



GREGORIO MANUEL
IRAOLA BENTANCOR

Dr.

giraola@pasteur.edu.uy

Valencia 1790
099394982

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información

Categorización actual: Iniciación (Activo)

Fecha de publicación: 17/12/2018
Última actualización SNI: 17/12/2018

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Institut Pasteur de Montevideo/ Institut Pasteur de Montevideo / Laboratorio de Genómica Microbiana / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Laboratorio de Genómica Microbiana

Dirección: Mataojo 2020 / 11400 / Montevideo , Montevideo , Uruguay

Teléfono: (5982) 25220910

Correo electrónico/Sitio Web: giraola@pasteur.edu.uy <http://www.pasteur.edu.uy/>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (PEDECIBA) (2012 - 2016)

Institut Pasteur de Montevideo - Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática , Uruguay

Título de la disertación/tesis: Desarrollo y aplicación de herramientas computacionales para el análisis taxonómico y patogenómico de procariontas

Tutor/es: Hugo Naya

Obtención del título: 2016

Palabras Clave: Genómica comparativa Patogenicidad bacteriana Machine Learning

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

MAESTRÍA

Maestría en Bioinformática (PEDECIBA) (2010 - 2013)

Institut Pasteur de Montevideo - Institut Pasteur de Montevideo, Unidad de Bioinformática , Uruguay

Título de la disertación/tesis: Pasaje a Doctorado en Biología (PEDECIBA)

Obtención del título: 2013

Financiación:

Universidad de la República / Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2006 - 2010)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Título de la disertación/tesis: Estandarización De Un Método Molecular Para La Detección De Campylobacteriosis Bovina En Uruguay

Tutor/es: Ruben Gustavo Pérez Crossa

Obtención del título: 2010

Palabras Clave: Campylobacter PCR

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Bioinformatics & Comparative Genome Analyses (01/2011 - 01/2011)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institut Pasteur de Paris , Francia

88 horas

Palabras Clave: Bioinformática Genómica comparativa

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Molecular Biology of Viral Diseases (01/2011 - 01/2011)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Virología molecular

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Virología Molecular

Next Generation Sequencing Data Analysis (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Next Generation Sequencing

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Tecnologías de Secuenciación Masiva

Molecular Basis of Bacterial Infection (01/2010 - 01/2010)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Trust Sanger Institute , Inglaterra

45 horas

Palabras Clave: Bioinformática Mutagénesis Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Biología Molecular de Enfermedades Virales (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Regional Norte - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Biología Molecular

Working With Pathogen Genomes Wellcome Trust Sanger Institute (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina - UDeLaR , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Bioinformática, Artemis, Genómica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

XLI Reunión Anual Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile (2018)

Tipo: Congreso

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

X-meeting (2018)

Tipo: Congreso

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

II Seminario Franco-Argentino en Biociencias (2018)

Tipo: Seminario

Institución organizadora: Instituto Franco-Argentino, Argentina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2018)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Institut Pasteur, Francia

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

MISP Reaserch Camp (2017)

Tipo: Taller

Institución organizadora: PERSIMUNE, Dinamarca

Palabras Clave: Medicina de precisión Metagenómica Genómica bacteriana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2016)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Institut Pasteur International Network, Francia

Palabras Clave: Metagenómica Genómica comparativa Biomarcadores

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

MISP Research Camp (2015)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Institut Pasteur International Network, Uruguay

Palabras Clave: Genómica Secuenciación masiva Biomedicina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Biología computacional

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Microbiology after the genomics revolution (2014)

Tipo: Congreso

Palabras Clave: Genómica Microbiología

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network Paris (2014)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Institut Pasteur, Francia

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

III Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)

Tipo: Congreso

Palabras Clave: Genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

ISCB-LA Conference on Bioinformatics (2012)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: International Society of Computational Biology, Uruguay

Palabras Clave: Bioinformatics Computational Biology

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Pasantía en Genética Bacteriana (2011)

Tipo: Otro

Institución organizadora: INTA Balcarce, Argentina

Palabras Clave: Campylobacter Genética Bacteriana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana

Pasantía en Bioinformática (2011)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Núcleo de Bioinformática, Universidad de Caxias do Sul, Uruguay

Palabras Clave: Patogenicidad bacteriana Redes neurales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Patogenicidad bacteriana

Pasantía en Bioinformática (2011)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Institut Pasteur Montevideo, Uruguay

Palabras Clave: Genómica comparativa Leptospira

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

XII Congreso Argentino de Microbiología (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Argentina de Microbiología, Argentina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

XX Congreso Latinoamericano de Microbiología (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Asociación Latinoamericana de Microbiología, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2010)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: SUB, Uruguay

VI Jornadas Técnicas de la Facultad de Veterinaria (2009)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Facultad de Veterinaria, Uruguay

VI Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular (2009)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Facultad de Ciencias - Institut Pasteur Montevideo, Uruguay

Foro de Innovación de las Américas (2009)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: ANII, Uruguay

Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2008)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: UDELAR, Uruguay

Idiomas

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Portugués

Entiende regular / Lee bien /

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Evolución viral

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Actuación profesional

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - INGLATERRA

Wellcome Trust Sanger Institute / Host-Microbiota Interactions Laboratory

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (12/2018 - a la fecha)

International Fellow

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Latinbiota: understanding the evolution, transmission and antibiotic resistance of microbiota-associated pathogens in South American LMICs (12/2018 - a la fecha)

Latinbiota es un proyecto de investigación a nivel continental que busca generar información acerca de la variabilidad del microbioma intestinal humano en poblaciones nativas y urbanas de América Latina. El proyecto es liderado por mi, y se enmarca en el contexto de mi vinculación con el Wellcome Sanger Institute del Reino Unido como International Fellow, un programa internacional a 4 años para fortalecer vínculos de colaboración entre dicha institución y científicos extranjeros trabajando en países en desarrollo.

1 horas semanales

Host-Microbiota Interactions Laboratory

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Wellcome Trust Sanger Institute, Inglaterra, Apoyo financiero

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Genomic epidemiology of Clostridium difficile in Latin America (12/2018 - a la fecha)

Secuenciación y análisis comparativo del genoma completo de 500 cepas de Clostridium difficile aisladas en 8 países latinoamericanos. El proyecto busca comprender la epidemiología de éste patógeno de gran importancia en diarreas intrahospitalarias, resistentes a antibióticos en la región latinoamericana.

1 horas semanales

Host-Microbiota Interactions Laboratory

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Wellcome Trust Sanger Institute, Inglaterra, Apoyo financiero

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Universidad Mayor / Centro de Biología Integrativa

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (03/2018 - a la fecha)

Profesor Adjunto Internacional

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Centro Biomédico del Microbioma (03/2018 - a la fecha)

El CBM tiene como objetivo permitir el estudio y aplicaciones asociadas al trasplante de microbioma en Chile y Sudamérica para entregar terapias innovadoras a distintas enfermedades del ser humano.

