



BETTINA LADO LINDNER
BQC

betti_la@hotmail.com
098952522

SNI

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria
Categorización actual: Iniciación (Activo)

Fecha de publicación: 26/07/2018
Última actualización SNI: 26/07/2018

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Agronomía - UDeLaR / Departamento de Estadística, Biometría y Computación / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Agronomía - UDeLaR / Sector Educación Superior/Público

Dirección: Departamento de Biometría, Estadística y Computación / 12900 / Montevideo / Uruguay

Teléfono: (5982) 2354 9475

Correo electrónico/Sitio Web: betti_la@hotmail.com www.fagro.ed.uy

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

MAESTRÍA

Maestría en Biotecnología (2010 - 2012)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias - UDeLaR, Uruguay

Título de la disertación/tesis: IDENTIFICACIÓN DE SNPs MEDIANTE GENOTIPADO POR SECUENCIACIÓN PARA EL MEJORAMIENTO GENÉTICO DE TRIGO (*Triticum aestivum* L.)

Tutor/es: Jarislav von Zitzewitz

Obtención del título: 2012

Palabras Clave: Selección genómica Trigo Genotipado por Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

GRADO

Bioquímica Clínica (2004 - 2010)

Universidad de la República - Facultad de Química - UDeLaR, Uruguay

Título de la disertación/tesis:

Obtención del título: 2010

Palabras Clave: Bqco

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Bioquímica Clínica

EN MARCHA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Agrarias (2013)

Universidad de la República, Facultad de Agronomía - UDeLaR, Uruguay

Título de la disertación/tesis: Selección Genómica en Rendimiento Aplicada al Programa de Mejoramiento de Trigo (*Triticum aestivum* L.)

Tutor/es: Lucía Gutiérrez/Jesse Poland

Palabras Clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección

asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Mixed Models in Quantitative Genetics (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / University of Washington , Estados Unidos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética cuantitativa

Advanced Quantitative Genetics (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / University of Washington , Estados Unidos
Palabras Clave: Genética Cuantitativa
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética cuantitativa

Bayesian Statistics for Genetics (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / University of Washington , Estados Unidos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética cuantitativa
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética

Genética Molecular y Medicina (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina - UDeLaR,
Uruguay
Palabras Clave: Genética Humana
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Curso General de Propiedad Intelectual, OMPI (Organización Mundial de la Propiedad Intelectual) (01/2008 - 01/2008)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Química - UDeLaR,
Uruguay
Palabras Clave: Propiedad Intelectual

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Taller de capacitación en estrategias de genética asociativa y su utilidad en programas de mejoramiento (2011)

Tipo: Taller
Institución organizadora: INIA Chile, Argentina
Palabras Clave: Genética Asociativa
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

Pasantía de formación (2008)

Tipo: Otro
Institución organizadora: Hospital Central de las FFAA, Uruguay
Palabras Clave: Laboratorio Clínico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Laboratorio Clínico

Pasantía de formación (2008)

Tipo: Otro
Institución organizadora: Centro Hospitalario Pereira Rossell, Uruguay

Palabras Clave: Laboratorio Clínico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Laboratorio Clínico

EN MARCHA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Modelos y bases de datos genéticas (01/2012)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Sociedad Argentina de Genética , Argentina

Idiomas

Inglés

Entiende bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe bien

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Áreas de actuación

CIENCIAS AGRÍCOLAS

Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular / Bioinformática

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Agronomía - UDeLaR

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (04/2016 - a la fecha)

Asistente ,50 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (05/2015 - 03/2016)

Asistente Grado2 (Contrato) ,30 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (05/2013 - 04/2015)

Asistente Grado2 (Contrato) ,24 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

OPTIMIZACIÓN DE LA POBLACIÓN DE ENTRENAMIENTO PARA SELECCIÓN GENÓMICA EN TRIGO (12/2015 - a la fecha)

El proyecto consiste en la optimización de la selección de una población de entrenamiento para utilizar en la aplicación de selección genómica en un programa de mejoramiento.

8 horas semanales

Departamento de Biometría, Estadística y Computación , Facultad de Agronomía

Investigación

Coordinador o Responsable

Cancelado

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica - UDeLaR, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GUTIÉRREZ, L, BERRO I.

