



BETTINA LADO LINDNER

Bioquímico Clínico


blado@fagro.edu.uy

 Garzón 780
 098952522

SNI

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria

Categorización actual: Nivel I (Activo)

Fecha de publicación: 21/11/2025

Última actualización: 18/11/2025

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Agronomía / Departamento de Estadística, Biometría y Computación / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Sector Educación Superior/Público

/ Departamento de biometría, estadística y computación

Dirección: Garzón 780 / 12900

País: Uruguay / Montevideo / Montevideo

Teléfono: (+598) 23597191 / 106

 Correo electrónico/Sitio Web: blado@fagro.edu.uy <http://www.fagro.edu.uy/index.php/biometria>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Agrarias (2013 - 2018)

Universidad de la República - Facultad de Agronomía, Departamento de biometría, estadística y computación, Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Estrategias para la aplicación de selección genómica en un programa de mejoramiento de trigo

Tutor/es: Lucía Gutiérrez Chacón

Obtención del título: 2018

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Palabras Clave: Selección genómica Trigo modelos mixtos; interacción genotipo por ambiente; predicción de múltiples caracteres; selección de cruzamiento

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética

MAESTRÍA

Maestría en Biotecnología (2010 - 2012)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Uruguay

 Título de la disertación/tesis/defensa: IDENTIFICACIÓN DE SNPs MEDIANTE GENOTIPADO POR SECUENCIACIÓN PARA EL MEJORAMIENTO GENÉTICO DE TRIGO (*Triticum aestivum* L.)

Tutor/es: Jarislav von Zitzewitz

Obtención del título: 2012

Palabras Clave: Selección genómica Trigo Genotipado por Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

GRADO

Bioquímica Clínica (2004 - 2010)

Universidad de la República - Facultad de Química , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa:

Obtención del título: 2010

Palabras Clave: Bqco

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Bioquímica Clínica

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Estrategias para construir espacios de trabajo activo en el aula universitaria (08/2021 - 11/2021)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Comisión Sectorial de Enseñanza / Desarrollo Pedagógico Docente , Uruguay

Palabras Clave: Enseñanza Activa Docencia

Prácticas docentes para la enseñanza activa presencial o a distancia (10/2020 - 12/2020)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Comisión Sectorial de Enseñanza , Uruguay

60 horas

Palabras Clave: enseñanza activa enseñanza a distancia

Areas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Ciencias de la Educación / Educación General /

Estrategias de enseñanza para favorecer aprendizajes en los estudiantes (11/2019 - 12/2019)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Unidad de Enseñanza , Uruguay

20 horas

Palabras Clave: Enseñanza activa Estrategias de enseñanza

Areas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Ciencias de la Educación / Educación General / Enseñanza

Statistical Analysis of Genetic and Phenotypic Data for Breeders (07/2019 - 07/2019)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Centro Internacional de Mejoramiento de Maíz y Trigo / Unidad de Biometría y Estadística , México

80 horas

Palabras Clave: Mejoramiento genético vegetal Diseños experimentales Mapeo Asociativo

Selección genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Tucson Plant Breeding (03/2018 - 03/2018)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Posgrado opción Bioestadística , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: Genética Cuantitativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Cuantitativa

Estadística no paramétrica (07/2017 - 08/2017)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Posgrado opción Bioestadística , Uruguay

80 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada / Estadística no paramétrica

Advanced Quantitative Genetics (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / University of Washington , Estados Unidos
Palabras Clave: Genetica Cuantitativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genetica cuantitativa

Mixed Models in Quantitative Genetics (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / University of Washington , Estados Unidos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genetica cuantitativa

Bayesian Statistics for Genetics (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / University of Washington , Estados Unidos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genetica cuantitativa

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética

Modelos y bases de datos genéticas (01/2012 - 01/2012)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Sociedad Argentina de Genética , Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genotipado

Genética Molecular y Medicina (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay

Palabras Clave: Genética Humana

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Curso General de Propiedad Intelectual, OMPI (Organización Mundial de la Propiedad Intelectual) (01/2008 - 01/2008)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Química , Uruguay

Palabras Clave: Propiedad Intelectual

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Taller de capacitación en estrategias de genética asociativa y su utilidad en programas de mejoramiento (2011)

Tipo: Taller

Institución organizadora: INIA Chile, Argentina

Palabras Clave: Genetica Asociativa

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

Pasantía de formación (2008)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Centro Hospitalario Pereira Rossell, Uruguay

Palabras Clave: Laboratorio Clínico

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Laboratorio Clínico

Pasantía de formación (2008)

Tipo: Otro

Institución organizadora: Hospital Central de las FFAA, Uruguay

Palabras Clave: Laboratorio Clínico

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Laboratorio Clínico

Idiomas

Inglés

Entiende bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe bien

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Áreas de actuación

CIENCIAS AGRÍCOLAS

Biotecnología Agropecuaria /Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. /Selección genómica en programas de mejoramiento vegetal

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas /Bioquímica y Biología Molecular /Análisis de datos de genotipado de alta densidad