1 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Universidad Mayor, Chile, Apoyo financiero
Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Court F (Responsable) , Manque P
Palabras clave: Microbioma Transplante fecal
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación e Información / Microbioma
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Clínica / Gastroenterología y Hepatología /

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (12/2018 - a la fecha)

Investigador Principal ,40 horas semanales
Investigador Principal de Laboratorio de Genómica Microbiana

Funcionario/Empleado (07/2016 - 12/2018)

Investigador Adjunto ,40 horas semanales

Funcionario/Empleado (01/2013 - 06/2016)

Investigador Asistente ,20 horas semanales

Funcionario/Empleado (12/2010 - 12/2012)

Pasante honorario ,20 horas semanales

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Evolución, epidemiología genómica y dinámica de determinantes genéticos de resistencia a antibióticos en bacterias ambientales, zoonóticas e intrahospitalarias (12/2018 - a la fecha)

Comparación de genomas bacterianos para el estudio de la evolución de patógenos que afectan la salud humana, de animales de producción y que son transmitidos a través del ambiente. Con especial énfasis en el estudio de la dinámica de dispersión de mecanismos de resistencia a antibióticos.

Mixta

1 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Pablo FRESIA CORONEL , Ignacio FERRÉS CÁCERES , Matías GIMENEZ MARTÍNEZ , María Cecilia SALAZAR GONZÁLEZ

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Caracterización de microbiomas ambientales, humanos y de animales de producción (12/2018 - a la fecha)

Aplicación de herramientas metagenómicas, genómicas y bacteriológicas para la caracterización de la variabilidad de la microbiota ambiental y asociada a hospederos como humanos y animales de producción, con particular énfasis en el estudio de la dinámica de determinantes genéticos de resistencia a antibióticos.

Mixta

10 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Pablo FRESIA CORONEL , María Cecilia SALAZAR GONZÁLEZ , Veronica Beatriz ANTELO GUTIERREZ , Matías GIMENEZ MARTÍNEZ , Ignacio FERRÉS CÁCERES , Feijo R

Palabras clave: Microbioma Metagenómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Desarrollo de herramientas bioinformáticas para microbiología computacional (12/2018 - a la fecha)

Desarrollo de métodos, algoritmos y pipelines bioinformáticos para el análisis de datos de secuenciación masiva

Mixta

10 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Ignacio FERRÉS CÁCERES , Matías GIMENEZ MARTÍNEZ , Feijo R

Palabras clave: Bioinformática Biología computacional Algoritmos Desarrollo de software

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Desarrollo y validación de metodologías para el diagnóstico y control de la campylobacteriosis genital bovina (07/2015 - a la fecha)

Fondo Sectorial de Sanidad Animal para el desarrollo de metodologías moleculares para el diagnóstico de campylobacteriosis genital bovina en Uruguay

5 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: CALLEROS L. (Responsable) , Daniela COSTA DUARTE , Ruben Gustavo PÉREZ CROSSA , Franklin RIET CORREA AMARAL

Palabras clave: Genética Bacteriana Campylobacter fetus Biotecnología Genómica bacteriana

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Evolución genómica de Mycobacterium avium paratuberculosis en animales silvestres y de producción (04/2017 - a la fecha)

Genómica comparativa de cepas de Mycobacterium avium paratuberculosis a nivel global para comprender los patrones evolutivos que detrás de su adaptación a distintos hospederos

1 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Pablo FRESIA CORONEL , Ignacio FERRÉS CÁCERES

Palabras clave: Mycobacterium Genómica comparativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Global diversity, genomic epidemiology and pathogen evolution of Leptospira spp. (03/2017 - a la fecha)

Proyecto internacional en conjunto con otros integrantes de la Red Internacional de Institutos Pasteur para estudiar la diversidad genética de las especies pertenecientes al género Leptospira

1 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Institut Pasteur de Paris, Francia, Apoyo financiero

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Ignacio FERRÉS CÁCERES , Picardeau M , Alejandro BUSCHIAZZO , Zarantonelli L

Palabras clave: Leptospira Genómica Diversidad Evolución

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Centro Uruguayo de Metagenómica: una plataforma interinstitucional para la incubación de proyectos aplicados al monitoreo de ambientes prioritarios (04/2017 - a la fecha)

Aplicación de la metagenómica para el análisis microbiológico de ambientes urbanos y productivos
10 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:2

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Gonnet G , Antelo V , Salazar C , Matías GIMENEZ MARTÍNEZ , Pablo FRESIA CORONEL

Palabras clave: Metagenómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Tipificación y diagnóstico de Leptospira spp. por técnicas moleculares: hacia el diseño de vacunas recombinantes (03/2014 - 03/2016)

La leptospirosis es una de las zoonosis con más amplia distribución en el mundo. Causada por distintas cepas patógenas de *Leptospira* spp., afecta a todas las especies de animales domésticos. En bovinos es una de las principales causas de aborto, así como un permanente riesgo de dispersión de la zoonosis, en especial para trabajadores vinculados al trabajo de campo. *Leptospira* spp. presenta una enorme variabilidad antigénica, y una gran cantidad de hospedadores potenciales. Es por ende un tema complicado a la hora de generar programas de control eficaces. La vacunación sigue siendo una herramienta muy preciada para la prevención de los animales sanos y susceptibles. Las vacunas contra leptospirosis bovina actualmente disponibles en el mercado consisten en suspensiones de leptospirosis inactivadas. En dichas formulaciones se incluyen uno o más serovares. Sin embargo, la eficacia de las vacunas actuales es cuestionada. Si bien la técnica de microaglutinación (MAT), que lleva adelante la DILAVE (Ministerio de Ganadería, Agricultura y Pesca) continúa siendo la técnica "gold standard" para diagnosticar infecciones de acuerdo a serovares, es bien conocido que presenta una baja sensibilidad. El MAT puede ser útil para el diagnóstico en casos agudos, pero puede dificultarlo en otros, por ejemplo en el curso crónico y subclínico de la enfermedad. Este proyecto se propone aislar cepas locales de *Leptospira*, y tipificarlas con aproximaciones tanto serológicas como moleculares. Así se podrá contar con un cepario bien caracterizado, del que hoy no disponen las entidades nacionales de vigilancia y control sanitario. Asimismo, desarrollar un método de diagnóstico molecular rápido de *Leptospira* a partir de muestras biológicas, permitiría implementar precozmente la terapia con antibióticos.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Gregorio Manuel IRAOLA BENTANCOR , Alejandro BUSCHIAZZO , Picardeau M , Zarantonelli L , Hugo Mario NAYA MONTEVERDE

Palabras clave: Leptospirosis

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Análisis transcripcional en Leptospiras formadoras de biofilms (12/2012 - 12/2014)