Palabras clave: Selección genómica Trigo

Aproximaciones genómicas, fisiológicas y de mejoramiento para incrementar la tolerancia a sequía en soja (08/2014 - 08/2017)

5 horas semanales

Las Brujas , INIA

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: BONNECARRERE, V. (Responsable)

Palabras clave: Soja Sequía

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología

Alimentaria / Mejoramiento genético

Roya de tallo: estrategias de manejo par prevnir su resurgimiento como problema relvante par la producción de trigo (06/2014 - 05/2017)

La roya del tallo de trigo (RT, causad por *Puccinia graminis* f. sp. *tritici*) fue una enfermedad altamente destructiva en el pasado, causando epidemias importantes frecuentemente y hasta pérdidas totales en cultivos susceptibles. Fue controlada por el uso de cultivares resistentes. Sin embargo, varios factores contribuyen a que actualmente represente una amenaza para el cultivo de trigo: i) el clima de Uruguay es favorable para el patógeno, y el incremento de temperatura (cambio climático global) es otro factor que favorecerá el desarrollo de esta enfermedad, ii) el área sembrada con cultivares susceptibles a razas locales de RT ha incrementado y iii) la amenaza de la incursión de razas exóticas presentes en África, que son virulentas sobre la mayor parte de las variedades a nivel regional y local. Estos elementos indican que puede darse un incremento en la infección y daño de RT a corto o mediano plazo. A nivel global, los métodos utilizados para el control de RT son la resistencia genética y el control químico. En este proyecto se plantea i) generar información sobre control químico para manejar la enfermedad en el corto plazo y evaluar el nivel de residuos de fungicidas en el grano debido a que las aplicaciones de fungicidas post floración pueden ser necesarias para controlar RT, ii) desarrollo de materiales resistentes frente a la población local y razas presentes en África, transfiriendo genes de resistencia efectivos a un background adaptado, utilizando marcadores diagnósticos para seleccionar y acumular estos genes y iii) estudiar la base genética de resistencia a RT en dos poblaciones RILs derivadas de dos materiales resistentes utilizados por el Programa de Mejoramiento Genético de Trigo mediante análisis de QTL, con el objetivo de dilucidar si son resistencias novedosas, y en este caso identificar marcadores moleculares que puedan ser utilizados para selección asistida.

2 horas semanales

La Estanzuela , INIA

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Alumnos encargados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

INIA La Estanzuela, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GERMAN S. (Responsable), SILVA, P., QUINCKE, M., GUTIÉRREZ, L., BARAIBAR S.,

PEREYRA S.

DOCENCIA

Ingeniero Agrónomo (08/2015 - a la fecha)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Métodos Cuantitativos 1, 8 horas, Práctico

Maestría en Ciencias Agrarias (11/2015 - 11/2015)

Maestría
Invitado
Asignaturas:
Mejoramiento genético vegetal, 2 horas, Teórico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Ingeniero Agrónomo (08/2014 - 11/2014)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Métodos Cuantitativos I, 8 horas, Teórico-Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada / Agronomía

Maestría en Ciencias Agrarias (03/2014 - 03/2014)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Introducción a la bioinformática: aplicaciones en proyectos genómicos de mejoramiento genético, 40 horas, Teórico-Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Bioinformática

Ingeniero Agrónomo (08/2013 - 11/2013)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Métodos Cuantitativos I, 8 horas, Teórico-Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada / Agronomía

PASANTÍAS

(05/2015 - 08/2015)

Plant Pathology, Kansas State University
40 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - INSTITUTO NACIONAL DE INVESTIGACIÓN AGROPECUARIA - URUGUAY

Instituto Nacional de investigación Agropecuaria

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2013 - 05/2015)

Investigador Asistente, 16 horas semanales
Mis vínculos laborales más relevante son INIA y UdelaR

Funcionario/Empleado (08/2009 - 04/2013)

Asistente de Investigación ,44 horas semanales

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Ajuste, diseño e implementación de selección genómica al programa de mejoramiento genético de trigo (02/2012 - 05/2015)