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Matemáticas /Estadística y Probabilidad /Diseño de Experimentos en ciencias Agrarias

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Matemáticas /Estadística y Probabilidad /Modelos Estadísticos

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Agronomía / Departamento de biometría, estadística y computación

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (01/2022 - a la fecha) Trabajo relevante

Profesor Adjunto 40 horas semanales / Dedicación total
Escalafón: Docente
Grado: Grado 3
Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (04/2017 - 12/2021) Trabajo relevante

Asistente 40 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (04/2016 - 03/2017)

Asistente 30 horas semanales
En este periodo se tuvo 30 hs por contar con una beca de la ANII
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (05/2015 - 03/2016)

Ayudante 30 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2
Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (05/2013 - 04/2015)

Asistente Grado2 (Contrato) 24 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 2

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Integración de datos ambientales y genómicos para la predicción genómica en cultivos mediante redes neuronales con atención cruzada. (05/2025 - a la fecha)

Código: FMV_3_2024_1_180525 La selección genómica es una metodología predictiva que en lugar de evaluar todos los genotipos en campo, entrena un modelo predictivo con una muestra de referencia la cual contiene datos genotípicos y fenotípicos y en algunos casos puede incluir datos ambientales. Posteriormente con este modelo entrenado se hacen predicciones para genotipos candidatos para los cuales únicamente se cuenta con información genotípica y eventualmente ambiental. Esta metodología ha revolucionado el mejoramiento genético ya que incrementa la ganancia genética por unidad de tiempo y ahorra recursos significativos en el fenotipado. Sin embargo, su implementación práctica es todavía compleja ya que requiere alta precisión en las predicciones para que su implementación sea exitosa. Se han explorado varios algoritmos de Aprendizaje Automático para mejorar estas capacidades predictivas, sin embargo, los resultados obtenidos no son aún suficientes para su implementación exitosa en forma rutinaria, sobre todo en granos. Esta propuesta de investigación explorará el estado del arte en métodos de Aprendizaje Profundo, en particular diferentes arquitecturas de redes neuronales que sean capaces de integrar datos genómicos y ambientales. Existen diferentes maneras de integrar estos datos, ya sea, con redes totalmente conectadas o convoluciones, pero sin diferenciar demasiado el tipo de datos a redes que poseen mecanismos de atención cruzada. Es decir, redes que sean capaces de incorporar las interacciones genotipo ambiente en su arquitectura. Si bien los algoritmos basados en redes neuronales, generalmente requieren muchos datos para poder ser entrenados, una vez puestos a punto, se pueden aplicar a nuevas bases de datos, que posean las mismas características fácilmente, sin necesidad de potencia de cálculo. Por lo tanto, se buscarán modelos que luego se puedan implementar en forma rutinaria en diferentes programas de mejoramiento genético en la región, incrementando la ganancia genética de cultivos de la región.

5 horas semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: LADO B. , Federico LECUMBERRY RUVERTONI , Jose Crossa , Juan Eduardo ROSAS CAISSIOLS , Lucía GUTIÉRREZ CHACÓN , Paula Silva , Mateo Musitelli Freire , Graciana María Castro Olmedo , Leonardo Sebastian Vanzetti , María Inés FARIELLO RICO (Responsable) , Maria Ines BERRO ROVELLA (Responsable)

Areas de conocimiento:

Ingeniería y Tecnología / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Ingeniería Eléctrica y Electrónica / Procesamiento de señales genómicas

Impulsando la innovación tecnológica en papa: evaluación agronómica, multiplicación de semilla y desarrollo de un producto a partir de genética nacional. (09/2024 - a la fecha)

En sistemas de producción familiar, el acceso a semilla de calidad sigue siendo una limitante. La Facultad de Agronomía y el INIA tienen antecedentes de cooperación evaluando la adecuación de distintos materiales genéticos en estos sistemas y recientemente, en el fortalecimiento de un sistema de multiplicación y abastecimiento de semilla, investigando en métodos para mejorar la multiplicación clonal rápida de plantas. Adicionalmente se está explorando con productores de la Red de Agroecología de Uruguay (RAU) un esquema de multiplicación que combina la multiplicación clonal y el uso de semilla verdadera de papa (TPS, siglas en inglés). El sistema presenta ventajas sanitarias, alta tasa de multiplicación, bajo costo inicial y posibilidad de autoabastecimiento de semilla. Este proceso se viene consolidando y alcanzando a más productores. Las progenies evaluadas son de diversidad de colores en piel y pulpa, y lograron aceptación en ferias, canastas y en el sector gastronómico. La pulpa de color se asocia a mayor contenido de antioxidantes y su desarrollo comercial es de interés. Otro aspecto a abordar para aumentar la difusión y adopción de materiales nacionales, es la generación de conocimiento sobre su dormición y respuesta al ambiente. La dormición y la temperatura durante el almacenamiento afectan la edad fisiológica de la semilla (EF). La EF impacta en el largo de ciclo y en el número de tallos y tubérculos; determinantes del rendimiento.