2 horas semanales

Institut Pasteur Montevideo , Unidad de Bioinformática

Investigación

Integrante del Equipo
En Marcha
Alumnos encargados en el proyecto:
Pregrado:1
Equipo: NAYA H (Responsable) , RISTOW P
Palabras clave: Leptospira biofilms NGS
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - CHILE

Genoma Mayor

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (03/2018 - a la fecha)

Director de Bioinformática ,1 hora semanal

ACTIVIDADES

DIRECCIÓN Y ADMINISTRACIÓN

Dirección del área Bioinformática (03/2018 - a la fecha)

1 horas semanales

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY

Área Biología (PEDECIBA)

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (03/2017 - a la fecha)

Investigador Grado 3

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PRIVADO - UNIVERSIDAD ORT URUGUAY - URUGUAY

Universidad ORT Uruguay - Facultad de Ingeniería

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (05/2014 - 09/2017)

Profesor Asistente ,4 horas semanales

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Licenciatura en Biotecnología (05/2014 - 09/2016)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Bioinformática I, 4 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias - UDeLaR / Sección Genética Evolutiva

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (08/2010 - 08/2015)

Docente Ayudante ,20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (05/2011 - 07/2011)

Ayudante de la Maestría en Bioinformática ,25 horas semanales
Dictado de las clases prácticas del curso de posgrado de la Maestría en Bioinformática titulado "Genética y Evolución"
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Evolución de virus que afectan animales de producción y compañía (03/2009 - a la fecha)

2 horas semanales
Sección Genética Evolutiva, Grupo Genética de Microorganismos , Integrante del equipo
Equipo: CALLEROS L. , PÉREZ R. , TOMÁS G , MARANDINO A. , PANZERA Y. , SARUTE N
Palabras clave: Genética viral
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Viral

DOCENCIA

Licenciatura en Ciencias Biológicas (08/2010 - 08/2015)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Genética General, 20 horas, Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Licenciatura en Ciencias Biológicas (03/2015 - 06/2015)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 4 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Maestría en Bioinformática PEDECIBA (11/2013 - 12/2013)

Maestría
Invitado
Asignaturas:
Taller de Bioinformática, 4 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2013 - 06/2013)

Maestría
Asistente
Asignaturas:

Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 8 horas, Teórico-Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral y bacteriana

Maestría en Bioinformática PEDECIBA (05/2011 - 07/2011)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Genética y Evolución, 2 horas, Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genética y Evolución

Licenciatura en Ciencias Biológicas (04/2010 - 05/2010)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Análisis de la variabilidad genética en microorganismos, 30 horas, Teórico-Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Microorganismos

Maestría en Genética (04/2009 - 06/2009)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Organización, variabilidad y función del genoma eucariota, 5 horas, Teórico-Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas
Carga horaria de investigación: 30 horas
Carga horaria de formación RRHH: 20 horas
Carga horaria de extensión: Sin horas
Carga horaria de gestión: 10 horas

Producción científica/tecnológica

Soy un microbiólogo computacional. Mi trabajo de investigación se enmarca en el estudio del genoma de microorganismos utilizando datos de secuenciación masiva y aproximaciones bioinformáticas como herramientas fundamentales. En general, mi área de actuación comprende el estudio de la variabilidad genética de poblaciones y comunidades de microorganismos en condiciones de salud y enfermedad de los hospederos que las portan, e incorporando al ambiente como un factor relevante para su transmisión. En este sentido, la integración de datos genómicos de microorganismos que infectan o colonizan humanos, otros animales y el ambiente me permite desarrollar un abordaje de "una sola salud". Específicamente, desarrollo tres líneas de investigación principales: i) el estudio de la evolución, la epidemiología, la biogeografía y la dinámica de determinantes de resistencia a antibióticos en bacterias ambientales, zoonóticas e intrahospitalarias; ii) la caracterización del microbioma humano, bovino y ambiental con foco en la dinámica de los determinantes de resistencia a antibióticos entre microorganismos que componen su microbiota; y iii) el desarrollo de nuevas herramientas bioinformáticas para microbiología computacional con foco en la aplicación de tecnologías de secuenciación de tercera generación. Ejemplos de éstos trabajos son el análisis de colecciones globales de cepas de patógenos como *Campylobacter* o *Clostridium*, que han permitido determinar los principales patrones de evolución genómica y adaptación a hospederos, el estudio del microbioma de las aguas del saneamiento urbano como vehículo para la diseminación de determinantes de resistencia a antibióticos, o Latinbiota, un proyecto que busca generar datos de microbioma intestinal de poblaciones urbanas y nativas habitantes de países sudamericanos.

Producción bibliográfica

ARBITRADOS

Surveying what's flushed away (Completo, 2018)

IRAOLA G., Kumar N

Nature Reviews Microbiology, v.: 16 456 , 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 17401526

DOI: <https://doi.org/10.1038/s41579-018-0047-7>

<https://www.nature.com/articles/s41579-018-0047-7>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

First Release of the Bacterial Biobank of the Urban Environment (BBUE) (Completo, 2018)

Antelo V, Salazar C, Martínez A, D'Alessandro B, Castro M, BETANCOR L, María Victoria Barcala, Míguez D, Gonnet G, IRAOLA G.

Microbiology Resource Announcements, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Bacteriología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 2576098X

DOI: <https://doi.org/10.1128/MRA.01201-18>

<https://mra.asm.org/content/7/16/e01201-18>

Inter-and intracontinental migrations and local differentiation have shaped the contemporary epidemiological landscape of canine parvovirus in South America (Completo, 2018)

GRECCO S., IRAOLA G., Decaro N, Alfieri A, Alfieri AM, Calderón MG, da Silva AP, Name D, Aldaz J, CALLEROS L, Marandino A, Tomás G, Maya L, Francia L, PANZERA, Y., PÉREZ R
Virus Evolution, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Evolución viral

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20571577

DOI: <https://doi.org/10.1093/ve/vey011>

<https://academic.oup.com/ve/article/4/1/vey011/4965880>

MLSTar: automatic multilocus typing of bacterial genomes in R (Completo, 2018)

FERRÉS I., IRAOLA G.

