www.alam2010.org.uy  
Este trabajo fue seleccionado para ser presentado en forma oral

**Desarrollo de un método molecular basado en RealTime PCR para el diagnóstico de Campylobacter fetus venerealis (2010)**

Resumen  
IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., CARRETTO L., PÉREZ R.

Evento: Internacional  
Descripción: XII Congreso Argentino de Microbiología  
Ciudad: Buenos Aires  
Año del evento: 2010  
Anales/Proceedings: XII Congreso Argentino de Microbiología  
Palabras clave: Campylobacter RealTime PCR Diagnóstico  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana  
Medio de divulgación: Papel  
www.aam.org.ar

**Diagnóstico y caracterización de subespecies de Campylobacter fetus circulantes en ganado bovino uruguayo (2009)**

Resumen  
IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., SILVERA S., CARRETTO L., PÉREZ R.

Evento: Regional  
Descripción: VI Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular  
Ciudad: Montevideo  
Año del evento: 2009  
Palabras clave: Campylobacter, Diagnóstico, PCR  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana  
Medio de divulgación: CD-Rom

**Detección Molecular de Campylobacter fetus en ganado bovino uruguayo (2009)**

Resumen expandido  
CALLEROS L., IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CARRETTO L., PÉREZ R.

Evento: Regional  
Descripción: Sextas Jornadas Técnicas de Veterinaria  
Ciudad: Montevideo  
Año del evento: 2009  
Palabras clave: Campylobacter, Diagnóstico, PCR  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana  
Medio de divulgación: Internet  
www.fvet.edu.uy

**TEXTOS EN PERIÓDICOS O REVISTAS**

**Una sola salud y el efecto mariposa (2018)**

ECOS Uruguay  
Revista  
IRAOLA G.

Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Resistencia

antimicrobiana

Medio de divulgación: Internet

Fecha de publicación: 21/04/2018

<http://ecos.la/LA/18/opinion/2018/04/21/22693/una-sola-salud-y-el-efecto-mariposa/>

## Producción técnica

### PRODUCTOS

#### MLSTar (2018)

Software, Otra

FERRÉS I., IRAOLA G.

Software escrito en R para genotipificación de bacterias usando datos genómicos

País: Uruguay

Disponibilidad: Irrestringida

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Filogenética

Medio de divulgación: Internet

<https://github.com/iferres/MLSTar>

#### Pewit (2018)

Software, Otra

FERRÉS I., Fresia P., IRAOLA G.

Reconstrucción de pan-genomas bacterianos

País: Uruguay

Disponibilidad: Irrestringida

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

<https://github.com/iferres/Pewit>

#### Phylen (2018)

Software, Otra

FERRÉS I., IRAOLA G.

Reconstrucción filogenética utilizando la base de datos EggNOG

País: Uruguay

Disponibilidad: Irrestringida

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Filogenética

Medio de divulgación: Internet

<https://github.com/iferres/phylen>

#### Bacfier (2014)

Software, Otra

SPANGENBERG L., IRAOLA G., VAZQUEZ G., NAYA H

Predicción de patogenicidad bacteriana a partir de datos genómicos

País: Uruguay

Palabras clave: Patogenicidad bacteriana Genómica Predicción

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Genómica

Medio de divulgación: CD-Rom

### TRABAJOS TÉCNICOS

#### Métodos moleculares para el diagnóstico y tipificación de Brucelosis: aplicabilidad, desarrollo y transferencia de tecnologías (2015)

Informe o Pericia técnica

IRAOLA G.