2 horas semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Gerencia Programática y Operativa, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: LADO B. , P. COLNAGO (Responsable) , FRANCISCO VILARÓ , G. A. GALVAN , DOGLIOTTI, S. , GLISON, N , BAO, L. , SILVEIRA GÓMEZ, A.C. , FERNANDA ZACCARI , Moreira, V. , Israel Navarrete

Asignación de recursos en programas de mejoramiento genético vegetal: ¿es posible optimizarla? (05/2023 - a la fecha)

Código: FMV_3_2022_1_172261 Se buscan encontrar estrategias de optimización de recursos en la evaluación fenotípica de líneas de programas de mejoramiento vegetal mediante diseños experimentales que optimicen la evaluación de líneas en distintos ambientes.

20 horas semanales

Coordinador o Responsable

En Marcha

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: LADO B. (Responsable) , Alejandra BORGES MIRA , Lucía GUTIÉRREZ CHACÓN , Maximiliano Leonardo VEROCAI BRITOS , Ariel CASTRO TABÓ , Paula Silva , Martín Conrado QUINCKE WALDEN , Silvina Baráibar Pedersen , Fabrizio Tiscornia Monteverde , Pablo Martín GONZÁLEZ BARRIOS (Responsable)

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agricultura / Mejoramiento Genético Vegetal

Selección genómica para resistencia a roya estriada de trigo incluyendo información de parentesco y de QTL de efecto mayor (02/2022 - 01/2025)

El trigo es uno de los cultivos base, más importantes en la alimentación humana a nivel mundial, no solo por su aporte de carbohidratos sino también por su contenido de proteínas, vitaminas y fibra. En Uruguay, es el principal cultivo de invierno, con 238 mil hectáreas sembradas en la zafra 2019/2020. A partir del 2017, se vienen registrando, a nivel nacional, epidemias de roya estriada (RE) cada vez más tempranas y frecuentes, causando pérdidas de rendimiento de hasta el 80%. La forma más eficiente de manejar la enfermedad en términos económicos y ambientales es a través del uso de resistencia genética. La Selección Genómica (SG) es una estrategia de selección de líneas promisorias utilizada en mejoramiento genético que se basa en seleccionar líneas experimentales utilizando únicamente su información genética. La SG permite acortar el tiempo de selección y por lo tanto los tiempos de desarrollo de nuevos cultivares. Contar con materiales resistentes aportará a la sustentabilidad de la producción nacional. En este trabajo, se propone ajustar modelos de SG para la selección de materiales nacionales resistentes a RE. Específicamente, se propone: 1) determinar si se puede mejorar la precisión y exactitud de las medias fenotípicas en los ensayos de fenotipado a campo al incluir información espacial y/o covariables biológicas, y si esa mejora se ve reflejada en una mejor predicción de los modelos de SG; 2) evaluar si cambian las predicciones de los modelos de SG al asumir distintas distribuciones de los efectos de los marcadores (ridge regression-BLUP y Bayes Lasso) para variables como la resistencia a RE, en las que la arquitectura genética es a menudo una combinación de unas pocas regiones genómicas de efecto cuantitativo mayor (QTL) combinados con un trasfondo poligénico; 3) evaluar si incluir información de parentesco y/o QTL de efecto mayor para resistencia a RE mejora las predicciones de los modelos de SG.

10 horas semanales

Departamento de Biometría, Estadística y Computación , DBEC

Investigación

Otros

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: LADO B. , Venancio Riella (Responsable) , SILVA. P , BORGES

Aportes al control de roya estriada de trigo: variabilidad del patógeno y resistencia en el hospedero (11/2020 - 10/2024)

La roya estriada (RE) de trigo (*Puccinia striiformis* f. sp. *tritici*) puede causar daños muy altos. Desde su primera detección en Uruguay en 1929 se ha presentado esporádicamente, aunque raramente alcanzando niveles epidémicos. A partir del año 2000 ocurrió una dispersión muy rápida de razas

similares de *P. striiformis* f. sp. *tritici* a nivel mundial, más agresivas que las conocidas en Europa y EUA hasta el año 2000, causando epidemias en regiones donde la RE no era importante. Durante 2017 algunas de estas razas fueron detectadas en Argentina y Uruguay, asociadas a epidemias severas, pérdidas de rendimiento de grano de hasta 82% y cambios de comportamiento de algunos cultivares. En 2018 la primera detección de RE fue un mes antes que en 2017. Este escenario indica que la RE probablemente se presentará más frecuentemente y con mayor severidad en el futuro. Con el objetivo general de contribuir al incremento y sustentabilidad de la producción de trigo, se plantea iniciar estudios específicos sobre RE en distintas áreas: i) variabilidad del patógeno (avirulencia/virulencia y a nivel molecular), ii) base genética de resistencia a RE en una colección de materiales utilizando GWAS, iii) determinación del efecto relativo de genes de resistencia parcial en la población Avocet?S?/Parula. Estos esfuerzos tienen el objetivo de aportar información y materiales para el control de RE de trigo en base a resistencia genética, considerada la mejor estrategia de control por su menor impacto económico y ambiental asociado a la reducción del uso de fungicidas.