PeerJ, v.: 6 e2663, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21678359

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Biodiversity of environmental Leptospira: improving identification and revisiting the diagnosis (Completo, 2018)

Thibeaux R, Girault D, Bierque E, Soupé-Gilbert ME, Rettinger A, Douyere A, Meyer M, IRAOLA G., Picardeau M, Goarant C

Frontiers in Microbiology, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 1664302X

DOI: [10.1099/mgen.0.000144](https://doi.org/10.1099/mgen.0.000144)

Whole genome sequencing of the monomorphic pathogen *Mycobacterium bovis* reveals local differentiation of cattle clinical isolates (Completo, 2018)

LASSERRE, M., Fresia P, GREIF, G., IRAOLA G., Castro-Ramos M, Arturo JUAMBELTZ MARTINEZ, Alvaro NÚÑEZ FERNANDEZ, NAYA H, ROBELLO, C., BERNA, L.
BMC Genomics, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 14712164

DOI: <https://doi.org/10.1186/s12864-017-4249-6>

<https://bmcgenomics.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12864-017-4249-6>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Deciphering the unexplored *Leptospira* diversity from soils uncovers genomic evolution to virulence (Completo, 2018)

Thibeaux R, IRAOLA G., FERRÉS I., Bierque E, Girault D, Soupé-Gilbert ME, Picardeau M, Goarant C

Microbial Genomics, v.: 4 2018

Palabras clave: *Leptospira* Diversidad Taxonomía genómica Virulencia Evolución Genómica comparativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 2057-5858

DOI: [10.1099/mgen.0.000144](http://mgen.microbiologyresearch.org/content/journal/mgen/10.1099/mgen.0.000144)

<http://mgen.microbiologyresearch.org/content/journal/mgen/10.1099/mgen.0.000144>

Primer autor compartido con Roman Thibeaux.

Phylen: automatic phylogenetic reconstruction using the EggNOG database (Completo, 2018)

FERRÉS I., IRAOLA G.

Journal of Open Source Software, 2018

Palabras clave: Filogenética Filogenómica bacteriana R

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética

ISSN: 2475-9066

DOI: [10.21105/joss.00593](https://joss.theoj.org/papers/aedb5e6a0e6d0cd88ec273eb50e1254)

<https://joss.theoj.org/papers/aedb5e6a0e6d0cd88ec273eb50e1254>

Autor de correspondencia.

Distinct *Campylobacter fetus* lineages adapted as livestock pathogens and human pathobionts in the intestinal microbiota (Completo, 2017)

IRAOLA G., FORSTER S., KUMAR N, LEHOURS P, BEKAL S., GARCÍA-PEÑA F., PAOLICCHI F, MORSELLA C, HOTZEL H., HSUEH PR., VIDAL A., LEVÉSQUE S., YAMAZAKI W., BALZAN C., VARGAS A., PICCIRILLO A, CHABAN B., HILL J., BETANCOR L, COLLADO L, TRUYERS I., MIDWINTER A., DAGI HT., MÉGRAUD F., CALLEROS L., PÉREZ R., NAYA H, LAWLEY T.D.
Nature Communications, v.: 8 1, 2017

Palabras clave: *Campylobacter fetus* Genómica Microbiota Adaptación Patobionte

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 20411723

DOI: [10.1038/s41467-017-01449-9](https://doi.org/10.1038/s41467-017-01449-9)

Autor de correspondencia compartido con Trevor D. Lawley.

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Campylobacter ornithocola sp. nov., a new member of the Campylobacter lari group isolated from wild bird faecal samples (Completo, 2017)

CÁCERES A, MUÑOZ I, IRAOLA G., DÍAZ-VIRAQUÉ F, COLLADO L
International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (E), 2017
Palabras clave: Campylobacter Taxonomía genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 14665034

Leptospira venezuelansiae sp. nov., a new intermediate species isolated from rats, cattle and humans (Completo, 2017)

PUCHE R, FERRÉS I, CARABALLO L, PICARDEAU M, TAKRIFF H, IRAOLA G.
International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (E), 2017
Palabras clave: Leptospira Taxonomía genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 14665034

Autor de correspondencia.

Genomic and clinical evidence uncovers the enterohepatic species Helicobacter valdiviensis as a potential human intestinal pathogen (Completo, 2017)

FRESIA P, JARA R, SIERRA R, FERRÉS I, GREIF G, IRAOLA G., COLLADO L
Helicobacter, 2017

Palabras clave: Genómica Helicobacter Enteroepática

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 10834389

DOI: [10.1111/hel.12425](https://doi.org/10.1111/hel.12425)

Autor de correspondencia compartido con Luis Collado.

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Assessing the intra-species genetic variability in the clonal pathogen Campylobacter fetus: CRISPRs are highly polymorphic DNA markers (Completo, 2017)

CALLEROS L., BETANCOR L., IRAOLA G., MÉNDEZ A, MORSELLA C, PAOLICCHI F, SILVEYRA S, VELILLA A, PÉREZ R.

Journal of Microbiological Methods, v.: 132 p.:86 - 94, 2017

Palabras clave: Campylobacter fetus CRISPR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Evolución bacteriana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01677012

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Transcriptome sequencing reveals wide expression reprogramming of basal and unknown genes in *Leptospira biflexa* biofilms (Completo, 2016)

IRAOLA G., SPANGENBERG L., LOPES BASTOS B., GRAÑA M., VASCONCELOS L., ALMEIDA A., GREIF G., ROBELLO C., RISTOW P., NAYA H
mSphere, 2016
Palabras clave: Leptospira biofilms transcriptoma
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 23795042

A novel real-time PCR assay for quantitative detection of *Campylobacter fetus* based on ribosomal sequences (Completo, 2016)

IRAOLA G., PÉREZ R., BETANCOR L., MARANDINO A., MORSELLA C., MÉNDEZ A., PAOLICCHI F., PICCIRILLO A., CALLEROS L.
BMC Veterinary Research, 2016
Palabras clave: Campylobacter fetus Campylobacteriosis Real-Time PCR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 17466148
Scopus® WEB OF SCIENCE™

***Campylobacter geochelonis* sp. nov. isolated from the western Hermann's tortoise (*Testudo hermanni hermanni*) (Completo, 2016)**

NIERO G., PICCIRILLO A., CALLEROS L., PÉREZ R., NAYA H., IRAOLA G.
International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (E), p.:3468 - 3476, 2016
Palabras clave: Campylobacter Testudo hermanni Reptiles Taxonomía Filogenética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Taxonomía bacteriana
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 14665034
DOI: [10.1099/ijssem.0.001219](https://doi.org/10.1099/ijssem.0.001219)
Autor de correspondencia compartido con Alessandra Piccirillo.

Genetic characterization of South American Infectious Bursal Disease Virus reveals the existence of a distinct worldwide-spread genetic lineage (Completo, 2015)

HERNÁNDEZ M., TOMÁS G., MARANDINO A., IRAOLA G., MAYA L., MATTION N., HERNÁNDEZ D., VILLEGAS P., BANDA A., PANZERA Y., PÉREZ R.
Avian Pathology, 2015
Palabras clave: Evolución IBDV Filogenética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 03079457
Scopus® WEB OF SCIENCE™

Phylogenetic analysis of avian infectious bronchitis virus in South America (Completo, 2015)

MARANDINO A., PEREDA A., TOMÁS G., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., CRAIG MI., HERNÁNDEZ D., BANDA A., VILLEGAS P., PANZERA Y., PÉREZ R.
Journal of General Virology, 2015
Palabras clave: Filodinámica Virus de la Bronquitis Infecciosa Aviar Evolución
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática / Filogenética
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00221317

Scopus® WEB OF SCIENCE™

A rural worker infected with a bovine-prevalent genotype of *Campylobacter fetus* subsp. *fetus* supports zoonotic transmission and inconsistency of MLST and whole-genome typing (Completo, 2015)

IRAOLA G., BETANCOR L., CALLEROS L., GADEA P., ALGORTA G., GALEANO S., MUXI P., GREIF G., PÉREZ R.