Asesoramiento en herramientas para el diagnóstico molecular de patógenos bacterianos

País: Uruguay

Idioma: Español  
Ciudad: Montevideo  
Número de páginas: 5  
Duración: 1 mes  
Palabras clave: PCR Diagnóstico MLST Brucella  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

## Otras Producciones

### CURSOS DE CORTA DURACIÓN DICTADOS

#### Hands-on metagenomics data analysis: tools for bioprospection in clinical and environmental microbiology (2017)

IRAOLA G.  
Otro  
País: Uruguay  
Idioma: Inglés  
Medio divulgación: Internet  
Web: [pasteur.uy](http://pasteur.uy)  
Tipo de participación: Organizador  
Unidad: Unidad de Bioinformática  
Duración: 2 semanas  
Lugar: Institut Pasteur de Montevideo  
Ciudad: Montevideo  
Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo  
Palabras clave: Metagenómica Microbioma Análisis de datos  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /  
Información adicional: Financiado por UNU-Biolac, Embajada Francesa en Uruguay e Institut Pasteur de Montevideo.

### PROGRAMAS EN RADIO O TV

#### Cambiando el aire (2018)

IRAOLA G.  
Entrevista  
País: Uruguay  
Idioma: Español  
Emisora: TNU  
Tema: Metagenómica y resistencia a antibióticos  
Duración: 15 minutos  
Ciudad: Montevideo  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

#### Sobre Ciencia (2018)

IRAOLA G.  
Entrevista  
País: Uruguay  
Idioma: Español  
Emisora: Radio Uruguay  
Tema: Metagenómica y resistencia a antibióticos  
Duración: 15 minutos  
Ciudad: Montevideo  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

## Evaluaciones



## EVALUACIÓN DE PROYECTOS

### EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

#### Agencia Nacional de Investigación e Innovación ( 2015 / 2015 )

Uruguay  
Agencia Nacional de Investigación e Innovación  
Cantidad: Menos de 5

#### Agencia Nacional de Promoción de Ciencia y Tecnología (ANPCyT) ( 2015 / 2015 )

Argentina  
Agencia Nacional de Promoción de Ciencia y Tecnología (ANPCyT)  
Cantidad: Menos de 5

## EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

### COMITÉ EDITORIAL

#### Gene ( 2015 / 2015 )

Cantidad: Menos de 5

### REVISIONES

#### Journal of Open Source Software ( 2018 )

Tipo de publicación: Revista  
Cantidad: Menos de 5

#### Royal Society Open Science ( 2017 )

Tipo de publicación: Revista  
Cantidad: Menos de 5

#### Journal of Microbiological Methods ( 2016 / 2018 )

Tipo de publicación: Revista  
Cantidad: De 5 a 20

#### Journal of Enteric Pathogens ( 2015 )

Tipo de publicación: Revista  
Cantidad: Menos de 5

#### Medical Research Archives ( 2015 )

Tipo de publicación: Revista  
Cantidad: Menos de 5

#### African Journal of Microbiology Research ( 2015 )

Tipo de publicación: Revista  
Cantidad: Menos de 5

## EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

#### Cargo concursable proyecto ANII "Centro Uruguayo de Metagenómica" ( 2017 )

Comité evaluador  
Uruguay  
Cantidad: Menos de 5

#### Cargo concursable proyecto ANII-FSSA-X-2014-1-105252 ( 2016 )

Comité evaluador  
Uruguay

Cantidad: Menos de 5

## Formación de RRHH

### TUTORÍAS CONCLUIDAS

#### GRADO

##### **Estudios genómicos en *Campylobacter sputorum* bv. *sputorum* (2013)**

Tesis/Monografía de grado  
Sector Educación Superior/Privado / Universidad ORT Uruguay / Universidad ORT Uruguay -  
Facultad de Ingeniería , Uruguay  
Programa: Licenciatura en Biotecnología  
Nombre del orientado: Eugenia Pastor  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Campylobacter Genómica  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

##### **Identificación de los genes involucrados en el metabolismo del ácido siálico en *Leptospira* (2013)**

Tesis/Monografía de grado  
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR ,  
Uruguay  
Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas  
Nombre del orientado: Gabriel Martínez  
Medio de divulgación: Papel  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Leptospira Ácido siálico  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