3 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: S. GERMÁN , Venancio Riella , SILVA. P , LADO B. , CASTRO, ARIEL JULIO , PRITSCH C , MARTÍN C. QUINCKE , Kavanová M

Palabras clave: *Triticum aestivum* resistencia genética Roya

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

IMPACTO DEL MEJORAMIENTO EN LA EVOLUCIÓN DE LA DIVERSIDAD GENÉTICA DE TRIGO Y CEBADA (08/2020 - 02/2023)

El mejoramiento genético de cultivos ha sido clave en el desarrollo de la agricultura desde principio del siglo XX. Sin embargo, las prácticas de mejoramiento implican selección de líneas y cruzamientos de las mejores líneas entre sí, lo cual en teoría incrementa el riesgo de disminuir la diversidad genética de las especies cultivadas y en consecuencia su adaptación a distintos estreses bióticos y abióticos. Estudios previos basados en pocos marcadores moleculares a lo largo del genoma muestran que la diversidad genética general no ha disminuido desde los inicios del mejoramiento hasta la actualidad. Estas afirmaciones contradicen lo esperado según la teoría de la genética cuantitativa al aplicar selección en poblaciones finitas. Actualmente, el desarrollo de la tecnología permite contar con miles de marcadores en alta densidad en el genoma, pero aún no hay disponibles estudios que evalúen la evolución de la diversidad en el tiempo utilizando estas nuevas tecnologías. A su vez, estas tecnologías permiten estudiar la distribución de los marcadores en el genoma, agregando información de diversidad en regiones específicas del genoma. En este trabajo nos proponemos estudiar la evolución de la diversidad genética de los programas de mejoramiento de trigo y cebada de Uruguay, utilizando genotipado por secuenciación. Contestando las siguientes preguntas: ¿cómo es la estructura genética de los programas de trigo y cebada de hoy en día? ¿Ha disminuido la diversidad genética, desde los inicios de los programas de trigo y cebada hasta la actualidad, como producto del mejoramiento? ¿Hay regiones del genoma que se han fijado? ¿Ha disminuido la caída del desequilibrio de ligamiento en las poblaciones en las distintas décadas? Estas preguntas son claves para poder tomar decisiones en el mejoramiento de estos cultivos y evitar reducir en extremo la diversidad de las especies cultivadas.

17 horas semanales

Facultad de Agronomía , Departamento de Biometría, Estadística y Coputación

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Financiación:

Dirección para el desarrollo de la ciencia y el conocimiento, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: LADO B. , Silvina Baraibar , SILVA. P , FEDERICO CONDÓN , CASTRO, ARIEL JULIO , MARTÍN C. QUINCKE

Palabras clave: *Triticum aestivum* *Hordeum vulgare* diversidad genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Generando valor a partir de datos históricos del programa de mejoramiento genético de arroz de INIA (02/2020 - 01/2022)

El Programa de Mejoramiento Genético de Arroz de INIA (PMGA) tiene como objetivo obtener mejores cultivares de arroz. Para ello genera líneas experimentales que son evaluadas durante múltiples años, seleccionando en base al comportamiento fenotípico evaluado en ensayos de campo y laboratorio. Estos fenotipos observados son utilizados para estimar el valor genético de las líneas, en base al cual se realiza la selección. La ganancia genética que se obtenga en este proceso depende de la precisión con la que se pueda estimar el valor genético a partir del fenotipo. Esta precisión depende a su vez de la calidad de los ensayos, el número de repeticiones, localidades y años de evaluación, y la magnitud de los efectos ambientales (año, localidad) e interacción genotipo por ambiente (respuesta diferencial de las líneas a los ambientes). Cuantificar estos efectos en cada etapa del proceso de mejoramiento permitiría optimizar la distribución de recursos del PMGA maximizando la ganancia genética con menores costos. Para una adecuada estimación de estos factores se requiere el análisis conjunto de ensayos a través de múltiples años y ambientes. Sin embargo, actualmente los ensayos del PMGA son analizados por separado debido a que los datos están fragmentados en una multiplicidad de soportes y formatos que impiden su análisis conjunto. Esta sub-utilización de la información dificulta la correcta estimación de los parámetros genéticos disminuyendo potencialmente la ganancia genética y la eficiencia del PMGA. El objetivo general de este proyecto es optimizar el uso de los datos generados por el PMGA uniformizando la información histórica y haciéndola disponible para su análisis rutinario. Los objetivos particulares son: 1) el análisis conjunto de todos los ensayos disponibles para estimar los principales parámetros genéticos en cada etapa del PMGA, y 2) utilizar estos valores reales para simular distintas estrategias y optimizar la distribución de recursos en el programa.

3 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:2

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ROSAS JE , SCHEFFEL S , REBOLLO, I , I. AGUILAR , LADO B. , Owen Powell

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Mejora de la sostenibilidad del cultivo de papa en sistemas de producción familiar de Canelones (03/2018 - 05/2020)

El objetivo general del proyecto es mejorar la competitividad y sostenibilidad del cultivo de papa en productores familiares, promoviendo su inserción en cadenas comerciales organizadas. Esto se llevará a cabo mediante, (1) la difusión de los cultivares actuales y manejo asociado de cultivo, incluyendo abastecimiento de semilla para uso propio. (2) El desarrollo nuevas opciones de variedades mejoradas mediante evaluación y selección participativa. (3) El fortalecimiento de la producción de semilla certificada en variedades locales de papa.