European Journal of Clinical Microbiology & Infectious Diseases : Official Publication of the Europe, v.: 34 8, p.:1593 - 1596, 2015

Palabras clave: *Campylobacter fetus* MLST Genómica Cancer Bacteremia

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica bacteriana

ISSN: 09349723

DOI: [10.1007/s10096-015-2393-y](https://doi.org/10.1007/s10096-015-2393-y)

<https://link.springer.com/article/10.1007%2Fs10096-015-2393-y>

Autor de correspondencia.

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Molecular phylogeography of canine distemper virus: geographic origin and global spreading (Completo, 2015)

PANZERA Y., SARUTE N., IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., PÉREZ R.

Molecular Phylogenetics and Evolution (E), 2015

Palabras clave: Filogeografía Virus Distemper Canino Evolución viral

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Evolución viral

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 10959513

Scopus®

Whole-genome sequences of *Mycobacterium bovis* strain MbURU-001, isolated from fresh bovine infected samples (Completo, 2015)

LASSERRE M., BERNÁ L., GREIF G., DÍAZ-VIRAQUÉ F., IRAOLA G., NAYA H., CASTRO-RAMOS M., JUAMBELTZ A., ROBELLO C.

Genome Announcements, 2015

Palabras clave: Genómica tuberculosis *Mycobacterium*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

ISSN: 21698287

Phylogenetic and Genome-Wide Deep-Sequencing Analyses of Canine Parvovirus Reveal Co-Infection with Field Variants and Emergence of a Recent Recombinant Strain (Completo, 2014)

PÉREZ R., CALLEROS L., MARANDINO A., SARUTE N., IRAOLA G., GRECCO S., BLANCH, VIGNUZZI M., ISAKOV O., SHOMRON N., CARRAU L., HERNÁNDEZ M., FRANCIÀ L., SOSA K., TOMÁS G., PANZERA Y.

PLoS ONE, 2014

Palabras clave: Secuenciación Parvovirus Recombinación Co-infección

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 19326203

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Whole-Genome Sequencing of an Isoniazid-Resistant Clinical Isolate of Mycobacterium tuberculosis Strain MtURU-002 from Uruguay (Completo, 2014)

BERNÁ L , IRAOLA G . , GREIF G , COITINHO C , RIVAS C , NAYA H , ROBELLO C

Genome Announcements, 2014

Palabras clave: NGS Genómica tuberculosis Mycobacterium

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

ISSN: 21698287

Complete genome sequence of Mycobacterium tuberculosis strain MtURU-001, isolated from a rapidly progressing outbreak in Uruguay (Completo, 2014)

GREIF G , IRAOLA G . , BERNÁ L , COITINHO C , RIVAS C , NAYA H , ROBELLO C

Genome Announcements, 2014

Palabras clave: NGS Mycobacterium

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

Genomic evidence for the emergence and evolution of pathogenicity and niche preferences in the genus Campylobacter (Completo, 2014)

IRAOLA G . , PÉREZ R . , NAYA H , PAOLICCHI F , PASTOR E , VALENZUELA S , CALLEROS L . , VELILLA A , HERNÁNDEZ M . , MORSELLA C

Genome Biology and Evolution, 2014

Palabras clave: Patogenicidad Campylobacter sputorum Tropismo de tejido Genómica bacteriana Patogenicidad

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica Bacteriana

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 17596653

Autor de correspondencia.

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Phylogenetics analysis of canine parvovirus in Uruguay: evidence of two successive invasions by different variants (Completo, 2013)

MAYA L . , CALLEROS L . , FRANCIA L , HERNÁNDEZ M . , IRAOLA G . , PANZERA Y . , SOSA K , PÉREZ R .

Archives of Virology, 2013

Palabras clave: Canine Parvovirus Phylogenetics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología / Genética Viral

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Vienna

ISSN: 03048608

<http://www.springer.com/biomed/virology/journal/705>

Scopus[®] WEB OF SCIENCE[™]

Glycerol-3-phosphate dehydrogenase Isoforms' Differential Expression in Flight Muscles of the Chagas Disease Vector Triatoma infestans (Hemiptera, Reduviidae) (Completo, 2013)

STOPPA M . , LAGUNAS M , GARCÍA B . , PANZERA Y . , IRAOLA G . , GEREZ DE BURGOS N

American Journal of Tropical Medicine and Hygiene, 2013

Palabras clave: Triatoma infestans Chagas Glycerol-3-fosfato deshidrogenasa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00029637

Scopus® WEB OF SCIENCE™

High local genetic diversity of canine parvovirus from Ecuador (Completo, 2013)

ALDAZ J , GARCÍA J , CALLEROS L , SOSA K , IRAOLA G , MARANDINO A , HERNÁNDEZ M , PANZERA Y , PÉREZ R.

Veterinary Microbiology, 2013

Palabras clave: Parvovirus canino Ecuador

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 03781135

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Complete genome sequence of *Campylobacter fetus* subsp. *venerealis* biovar. *intermedius*, isolated from the prepuce of a bull (Completo, 2013)

IRAOLA G , PÉREZ R , NAYA H , PAOLICCHI F , HARRIS D , LAWLEY T , REGO N , HERNÁNDEZ M , CALLEROS L , CARRETTO L , VELILLA A , MORSELLA C , MÉNDEZ A , GIOFFRE A

Genome Announcements, 2013

Palabras clave: *Campylobacter fetus venerealis intermedius* *Campylobacteriosis* Secuenciación genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21698287

Autor de correspondencia.

Reduced set of virulence genes allows high accuracy prediction of bacterial pathogenicity in humans (Completo, 2012)

IRAOLA G , VAZQUEZ G , SPANGENBERG L , NAYA H

PLoS ONE, v.: 7 8 e42144, p.:1 - 14, 2012

Palabras clave: Machine Learning bacterial pathogenicity virulence genes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Patogenicidad bacteriana

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 19326203

<http://www.plosone.org/article/info%3Adoi%2F10.1371%2Fjournal.pone.0042144>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Application of a multiplex PCR assay for detection and subspecies differentiation of *Campylobacter fetus* from uncultured samples of bovine aborted fetuses (Completo, 2012)

IRAOLA G , HERNÁNDEZ M , CALLEROS L , PAOLICCHI F , SILVEYRA S , CARRETTO L , VELILLA A , RODRÍGUEZ E , PÉREZ R.