El incremento de la demanda mundial de alimento, y la evidencia de un cambio climático sostenido, indican la necesidad de desarrollar cultivos adaptados a los actuales y a los futuros ambientes con estreses bióticos y abióticos . Por lo tanto, es necesario incrementar la eficiencia de selección y aumentar el grado de adaptación de los cultivos. En la actualidad los programas de mejoramiento vegetal intentan mejorar sobre los esquemas tradicionales de selección por medio de la selección asistida por marcadores (SAM). Para poder aplicar SAM, se necesitan previos análisis de loci de efecto cuantitativo (QTL) en unas pocas poblaciones segregantes. Los resultados de estos estudios, a demás de tardar en obtenerse, representan los efectos de una minoría de alelos presentes en el germoplasma del programa de mejoramiento. La genética asociativa (GA), en parte soluciona este problema contemplando la diversidad del programa de mejora, pero los métodos detrás de los análisis de QTL y GA se limitan a la identificación de marcadores que resultan de umbrales extremadamente estrictos. Para la mayoría de las aracterísticas de importancia, los marcadores que resultan significativos de un análisis de GA terminan explicando una mínima proporción de la variación fenotípica , no permitiendo ser utilizados eficientemente para SAM. Para aumentar la proporción de la variación fenotípica explicada por los marcadores y mejorar las predicciones de caracteres de herencia cuantitativa, se propone la aplicación de selección genómica (SG) en programas de mejoramiento vegetal. La SG permite ser aplicada en programas de mejoramiento por los enormes avances y disminución de costos en secuenciación de genomas y por la aplicación de modelos estadísticos novedosos. Esto permite avances sustanciales en la eficiencia de la selección combinando la caracterización y selección a campo con la incorporación simultanea de marcadores a nivel masivo en un modelo de predicción. Por lo tanto, la SG desafía los paradigmas que sostienen a los actuales esquemas de mejoramiento genético vegetal. Como el trigo es el cultivo de invierno más importante a nivel nacional y regional, en términos de volumen, superficie y valor económico de la producción, este proyecto pretende postular, evaluar, ajustar e implementar la incorporación de SG al programa de mejoramiento genético del INIA.

20 horas semanales

INIA , Cultivos de Secano

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Alumnos encargados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

INIA La Estanzuela, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: QUINCKE M. , SILVA, P. (Responsable) , GUTIÉRREZ, L

Palabras clave: Selección genómica Trigo

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología

Alimentaria / Mejoramiento genético

Adaptación de los sistemas productivos de Papa y Trigo al cambio climático (01/2010 - 03/2013)

El consorcio INIA-Chile, INIA-Uruguay y CIP en Perú se unieron en una iniciativa de investigación que busca mantener y mejorar la competitividad de los sistemas productivos de papa y trigo frente al cambio climático, a través de la selección y desarrollo de genotipos con mayor tolerancia a la sequía y a altas temperaturas. Fundamentalmente está orientado a determinar el potencial impacto del cambio climático en la región para trigo y papa. Colocar a disposición tanto de programas de mejoramiento de cada país como de productores, genotipos y genes tolerantes a sequía y altas temperaturas que permitan obtener rendimientos competitivos frente al nuevo escenario climático. Particularmente, se busca crear una instancia regionalde trabajo y discusión en este tema

44 horas semanales

Cultivos de secano , Biotecnología

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Institución del exterior, Cooperación

Equipo: PINO, M. T. (Responsable), VON ZITZEWITZ, J. (Responsable)

PASANTÍAS

(08/2011 - 02/2012)

Universidad Laval, Canada
40 horas semanales

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

(06/2010 - 06/2010)

16 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Genotipado

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - INTENDENCIA DE MONTEVIDEO - URUGUAY

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (03/2009 - 08/2009)

,30 horas semanales
La pasantía se realizó en el Laboratorio de Calidad Ambiental de la IMM

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 24 horas
Carga horaria de investigación: 36 horas
Carga horaria de formación RRHH: Sin horas
Carga horaria de extensión: Sin horas
Carga horaria de gestión: Sin horas

Producción científica/tecnológica

Mi área de actuación se incluye dentro del mejoramiento genética vegetal. Mi trabajo consiste en utilizar y desarrollar herramientas genéticas y estadística para la selección de líneas experimentales con características genéticas deseables de ser mejoradas. Todo esto se realiza con el objetivo de mejorar los materiales genéticos disponibles en la región. No solo con el objetivo de mejorar la productividad sino también buscando adaptarse a los cambios de origen ambiental para evitar o reducir pérdidas en el rendimiento de los cultivos.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Strategies for Selecting Crosses Using Genomic Prediction in Two Wheat Breeding Programs (Completo, 2017)

LADO B.