5 horas semanales

Centro Regional Sur

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Mariana Andino , Pablo González Rebelino , Zaccari F. , Francisco Luis VILARÓ PAREJA , Paula Colnago (Responsable) , Bettina Lado Lindner

Optimización de la población de entrenamiento para selección genómica en trigo (12/2015 - 08/2018)

El proyecto consiste en la optimización de la selección de una población de entrenamiento para utilizar en la aplicación de selección genómica en un programa de mejoramiento.

8 horas semanales

Departamento de Biometría, Estadística y Computación , Facultad de Agronomía

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: GUTIÉRREZ, L , BERRO I.

Palabras clave: Selección genómica Trigo

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Selección genómica

Roya del tallo: estrategias de manejo para prevenir su resurgimiento como problema relevante para la producción de trigo (02/2015 - 07/2018)

La roya del tallo de trigo (RT, causada por *Puccinia graminis* f. sp. *tritici*) fue una enfermedad altamente destructiva en el pasado, causando epidemias importantes frecuentemente y hasta pérdidas totales en cultivares susceptibles. Fue controlada por el uso de cultivares resistentes. Sin embargo, varios factores contribuyen a que represente una amenaza para el cultivo de trigo i) El clima de Uruguay es favorable para el patógeno, y el incremento de temperatura (cambio global) es otro factor que favorecerá el desarrollo de esta enfermedad, ii) El área sembrada con cultivares susceptibles a razas locales de RT ha incrementado y iii) la amenaza de la incursión de razas exóticas presentes en África, que son virulentas sobre la mayor parte de las variedades a nivel regional y local. Estos elementos indican que puede darse un incremento en la infección y daño de RT a corto o mediano plazo. A nivel global, los métodos utilizados para el control de RT son el control químico y la resistencia genética. En este proyecto se plantea i) generar información sobre control químico para manejar la enfermedad en el corto plazo y evaluar el nivel de residuos de fungicidas en el grano debido a que las aplicaciones de fungicidas post floración pueden ser necesarias para controlar RT, ii) estudiar la base genética de resistencia a RT en dos poblaciones RILs derivadas de dos materiales utilizados por el Programa de Mejoramiento Genético de Trigo mediante análisis de QTL, con el objetivo de dilucidar si son resistencias novedosas, y en este caso identificar marcadores moleculares que puedan ser utilizados para selección asistida y iii) desarrollo de materiales resistentes frente a la población local y razas presentes en África, transfiriendo genes de resistencia efectivos a un background adaptado, utilizando marcadores diagnósticos para seleccionar y acumular estos genes.

2 horas semanales

Programa de cultivos de secano , INIA La Estanzuela

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Clara Beatriz PRITSCH ALBISU , Lucía GUTIÉRREZ CHACÓN , Ariel CASTRO TABÓ ,

Martín Conrado QUINCKE WALDEN , Paula Silva , Silvina Baráibar Pedersen , Silvia Antonia

PEREYRA CORREA , Silvia Elisa GERMÁN FAEDO (Responsable) , Bettina Lado Lindner

Palabras clave: *Puccinia graminis* resistencia control químico Genotipado por secuenciación Mapeo asociativo

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético por resistencia

Aproximaciones genómicas, fisiológicas y de mejoramiento para incrementar la tolerancia a sequía en soja (08/2014 - 08/2017)

5 horas semanales

Las Brujas , INIA

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: BONNECARRERE, V. (Responsable)

Palabras clave: Soja Sequía

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

DOCENCIA

Ingeniería Agronómica (08/2021 - a la fecha)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Estadística 2, 90 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Otras Ciencias Agrícolas / Otras Ciencias Agrícolas / Estadística

Maestría en Ciencias Agrarias (09/2022 - a la fecha)

Maestría

Responsable

Carrera de Ingeniería Agronómica (03/2025 - a la fecha)

Grado

Responsable

Asignaturas:

Matemática, 75 horas, Teórico-Práctico

Ciencias Agrarias (03/2025 - 03/2025)

Maestría

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

Professional Skills for Scientist, 10 horas, Teórico-Práctico

Ciencias Agrarias (11/2023 - 12/2023)

Maestría

Responsable

Asignaturas:

Modelos de predicción genómica, 40 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / NO CORRESPONDE /

Ingeniero Agrónomo (08/2013 - 07/2021)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Métodos Cuantitativos 1, 152 horas, Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada / Matemática aplicada a las ciencias agrarias

Ingeniero Agrónomo (05/2018 - 07/2019)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Métodos Cuantitativos III, 120 horas, Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada / Diseño de experimentos aplicado a ciencias agrarias

Curso CABBIO -Centro argentino brasilero de biotecnología (05/2017 - 06/2017)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

Herramientas para el análisis de GWAS en cultivos, 80 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Maestría en Ciencias Agrarias (11/2015 - 11/2015)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Mejoramiento genético vegetal, 2 horas, Teórico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Selección genómica