Journal of veterinary science, v.: 13 4 , p.:371 - 376, 2012

Palabras clave: Multiplex PCR *Campylobacter fetus*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 1229845X

Scopus® WEB OF SCIENCE™

NO ARBITRADOS

City-wide metagenomics uncover antibiotic resistance reservoirs in urban beach and sewage waters (Completo, 2018)

Fresia P , Antelo V , Salazar C , Giménez, M. , D'Alessandro B , Afshinnekoo E , Mason C , Gonnet G , IRAOLA G.

BioRxiv, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Medio de divulgación: Internet

ISSN: CC-BCC-B

DOI: <https://doi.org/10.1101/456517>

<https://www.biorxiv.org/content/early/2018/10/30/456517.abstract>

Nanopore sequencing significantly improves genome assembly of the eukaryotic protozoan parasite *Trypanosoma cruzi* (Completo, 2018)

Díaz-Viraqué, F. , PITA, S , GREIF, G. , Moreira de Souza RC , IRAOLA G. , ROBELLO, C.

BioRxiv, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: CC-BCC-B

DOI: <https://doi.org/10.1101/489534>

<https://www.biorxiv.org/content/early/2018/12/07/489534>

The *Trityps* comparative repeatome: insights on repetitive element evolution in Trypanosomatid pathogens (Completo, 2018)

PITA, S , Díaz-Viraqué, F. , IRAOLA G. , ROBELLO, C.

BioRxiv, 2018

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: CC-BCC-B

DOI: <https://doi.org/10.1101/387217>

<https://www.biorxiv.org/content/early/2018/08/08/387217>

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Pangenome estimation takes a walk inside taxonomy (2018)

Resumen

Ferrés I , IRAOLA G.

Evento: Internacional

Descripción: X-meeting

Ciudad: Sao Pedro

Año del evento: 2018

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

Clinical cases of *Mycobacterium tuberculosis* in Uruguay boarded by whole genome sequencing (2014)

Resumen

IRAOLA G. , GREIF G , BERNÁ L , COITINHO C , RIVAS C , NAYA H , ROBELLO C

Evento: Internacional

Descripción: Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network

Ciudad: París

Año del evento: 2014

Publicación arbitrada

Palabras clave: Genómica tuberculosis *Mycobacterium*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

Genomic evidences for the emergence and evolution of pathogenicity and tissue tropism in the genus *Campylobacter* (2014)

Resumen

IRAOLA G., PÉREZ R., NAYA H., PAOLICCHI F., PASTOR E., VALENZUELA S., CALLEROS L., VELILLA A., MORSELLA C., HERNÁNDEZ M., MÉNDEZ A

Evento: Internacional

Descripción: Microbiology after the genomic era

Ciudad: París

Año del evento: 2014

Palabras clave: *Campylobacter* Genómica Patogenicidad

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

Genome-wide characterization of *Mycobacterium tuberculosis* outbreaks in the low-risk uruguayan population (2014)

Resumen

IRAOLA G., GREIF G., BERNÁ L., NAYA H., ROBELLO C

Evento: Internacional

Descripción: Microbiology after the genomic era

Ciudad: París

Año del evento: 2014

Palabras clave: Genómica *Mycobacterium tuberculosis*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Internet

Dinámica evolutiva de la familia de proteínas Old Yellow Enzyme: la prostaglandina f2a sintasa de *Trypanosoma cruzi* (2014)

Resumen

DÍAZ-VIRAQUÉ F., IRAOLA G., ROBELLO C

Evento: Nacional

Año del evento: 2014

Palabras clave: Old Yellow Enzyme *Trypanosoma cruzi*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Evolución Molecular

Medio de divulgación: Otros

Evolución genómica de la patogenicidad y el tropismo de tejido en el género *Campylobacter* (2014)

Resumen

IRAOLA G., PASTOR E., PAOLICCHI F., CALLEROS L., VALENZUELA S., VELILLA A., HERNÁNDEZ M., MORSELLA C., MÉNDEZ A., NAYA H., PÉREZ R.

Evento: Nacional

Año del evento: 2014

Palabras clave: *Campylobacter* Genómica Patogenicidad

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Uso de CRISPRs (Clustered Regularly Interspaced Short Palindromic Repeat) como herramienta para la tipificación genética del patógeno clonal *Campylobacter fetus*. (2013)

Resumen

CALLEROS L., VELILLA A., MORSELLA C., MÉNDEZ A., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., PÉREZ R.

Evento: Regional

Descripción: XIII Congreso Argentino de Microbiología

Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2013
Palabras clave: Campylobacter CRISPR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Detección mediante bacteriología y Real Time PCR de Campylobacter fetus subespecie fetus y subespecie venerealis en muestras de bovinos experimentalmente infectados. (2013)

Resumen
VELILLA A , IRAOLA G . , MORSELLA C , MÉNDEZ A , CALLEROS L . , PÉREZ R . , PAOLICCHI F

Evento: Regional
Descripción: XIII Congreso Argentino de Microbiología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2013
Palabras clave: Campylobacter PCR Infección experimental
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Análise bioinformática de genes implicados na formação de biofilmes de Leptospira (2013)

Resumen
DOS SANTOS RIBEIRO P , LIMA G , SPANGENBERG L , IRAOLA G . , DA CUNHA S , CAFEZEIRO G , ALMEIDA A , VASCONCELOS L , NAYA H , RISTOW P

Evento: Internacional
Descripción: Congresso Brasileiro de Microbiologia
Año del evento: 2013
Palabras clave: Leptospira Biofilm Leptospirosis
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Identificación de marcadores para el estudio de la variabilidad genética en Campylobacter fetus (2012)

Resumen
CALLEROS L . , HERNÁNDEZ M . , IRAOLA G . , PÉREZ R .

Evento: Internacional
Descripción: XXI Congreso de la Asociación Latinoamericana de Microbiología
Ciudad: Santos
Año del evento: 2012
Palabras clave: variabilidad CRISPR
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /
Medio de divulgación: Internet

Shedding light into bacterial pathogenicity prediction: a machine learning approach (2012)

Resumen
IRAOLA G . , VAZQUEZ G . , SPANGENBERG L , NAYA H

Evento: Internacional
Descripción: ISCB-LA
Ciudad: Santiago de Chile
Año del evento: 2012
Palabras clave: Machine Learning Bacterial pathogenicity prediction
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Papel

Predicción de patogenicidad bacteriana en humanos (2012)

Resumen

IRAOLA G., SPANGENBERG L, VAZQUEZ G., NAYA H

Evento: Regional

Descripción: Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Palabras clave: Patogenicidad bacteriana

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genética bacteriana

Medio de divulgación: Papel

Modeling the emergence of new human pathogens: bacteria as their own worst friends (2012)

Resumen

IRAOLA G., SPANGENBERG L, VALENZUELA S, NAYA H

Evento: Internacional

Descripción: Second Meeting of the Institut Pasteur International Network Americas Region