The Plant Genome, v.: 10 2, p.:1 - 12, 2017

Palabras clave: Genomic Selection Cross prediction Progeny variance Wheat breeding

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Madison, WI

ISSN: 19403372

DOI: [10.3835/plantgenome2016.12.0128](https://doi.org/10.3835/plantgenome2016.12.0128)

<https://dl.sciencesocieties.org/publications/tpg/articles/10/2/plantgenome2016.12.0128>

Scopus' WEB OF SCIENCE"

Ascertainment bias from imputation methods evaluation in wheat (Completo, 2016)

BRANDARIZ SP, GONZÁLEZ RAYMÚNDEZ A, LADO B., MALOSETTI M, FRANCO GRACIA AA, QUINCKE M., VON ZITZEWITZ, J., CASTRO M., MATUS I., DEL POZO A., CASTRO A.J., GUTIÉRREZ, L

BMC Genomics, v.: 17 p.:773 - 786, 2016

Palabras clave: GBS QTL GWAS Power False positive

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Genotipado

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: PMC. Web

ISSN: 14712164

DOI: [10.1186/s12864-016-3120-5](https://doi.org/10.1186/s12864-016-3120-5)

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC5050639/>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Modeling Genotype x Environment Interaction for Genomic Selection with Unbalanced Data from a Wheat Breeding Progr (Completo, 2016)

LADO B., GONZALEZ BARRIOS P., SILVA, P., QUINCKE M., GUTIÉRREZ, L

Crop Science, v.: 56 p.:2165 - 2179, 2016

Palabras clave: Genomic predictions Mixed Models G-BLUP Mega-Environments

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: www.crops.org

Escrito por invitación

ISSN: 0011183X

DOI: [10.2135/cropsci2015.04.0207](https://doi.org/10.2135/cropsci2015.04.0207)

<https://dl.sciencesocieties.org/node/29/view>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Genome-wide association mapping of agronomic traits and carbon isotope discrimination in a worldwide germplasm collection of spring wheat using SNP markers (Completo, 2015)

FREDDY MORA, CASTILLO, D., LADO B., MATUS I., POLAND J., BELZILE F., VON ZITZEWITZ, J., DEL POZO A.

Molecular Breeding, v.: 35 p.:69 - 81, 2015

Palabras clave: Wheat Genotyping by Sequencing Linkage disequilibrium

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 13803743

DOI: [10.1007/s11032-015-0264-y](https://doi.org/10.1007/s11032-015-0264-y)

Scopus® WEB OF SCIENCE™

Increased Genomic Prediction Accuracy in Wheat Breeding Through Spatial Adjustment of Field Trial Data (Completo, 2013)

LADO B., VON ZITZEWITZ, J., POLAND J., MATUS I., DEL POZO A., CASTRO M., INOSTROZA L., BELZILE F., RODRIGUEZ A.

G3: Genes | Genomes | Genetics, v.: 3 12, p.:2105 - 2114, 2013

Palabras clave: Wheat Spatial Adjustment Genomic predictions

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 21601836

DOI: [10.1534/g3.113.007807](https://doi.org/10.1534/g3.113.007807)

<http://g3journal.org/content/3/12/2105.full>

Scopus® WEB OF SCIENCE™

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

COMPARING STRATEGIES TO SELECT CROSSES USING GENOMIC PREDICTION IN TWO WHEAT BREEDING PROGRAMS (2017)

Resumen

LADO B.

Evento: Internacional

Descripción: 13th International Wheat Genetics Symposium
Ciudad: Tulln, Austria
Año del evento: 2017
Anales/Proceedings: Proceedings 13th International Wheat Genetics Symposium
Medio de divulgación: Internet
http://iwgs2017.boku.ac.at/wp/wp-content/uploads/2017/09/IWGS_2017_Proceedings_WEB.pdf

Genomic Prediction and GWAS for Bread Quality in Uruguayan Spring Wheat (2016)

Resumen
LADO B. , VAZQUEZ D. , SILVA, P. , QUINCKE M. , GUTIÉRREZ, L

Evento: Internacional
Descripción: 5th International Conference on Quantitative Genetics
Ciudad: Madison
Año del evento: 2016
Palabras clave: Calidad de trigo Predicción genómica
Medio de divulgación: Papel

Comparación de Metodologías de Predicción de Cruzamientos en Trigo (2016)

Resumen
LADO B. , BATTENFIELD S, POLAND J. , SILVA, P. , QUINCKE M. , GUTIÉRREZ, L

Evento: Internacional
Descripción: ALAG 2016
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Palabras clave: Trigo Predicción genómica Predicción de cruzamientos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel

Modelos Mixtos en Mejoramiento Genético Vegetal (2015)

Resumen
LADO B. , GUTIÉRREZ, L , GONZALEZ BARRIOS P. , SILVA, P. , QUINCKE M.