Maestría en Ciencias Agrarias (03/2014 - 03/2014)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

Introducción a la bioinformática: aplicaciones en proyectos genómicos de mejoramiento genético, 40 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Bioinformática

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Genotipado por secuenciación

EXTENSIÓN

Jornada de Estadística aplicada al mejoramiento genético (12/2024 - 12/2024)

Departamento de Biometría , Estadística y Computación 8 horas

PASANTÍAS

Pasantía CSIC movilidad en UW-Madison, EEUU (05/2016 - 08/2016)

Cereals Breeding and Quantitative Genetic, Agronomy Department

40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Selección genómica en programas de mejoramiento vegetal

Pasantía CSIC movilidad en KSU, EEUU (05/2015 - 08/2015)

Plant Pathology, Kansas State University

40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Asesorías Estadísticas (03/2017 - a la fecha)

Facultad de Agronomía 7 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada / Análisis de datos experimentales

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - INSTITUTO NACIONAL DE INVESTIGACIÓN AGROPECUARIA - URUGUAY

INIA La Estanzuela / Programa de cultivos de secano - Laboratorio de biotecnología

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2013 - 05/2015)

Investigador Asistente 16 horas semanales

Mis vínculos laborales más relevante son INIA y UdelaR

Funcionario/Empleado (08/2009 - 04/2013) Trabajo relevante

Asistente de Investigación 44 horas semanales

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Ajuste, diseño e implementación de selección genómica al programa de mejoramiento genético de trigo (02/2012 - 05/2015)

El incremento de la demanda mundial de alimento, y la evidencia de un cambio climático sostenido, indican la necesidad de desarrollar cultivos adaptados a los actuales y a los futuros ambientes con estreses bióticos y abióticos. Por lo tanto, es necesario incrementar la eficiencia de selección y aumentar el grado de adaptación de los cultivos. En la actualidad los programas de mejoramiento vegetal intentan mejorar sobre los esquemas tradicionales de selección por medio de la selección asistida por marcadores (SAM). Para poder aplicar SAM, se necesitan previos análisis de loci de efecto cuantitativo (QTL) en unas pocas poblaciones segregantes. Los resultados de estos estudios, además de tardar en obtenerse, representan los efectos de una minoría de alelos presentes en el germoplasma del programa de mejoramiento. La genética asociativa (GA), en parte soluciona este problema contemplando la diversidad del programa de mejora, pero los métodos detrás de los análisis de QTL y GA se limitan a la identificación de marcadores que resultan de umbrales extremadamente estrictos. Para la mayoría de las características de importancia, los marcadores que resultan significativos de un análisis de GA terminan explicando una mínima proporción de la variación fenotípica, no permitiendo ser utilizados eficientemente para SAM. Para aumentar la proporción de la variación fenotípica explicada por los marcadores y mejorar las predicciones de caracteres de herencia cuantitativa, se propone la aplicación de selección genómica (SG) en programas de mejoramiento vegetal. La SG permite ser aplicada en programas de mejoramiento por los enormes avances y disminución de costos en secuenciación de genomas y por la aplicación de modelos estadísticos novedosos. Esto permite avances sustanciales en la eficiencia de la selección combinando la caracterización y selección a campo con la incorporación simultánea de marcadores a nivel masivo en un modelo de predicción. Por lo tanto, la SG desafía los paradigmas que sostienen a los actuales esquemas de mejoramiento genético vegetal. Como el trigo es el cultivo de invierno más importante a nivel nacional y regional, en términos de volumen, superficie y valor económico de la producción, este proyecto pretende postular, evaluar, ajustar e implementar la incorporación de SG al programa de mejoramiento genético del INIA.

20 horas semanales

INIA, Cultivos de Secano

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

INIA La Estanzuela, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: QUINCKE M., SILVA, P. (Responsable), GUTIÉRREZ, L

Palabras clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología

Alimentaria / Mejoramiento genético

Adaptación de los sistemas productivos de Papa y Trigo al cambio climático (01/2010 - 03/2013)

El consorcio INIA-Chile, INIA-Uruguay y CIP en Perú se unieron en una iniciativa de investigación que busca mantener y mejorar la competitividad de los sistemas productivos de papa y trigo frente al cambio climático, a través de la selección y desarrollo de genotipos con mayor tolerancia a la sequía y a altas temperaturas. Fundamentalmente está orientado a determinar el potencial impacto del cambio climático en la región para trigo y papa. Colocar a disposición tanto de programas de mejoramiento de cada país como de productores, genotipos y genes tolerantes a sequía y altas temperaturas que permitan obtener rendimientos competitivos frente al nuevo escenario climático. Particularmente, se busca crear una instancia regional de trabajo y discusión en este tema

44 horas semanales

Cultivos de secano, Biotecnología

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Institución del exterior, Cooperación
Equipo: PINO, M. T. (Responsable) , VON ZITZEWITZ, J. (Responsable)

PASANTÍAS

Pasantía por Becas Emerging Leaders in the Americas Program, ELAP, en Canadá (08/2011 - 02/2012)