Año del evento: 2012

Palabras clave: Bacteria Patogenicidad Emergente

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Medio de divulgación: Otros

Estudios de la organización del gen GPDH en *Rhodnius prolixus* y *Triatoma infestans* (Hemiptera-Reduviidae) (2011)

Resumen

STROPPA MM, CARRIAZO C, LAGUNAS M, IRAOLA G., PANZERA Y., GEREZ DE BURGOS N

Evento: Regional

Descripción: IX Congreso Argentino de Protozoología y Enfermedades Parasitarias

Ciudad: Mar del Plata, Argentina

Año del evento: 2011

Anales/Proceedings: Revista Médica de Rosario

Volumen: 77

ISSN/ISBN: 03275019

Palabras clave: GPDH *Triatoma Rhodnius*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Citogenética

Medio de divulgación: Papel

Genética aplicada al estudio de virus aviares (2011)

Resumen

HERNÁNDEZ M., TOMÁS G, MARANDINO A., IRAOLA G., MAYA L., HERNÁNDEZ D., PANZERA Y., FERRARA F., PÉREZ R.

Evento: Local

Descripción: II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2011

Palabras clave: PCR Diagnóstico Virus aviares

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Viral

Medio de divulgación: Internet

Análisis de la variabilidad genética de *Campylobacter fetus* en Uruguay mediante MLST (2011)

Resumen

CALLEROS L., HERNÁNDEZ M., IRAOLA G., SILVEYRA S, CARRETTO L.

Evento: Local

Descripción: II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2011
Palabras clave: Campylobacter fetus MLST Variabilidad genética
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Genética Bacteriana
Medio de divulgación: Internet

Genómica comparativa del género Campylobacter: identificación de nuevos blancos de diagnóstico para C. fetus (2010)

Resumen
IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., CARRETTO L., PÉREZ R.

Evento: Nacional
Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Pirápolis
Año del evento: 2010
Palabras clave: Genómica comparativa
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa
Medio de divulgación: Internet
www.pasteur.edu.uy/sub

Detección de Campylobacter fetus venerealis mediante multiplex PCR (2010)

Resumen
IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., CARRETTO L., SILVEIRA S., PÉREZ R.

Evento: Internacional
Descripción: XX Congreso Latinoamericano de Microbiología
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2010
Anales/Proceedings: XX Congreso Latinoamericano de Microbiología - Presentación oral
Página inicial: 32
ISSN/ISBN: 9789974819429
Palabras clave: Campylobacter Multiplex PCR Diagnóstico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Papel
www.alam2010.org.uy
Este trabajo fue seleccionado para ser presentado en forma oral

Desarrollo de un método molecular basado en RealTime PCR para el diagnóstico de Campylobacter fetus venerealis (2010)

Resumen
IRAOLA G., HERNÁNDEZ M., CALLEROS L., CARRETTO L., PÉREZ R.

Evento: Internacional
Descripción: XII Congreso Argentino de Microbiología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2010
Anales/Proceedings: XII Congreso Argentino de Microbiología
Palabras clave: Campylobacter RealTime PCR Diagnóstico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana
Medio de divulgación: Papel
www.aam.org.ar

Diagnóstico y caracterización de subespecies de Campylobacter fetus circulantes en ganado bovino uruguayo (2009)

Resumen

IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CALLEROS L. , SILVERA S. , CARRETTO L. , PÉREZ R.

Evento: Regional

Descripción: VI Jornadas de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2009

Palabras clave: Campylobacter, Diagnóstico, PCR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana

Medio de divulgación: CD-Rom

Detección Molecular de Campylobacter fetus en ganado bovino uruguayo (2009)

Resumen expandido

CALLEROS L. , IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M. , CARRETTO L. , PÉREZ R.

Evento: Regional

Descripción: Sextas Jornadas Técnicas de Veterinaria

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2009

Palabras clave: Campylobacter, Diagnóstico, PCR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Biología Molecular y Genética Bacteriana

Medio de divulgación: Internet

www.fvet.edu.uy

TEXTOS EN PERIÓDICOS O REVISTAS

El cosquilleo intestinal que salvó al mundo (2018)

ECOS Uruguay

Periodicos

IRAOLA G.

Medio de divulgación: Internet

El camino del conocimiento es la recompensa (2018)

ECOS Uruguay

Periodicos

IRAOLA G.

Medio de divulgación: Internet

<http://ecos.la/WWW/18/opinion/2018/07/26/25400/el-camino-del-conocimiento-es-la-recompensa/>

Una sola salud y el efecto mariposa (2018)

ECOS Uruguay

Periodicos

IRAOLA G.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Resistencia antimicrobiana

Medio de divulgación: Internet

Fecha de publicación: 21/04/2018

<http://ecos.la/LA/18/opinion/2018/04/21/22693/una-sola-salud-y-el-efecto-mariposa/>

Producción técnica

PRODUCTOS

MLSTar (2018)

Software, Otra

FERRÉS I., IRAOLA G.

Software escrito en R para genotipificación de bacterias usando datos genómicos

País: Uruguay

Disponibilidad: Irrestringida

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética

Medio de divulgación: Internet

<https://github.com/iferres/MLSTar>

Pewit (2018)

Software, Otra

FERRÉS I., Fresia P., IRAOLA G.

Reconstrucción de pan-genomas bacterianos

País: Uruguay

Disponibilidad: Irrestringida

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Medio de divulgación: Internet

<https://github.com/iferres/Pewit>

Phylen (2018)

Software, Otra

FERRÉS I., IRAOLA G.

Reconstrucción filogenética utilizando la base de datos EggNOG

País: Uruguay

Disponibilidad: Irrestringida

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogenética

Medio de divulgación: Internet

<https://github.com/iferres/phylen>

Bacfier (2014)

Software, Otra

SPANGENBERG L., IRAOLA G., VAZQUEZ G., NAYA H

Predicción de patogenicidad bacteriana a partir de datos genómicos

País: Uruguay

Palabras clave: Patogenicidad bacteriana Genómica Predicción

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica

Medio de divulgación: CD-Rom

TRABAJOS TÉCNICOS

Métodos moleculares para el diagnóstico y tipificación de Brucelosis: aplicabilidad, desarrollo y transferencia de tecnologías (2015)

Informe o Pericia técnica

IRAOLA G.

Asesoramiento en herramientas para el diagnóstico molecular de patógenos bacterianos

País: Uruguay

Idioma: Español

Ciudad: Montevideo

Número de páginas: 5

Duración: 1 mes

Palabras clave: PCR Diagnóstico MLST Brucella

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Otras Producciones

CURSOS DE CORTA DURACIÓN DICTADOS

Hands-on microbiome data analysis: tools for understanding microbial communities in health and disease (2018)

IRAOLA G.