Evento: Regional
Descripción: 1º Congreso Argentino de Estadística
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2015
Palabras clave: Selección genómica Trigo Modelos Mixtos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica
Medio de divulgación: Papel

Genomic Selection in Wheat Breeding Program Modelling Genotype by Environment Interaction Using Mixed Models (2015)

Resumen
LADO B. , GUTIÉRREZ, L , GONZALEZ BARRIOS P. , SILVA, P. , QUINCKE M.

Evento: Internacional
Descripción: International Wheat Conference
Ciudad: Sydney
Año del evento: 2015
Palabras clave: Selección genómica Trigo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica

Comparación de estrategias de construcción de la población de entrenamiento de modelos de predicción genómica para el programa de mejoramiento genético de trigo.a (2014)

Resumen
BERRO I. , LADO B. , GUTIÉRREZ, L

Evento: Nacional
Descripción: XV JORNADAS DE LA SOCIEDAD URUGUAYA DE BIOCIENCIAS
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2014
Anales/Proceedings: XV JORNADAS DE LA SOCIEDAD URUGUAYA DE BIOCIENCIAS
ISSN/ISBN: 1688-9819
Palabras clave: Selección genómica Trigo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica
Medio de divulgación: Internet
<http://sub.fcien.edu.uy/events/xv-jornadas-de-la-sub/programa-xv-jornadas-de-la-sub>

Herramientas utilizadas y avances en mejoramiento molecular en el Programa de Mejoramiento Genético de Trigo de INIA Uruguay (2014)

Resumen
LADO B., SILVA, P., QUINCKE M., GERMAN S., GUTIÉRREZ, L

Evento: Internacional
Descripción: Seminario Internacional de Trigo
Ciudad: Colonia
Año del evento: 2014
Palabras clave: Trigo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel
<http://www.inia.uy/Documentos/INIA%20La%20Estanduela/2014%2027%20agosto%20Seminario%20>

Predicciones de valores de cría genómicos en distintas poblaciones de trigo (2014)

Resumen
LADO B., QUINCKE M., SILVA, P., GUTIÉRREZ, L

Evento: Nacional
Descripción: Jornada de la Sociedad Uruguaya de Genética
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2014
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel

Modelado de la Interacción Genotipo por Ambiente en Selección Genómica (2014)

Resumen
LADO B., QUINCKE M., SILVA, P., GUTIÉRREZ, L

Evento: Nacional
Descripción: Jornada de la Sociedad Uruguaya de Biotecnología
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2014
Palabras clave: Trigo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel

Discovering QTL in Uruguayan Wheat Germplasm using Genome Wide Association Analysis (2013)

Resumen expandido
LADO B., SILVA M.P., MATUS I., INOSTROZA L., DEL POZO A., CASTRO M., GERMAN S., QUINCKE M., VON ZITZEWITZ, J.

Evento: Internacional
Descripción: The 12th International Wheat Genetics Symposium
Ciudad: Yokohama

Año del evento: 2013

Palabras clave: Wheat Genome Wide Association Leaf Rust

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: Internet

<http://www2.convention.co.jp/iwgs12/index.html>

Genotipado por Secuenciación en Trigo (*Triticum aestivum* L.) (2013)

Resumen

LADO B., QUINCKE M., MATUS I., CASTRO M., VON ZITZEWITZ, J.

Evento: Nacional

Descripción: Jornada SBBM 2013

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Palabras clave: Trigo Genotipado por Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: Internet

<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>

Genotipado por Secuenciación del Genoma de 384 Genotipos De *T.aestivum* para Selección Genómica (2012)

Resumen

LADO B., MATUS I., RODRIGUEZ A., INOSTROZA L., DEL POZO A., QUINCKE M., LOBOS G. A., LANDECHEA L., VON ZITZEWITZ, J.

Evento: Regional

Descripción: XV Congreso Latinoamericano de Genética, XLI Congreso Argentino de Genética, XLV Congreso de la Sociedad de Genética de Chile y II Reunión Regional SAG-Litoral

Ciudad: Rosario

Año del evento: 2012

Palabras clave: Selección genómica Trigo Genotipado por Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: Papel

http://www.sag.org.ar/webalag/public_html/ESP_Bienvenida.htm

Ajuste, diseño e implementación de predicciones genómicas al programa de mejoramiento genético de trigo (2012)

Resumen

LADO B., GERMAN S., SILVA M.P., QUINCKE M., VAZQUEZ D., CASTRO M., DEL POZO A., MATUS I., INOSTROZA L., VON ZITZEWITZ, J.