Universidad Laval, Laboratorio de Francois Belzile
40 horas semanales
Areas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Genotipado para selección genómica

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Implementación y puesta a punto del laboratorio de Biotecnología de INIA La Estanzuela (06/2010 - 03/2013)

Laboratorio de Biotecnología, Programa de cultivos de secano
44 horas semanales
Areas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Genotipado

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - INTENDENCIA DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Unidad de Gestión de Calidad / Evaluación de la Calidad y Control Ambiental - Calidad del agua

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (03/2009 - 08/2009)

30 horas semanales
La pasantía se realizó en el Laboratorio de Calidad Ambiental de la IMM

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 20 horas
Carga horaria de investigación: 10 horas
Carga horaria de formación RRHH: 5 horas
Carga horaria de extensión: Sin horas
Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

Los avances tecnológicos junto con el desarrollo del conocimiento en genética y estadística han promovido muchos de los cambios de los últimos años en el mejoramiento genético de cultivos, transformando el arte de mejorar plantas en una ciencia cada vez más compleja que requiere un mayor número de actores involucrados. Por un lado, los avances en el conocimiento de la genética han permitido explorar en profundidad los mecanismos de herencia génica, cuali y cuantitativos. Por otro lado, el desarrollo de la tecnología permite secuenciar el ADN de las plantas a un costo reducido que hace posible genotipar muchas plantas de un programa de mejoramiento. A su vez, se han desarrollado múltiples herramientas estadísticas que permiten incorporar y utilizar muchos datos al mismo tiempo reuniendo información complementaria. Utilizando estas herramientas ha sido posible asociar las diferencias en el desempeño de las plantas con variaciones en el ADN, así como conocer el relacionamiento genético entre los individuos a través de su secuencia en el ADN. Estas herramientas permiten hacer más eficiente el proceso de selección, reuniendo la información genética de las plantas con la información de desempeño, incrementando las ganancias genética por unidad de tiempo. El objetivo mi investigación es aportar al desarrollo y aplicación de la metodología estadística en la solución de problemas en el mejoramiento genético de cultivos de interés nacional. Para esto, se proponen los siguientes objetivos específicos: 1) Desarrollar aspectos metodológicos para la aplicación de selección genómica en los programas de

mejoramiento genético de cultivos de importancia productiva nacional, como son trigo y cebada. 2) Investigar y evaluar la eficiencia de los diseños experimentales utilizados para la evaluación fenotípica en los programas de mejoramiento. 3) Estudiar la diversidad y el impacto del mejoramiento genético en la diversidad genética de las líneas experimentales y variedades en distintos programas de mejoramiento. Se espera contribuir al desarrollo del mejoramiento genético de cultivos mediante la incorporación de nueva herramientas en programas de mejoramiento nacionales, lo que repercutirá en la mejora de materiales disponibles para los productores nacionales. Participar en el desarrollo de conocimiento de la genética y estadística en el área del mejoramiento genético vegetal.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Wheat yellow rust in Uruguay: understanding the genetic resistance in a panel of breeding and commercial germplasm (Completo, 2025)

VENANCIO RIELLA , BETTINA LADO , FEDERICO CONDÓN , CLARA PRITSCH , MARTÍN QUINCKE , MONIKA KAVANOVÁ , RICHARD GARCÍA , FERNANDO PEREIRA , NOELIA PEREZ , ARIEL CASTRO , LUCÍA GUTIÉRREZ , SILVIA GERMÁN , PAULA SILVA

Theoretical and Applied Genetics, v.: 138 2025

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Germany

ISSN: 00405752

E-ISSN: 14322242

DOI: [10.1007/s00122-025-04937-5](https://doi.org/10.1007/s00122-025-04937-5)

<https://doi.org/10.1007/s00122-025-04937-5>

Scopus*

Strawberry fruit quality: Impacts of the harvest date with a breeding perspective (Completo, 2023)

PAULA PEDROZO , ESTEBAN VICENTE , ANA INÉS MOLTINI , FACUNDO IBÁÑEZ , BETTINA LADO , LAURA FARIÑA , GASTÓN ARES , JOANNA LADO

JSA reports, v.: 3 p.:597 - 608, 2023

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 25735098

DOI: [10.1002/jsf2.163](https://doi.org/10.1002/jsf2.163)

<https://doi.org/10.1002/jsf2.163>

Scopus*

Introgression of the coupled Fhb1-Sr2 to increase Fusarium head blight and stem rust resistance of elite wheat cultivars (Completo, 2022)

RAFFO M. , G Azzimonti , S. PEREYRA , PRITSCH C , LADO B. , Dreisigacker S. , MARTÍN C. QUINCKE , CASTRO, ARIEL JULIO , S. GERMÁN

Plant Genetic Resources, v.: 20 February 2022 1, p.:36 - 45, 2022

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Cambridge University Press

E-ISSN: 1479263X

DOI: <https://doi.org/10.1017/S1479262122000107>

<https://www.cambridge.org/core/journals/plant-genetic-resources/article/abs/introgression-of-the-cou>