Otro

País: Uruguay

Idioma: Inglés

Medio divulgación: Internet

Tipo de participación: Organizador

Duración: 1 semanas

Lugar: Institut Pasteur de Montevideo

Ciudad: Montevideo

Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Metagenómica funcional y descriptiva como herramientas de bioprospección (2018)

IRAOLA G.

Otro

País: Uruguay

Idioma: Español

Medio divulgación: Internet

Tipo de participación: Docente

Duración: 2 semanas

Lugar: Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable

Ciudad: Montevideo

Institución Promotora/Financiadora: Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Microbioma

Hands-on metagenomics data analysis: tools for bioprospection in clinical and environmental microbiology (2017)

IRAOLA G.

Otro

País: Uruguay

Idioma: Inglés

Medio divulgación: Internet

Web: pasteur.uy

Tipo de participación: Organizador

Unidad: Unidad de Bioinformática

Duración: 2 semanas

Lugar: Institut Pasteur de Montevideo

Ciudad: Montevideo

Institución Promotora/Financiadora: Institut Pasteur de Montevideo

Palabras clave: Metagenómica Microbioma Análisis de datos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Información adicional: Financiado por UNU-Biolac, Embajada Francesa en Uruguay e Institut Pasteur de Montevideo.

Hands-on course on high-throughput sequencing data analysis (2014)

IRAOLA G.

Otro

País: Uruguay

Idioma: Inglés

Tipo de participación: Docente

Duración: 2 semanas

Lugar: Institut Pasteur de Montevideo

Ciudad: Montevideo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PROGRAMAS EN RADIO O TV

Telemundo (2018)

IRAOLA G.

Entrevista

País: Uruguay

Idioma: Español

Cambiando el aire (2018)

IRAOLA G.

Entrevista

País: Uruguay

Idioma: Español

Emisora: TNU

Tema: Metagenómica y resistencia a antibióticos

Duración: 15 minutos

Ciudad: Montevideo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Sobre Ciencia (2018)

IRAOLA G.

Entrevista

País: Uruguay

Idioma: Español

Emisora: Radio Uruguay

Tema: Metagenómica y resistencia a antibióticos

Duración: 15 minutos

Ciudad: Montevideo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica microbiana

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

FONDECYT (2018)

Chile

Cantidad: Menos de 5

Agencia Nacional de Investigación e Innovación (2015)

Uruguay

Agencia Nacional de Investigación e Innovación

Cantidad: Menos de 5

Agencia Nacional de Promoción de Ciencia y Tecnología (ANPCyT) (2015)

Argentina

Agencia Nacional de Promoción de Ciencia y Tecnología (ANPCyT)

Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

Clinical Microbiology and Infection (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Science of the Total Environment (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Open Source Software (2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Royal Society Open Science (2017)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology (2017 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Journal of Microbiological Methods (2016 / 2018)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: De 5 a 20

Journal of Enteric Pathogens (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Medical Research Archives (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Gene (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

African Journal of Microbiology Research (2015)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

XLI Encuentro Anual de la Sociedad Chilena de Bioquímica y Biología Molecular (2018)

Revisiones
Chile

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Cargo concursable proyecto ANII "Centro Uruguayo de Metagenómica" (2017)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5

Cargo concursable proyecto ANII-FSSA-X-2014-1-105252 (2016)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Desarrollo, implementación y optimización de herramientas de genómica comparativa para el género *Leptospira* (2018)

Tesis de maestría

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioinformática , Uruguay

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Ignacio Ferrés

Medio de divulgación: Internet

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Genómica *Leptospira* Pangenoma MLST

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

GRADO

Estudios genómicos en *Campylobacter sputorum* bv. *sputorum* (2013)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Privado / Universidad ORT Uruguay / Universidad ORT Uruguay - Facultad de Ingeniería , Uruguay

Programa: Licenciatura en Biotecnología

Nombre del orientado: Eugenia Pastor

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: *Campylobacter* Genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Identificación de los genes involucrados en el metabolismo del ácido siálico en *Leptospira* (2013)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Licenciatura en Ciencias Biológicas

Nombre del orientado: Gabriel Martínez

Medio de divulgación: Papel

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: *Leptospira* Ácido siálico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Análisis metagenómico de la microbiota fecal de bovinos durante la infección con *Fasciola hepatica* utilizando tecnología Oxford Nanopore (2018)

Tesis de doctorado

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (PEDECIBA)

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Cecilia Salazar

Medio de divulgación: Internet

País/Idioma: Uruguay, Español

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Desarrollo de herramientas automatizadas para el procesamiento de datos de secuenciación masiva de genomas y metagenomas procariotas (2017)

Tesis de maestría

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

Programa: Maestría en Bioinformática (PEDECIBA)

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Raúl Feijó

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Desarrollo bioinformático

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Genómica aplicada al estudio de Campylobacter fetus en humanos y animales de producción (2016)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias - UDeLaR , Uruguay

Programa: Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA)

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad

Nombre del orientado: Daniela Costa

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Campylobacter fetus Genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica comparativa

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Beca de Doctorado (2014)

(Nacional)

CSIC

Premio al mejor poster (2012)

(Nacional)

Sociedad Uruguaya de Biociencias

Premio al mejor poster, titulado "Predicción de patogenicidad bacteriana en humanos", presentado en el congreso de la Sociedad Uruguaya de Biociencias 2012

Beca de Maestría (2011)

(Nacional)

CSIC

Beca de Iniciación a la Investigación (2010)

(Nacional)

Agencia Nacional de Investigación e Innovación

PRESENTACIONES EN EVENTOS

Scientific Symposium of the Institut Pasteur International Network (2014)

Congreso

Clinical cases of Mycobacterium tuberculosis in Uruguay boarded by whole genome sequencing

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 8

Palabras Clave: Genómica Mycobacterium Patógenos

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)

Congreso

Evolución genómica de la patogenicidad y el tropismo de tejido en el género *Campylobacter*
Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 8

Palabras Clave: *Campylobacter* Genómica Patogenicidad

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Genómica bacteriana

XX Congreso Latinoamericano de Microbiología (2010)

Congreso

Detección de *Campylobacter fetus* *venerealis* mediante múltiple PCR

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 8

Palabras Clave: *Campylobacter* Diagnóstico Microbiología

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología / Genética bacteriana

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	58
Artículos publicados en revistas científicas	34
Completo	34
Trabajos en eventos	21
Textos en periódicos	3
Periodicos	3
PRODUCCIÓN TÉCNICA	12
Productos tecnológicos	4
Trabajos técnicos	1
Otros tipos	7
EVALUACIONES	16
Evaluación de proyectos	3
Evaluación de eventos	1
Evaluación de publicaciones	10
Evaluación de convocatorias concursables	2
FORMACIÓN RRHH	6
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	3
Tesis/Monografía de grado	2

Tesis de maestría	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	3
Tesis de doctorado	2
Tesis de maestría	1