Evento: Nacional

Descripción: VI Jornada de Biotecnología INIA

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2012

Palabras clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: CD-Rom

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

Bragantía (2015)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Beca de movilidad (Congresos) (2017)

(Internacional)
CSIC

Beca de Movilidad - pasantías en el exterior (2016)

(Internacional)
CSIC

Beca para realizar una pasantía en la Universidad de Wisconsin-Madison en Estados Unidos durante 3 meses. La beca fue otorgada en el contexto de los estudios de doctorado para trabajar con el grupo de investigación de la Dr. Lucía Gutiérrez.

Beca de Movilidad - pasantías en el exterior (2015)

(Internacional)
CSIC

Beca para realizar la pasantía en Kansas State University (KSU) en Estados Unidos. La pasantía fue de 3 meses y se realizó en el contexto del plan de Doctorado. La pasantía otorgada fue para trabajar con el grupo del Dr. Jesse Poland en KSU.

Beca de doctorado (2014)

(Nacional)
ANII

Beca para realizar estudios de Doctorado desde el 2014 hasta el 2017

Fellowship (2011)

(Internacional)
Canadian government

Beca que da el gobierno canadiense en un programa titulado "Emerging Leaders in Americas Program".

PRESENTACIONES EN EVENTOS

13th International Wheat Genetics Symposium (2017)

Simposio

Comparing Strategies to Select Crosses using Genomic Prediction in two Wheat Breeding Programs

Austria

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 45

Nombre de la institución promotora: University of Natural Resources and Life Science

Palabras Clave: Cross prediction Progeny variance Wheat breeding

5th International Conference on Quantitative Genetics (2016)

Congreso

Genomic Prediction and GWAS for Bread Quality in Uruguayan Spring Wheat

Estados Unidos

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 50

Palabras Clave: Calidad de trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

ALAG2016 (2016)

Congreso

Comparación de Metodologías de Predicción de Cruzamientos en Trigo

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 33

Nombre de la institución promotora: Asociación Latinoamericana de Genética, Sociedad Uruguaya de Genética, Sociedad Argentina de Genética, Sociedad de Genética de Chile

Palabras Clave: Trigo Predicción genómica Predicción de cruzamientos

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

1° Congreso Argentino de Estadística (2015)

Congreso

Modelos Mixtos en Mejoramiento Genético Vegetal

Argentina

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 24

Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Estadística

Palabras Clave: Selección genómica Modelos Mixtos

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica

International Wheat Conference (2015)

Simposio

Genomic Selection in Wheat Breeding Program Modelling Genotype by Environment Interaction Using Mixed Models

Australia

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 2

Palabras Clave: Selección genómica Trigo

No se concurrió al evento solo se presentó el trabajo por uno de los co-autores que si concurrió

Seminario Internacional de Trigo (2014)

Seminario

Herramientas utilizadas y avances en mejoramiento molecular en el Programa de Mejoramiento Genético de Trigo de INIA Uruguay

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 24

Nombre de la institución promotora: Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

Jornada de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)

Congreso

Predicciones de valores de cría genómicos en distintas poblaciones de trigo

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 8

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética

Palabras Clave: Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

Jornada de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2014)

Congreso

Modelado de la Interacción Genotipo por Ambiente en Selección Genómica

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 24

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras Clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

Se ganó un premio a mejor póster en dicha Jornada

Aumento de la competitividad de los sistemas productivos de papa y trigo en Sudamérica ante el cambio climático (2013)

Encuentro

Workshop

Argentina

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 16

Nombre de la institución promotora: Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria

Palabras Clave: Selección genómica Genotipado por secuenciación

The 12th International Wheat Genetics Symposium (2013)

Simposio

Simposio internacional de genética en trigo

Japón

Tipo de participación: Poster

Palabras Clave: Genome Wide Association Leaf Rust

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agricultura / Mejoramiento genético vegetal

Jornadas SBBM 2013 (2013)

Congreso

Jornada de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular en Facultad de Ciencias

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular

Palabras Clave: Trigo Genotipado por Secuenciación

ALAG 2012 (2012)

Congreso

Congreso de Genética en Rosario

Argentina

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Genética

Palabras Clave: Selección genómica Genotipado por Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agricultura / Mejoramiento genético vegetal

VI Jornada de Biotecnología INIA (2012)

Seminario

Jornada de Biotecnología de INIA

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria

Palabras Clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agricultura / Mejoramiento genético vegetal

Indicadores de producción

PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	18
Artículos publicados en revistas científicas	5
Completo	5
Trabajos en eventos	13
EVALUACIONES	1
Evaluación de publicaciones	1