### TUTORÍAS EN MARCHA

#### POSGRADO

##### **Análisis metagenómico de la microbiota fecal de bovinos durante la infección con *Fasciola hepatica* utilizando tecnología Oxford Nanopore (2018)**

Tesis de doctorado  
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut  
Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay  
Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (PEDECIBA)  
Tipo de orientación: Tutor único o principal  
Nombre del orientado: Cecilia Salazar  
Medio de divulgación: Internet  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática / Genómica microbiana

##### **Desarrollo de herramientas automatizadas para el procesamiento de datos de secuenciación masiva de genomas y metagenomas procariotas (2017)**

Tesis de maestria  
Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut  
Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay  
Programa: Maestría en Bioinformática (PEDECIBA)  
Tipo de orientación: Tutor único o principal  
Nombre del orientado: Raúl Feijó  
País/Idioma: Uruguay, Español  
Palabras Clave: Desarrollo bioinformático  
Areas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la  
Información y Bioinformática

### **Genómica aplicada al estudio de *Campylobacter fetus* en humanos y animales de producción (2016)**

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Daniela Costa

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: *Campylobacter fetus* Genómica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

### **Optimización de metodologías para la reconstrucción de vías metabólicas a partir de datos genómicos en el phylum *Spirochaetes*. (2015)**

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Maestría en Bioinformática (UDELAR-PEDECIBA)

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Ignacio Ferrés

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Genómica Espiroquetas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

## **Otros datos relevantes**

### **PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS**

#### **Beca de Doctorado (2014)**

(Nacional)

CSIC

#### **Premio al mejor poster (2012)**

(Nacional)

Sociedad Uruguaya de Biociencias

Premio al mejor poster, titulado "Predicción de patogenicidad bacteriana en humanos", presentado en el congreso de la Sociedad Uruguaya de Biociencias 2012

#### **Beca de Maestría (2011)**

(Nacional)

CSIC

#### **Beca de Iniciación a la Investigación (2010)**

(Nacional)

Agencia Nacional de Investigación e Innovación

### **PRESENTACIONES EN EVENTOS**

#### **Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network (2014)**

Congreso

Clinical cases of *Mycobacterium tuberculosis* in Uruguay boarded by whole genome sequencing Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 8

Palabras Clave: Genómica *Mycobacterium* Patógenos

Áreas de conocimiento:

**Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)**

Congreso  
Evolución genómica de la patogenicidad y el tropismo de tejido en el género *Campylobacter*  
Uruguay  
Tipo de participación: Expositor oral  
Carga horaria: 8  
Palabras Clave: *Campylobacter* Genómica Patogenicidad  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

**XX Congreso Latinoamericano de Microbiología (2010)**

Congreso  
Detección de *Campylobacter fetus venerealis* mediante múltiple PCR  
Uruguay  
Tipo de participación: Expositor oral  
Carga horaria: 8  
Palabras Clave: *Campylobacter* Diagnóstico Microbiología  
Áreas de conocimiento:  
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

## Indicadores de producción

<b>PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA</b>	<b>51</b>
<b>Artículos publicados en revistas científicas</b>	30
Completo	30
<b>Trabajos en eventos</b>	20
<b>Textos en periódicos</b>	1
Revistas	1
<b>PRODUCCIÓN TÉCNICA</b>	<b>8</b>
<b>Productos tecnológicos</b>	4
<b>Trabajos técnicos</b>	1
<b>Otros tipos</b>	3
<b>EVALUACIONES</b>	<b>11</b>
<b>Evaluación de proyectos</b>	2
<b>Evaluación de publicaciones</b>	7
<b>Evaluación de convocatorias concursables</b>	2
<b>FORMACIÓN RRHH</b>	<b>6</b>
<b>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas</b>	2
Tesis/Monografía de grado	2
<b>Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha</b>	4
Tesis de doctorado	2
Tesis de maestría	2