WEB OF SCIENCE™

QTL mapping of resistance to Ug99 and other stem rust pathogen races in bread wheat (Completo, 2020)

Silvina Baraibar , Richard Gracia , SILVA. P , LADO B. , CASTRO, ARIEL JULIO , GUTIERREZ, L. , MARTÍN C. QUINCKE , Kavanová M , S. GERMÁN

Molecular Breeding, v.: 82 40 , 2020

Palabras clave: Triticum aestivum Resistencia Genética

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 13803743

E-ISSN: 15729788

DOI: <https://doi.org/10.1007/s11032-020-01153-5>

<https://link.springer.com/article/10.1007/s11032-020-01153-5>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Training Population Optimization for Genomic Selection (Completo, 2019)

INES BERRO , LADO B. , MARTÍN C. QUINCKE , Rafael S. Nalin , GUTIERREZ, L.

The Plant Genome, v.: 12 3, p.:1 - 14, 2019

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 19403372

DOI: [10.3835/plantgenome2019.04.0028](https://doi.org/10.3835/plantgenome2019.04.0028)

<https://access.onlinelibrary.wiley.com/doi/10.3835/plantgenome2019.04.0028>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Resource Allocation Optimization with Multi-trait Genomic Prediction for Bread Wheat (Completo, 2018) Trabajo relevante

LADO B. , VÁZQUEZ, D. , SILVA. P. , MARTÍN C. QUINCKE , I. AGUILAR , GUTIERREZ, L.

Theoretical and Applied Genetics, v.: 131 12 , p.:2719 - 2731, 2018

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Berlin Heidelberg

ISSN: 00405752

E-ISSN: 14322242

DOI: <https://doi.org/10.1007/s00122-018-3186-3>

<https://link.springer.com/article/10.1007/s00122-018-3186-3>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Strategies for Selecting Crosses Using Genomic Prediction in Two Wheat Breeding Programs (Completo, 2017) Trabajo relevante

LADO B. , Battenfield S. , Poland J. , SILVA. P. , MARTÍN C. QUINCKE , GUTIERREZ, L.

The Plant Genome, v.: 10 2 , p.:1 - 12, 2017

Palabras clave: Genomic Selection Cross prediction Progeny variance Wheat breeding

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Madison, WI

E-ISSN: 19403372

DOI: [10.3835/plantgenome2016.12.0128](https://doi.org/10.3835/plantgenome2016.12.0128)

<https://dl.sciencesocieties.org/publications/tpg/articles/10/2/plantgenome2016.12.0128>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Ascertainment bias from imputation methods evaluation in wheat (Completo, 2016)

BRANDARIZ SP , GONZÁLEZ RAYMÚNDEZ A , LADO B. , MALOSETTI M , FRANCO GRACIA AA , QUINCKE M. , VON ZITZEWITZ, J. , CASTRO M. , MATUS I. , DEL POZO A. , CASTRO A.J. , GUTIÉRREZ, L

BMC Genomics, v.: 17 p.:773 - 786, 2016

Palabras clave: GBS QTL GWAS Power False positive

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Genotipado

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: PMC. Web

E-ISSN: 14712164

DOI: [10.1186/s12864-016-3120-5](https://doi.org/10.1186/s12864-016-3120-5)

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC5050639/>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Modeling Genotype x Environment Interaction for Genomic Selection with Unbalanced Data from a Wheat Breeding Program (Completo, 2016) Trabajo relevante

LADO B. , GONZALEZ BARRIOS P. , SILVA, P. , QUINCKE M. , GUTIÉRREZ, L

Crop Science, v.: 56 p.:2165 - 2179, 2016

Palabras clave: Genomic predictions Mixed Models G-BLUP Mega-Environments

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: www.crops.org
Escrito por invitación
ISSN: 0011183X
E-ISSN: 14350653
DOI: [10.2135/cropsci2015.04.0207](https://doi.org/10.2135/cropsci2015.04.0207)
<https://dl.sciencesocieties.org/node/29/view>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Genome-wide association mapping of agronomic traits and carbon isotope discrimination in a worldwide germplasm collection of spring wheat using SNP markers (Completo, 2015)

FREDDY MORA, CASTILLO, D., LADO B., MATUS I., POLAND J., BELZILE F., VON ZITZEWITZ, J., DEL POZO A.

Molecular Breeding, v.: 35 p.:69 - 81, 2015

Palabras clave: Wheat Genotyping by Sequencing Linkage disequilibrium

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 13803743

E-ISSN: 15729788

DOI: [10.1007/s11032-015-0264-y](https://doi.org/10.1007/s11032-015-0264-y)

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Increased Genomic Prediction Accuracy in Wheat Breeding Through Spatial Adjustment of Field Trial Data (Completo, 2013) Trabajo relevante

LADO B., BELZILE F., POLAND J., MATUS I., DEL POZO A., CASTRO M., INOSTROZA L., RODRIGUEZ A., VON ZITZEWITZ, J.

G3 Genes|Genomes|Genetics, v.: 3 12, p.:2105 - 2114, 2013

Palabras clave: Wheat Spatial Adjustment Genomic predictions

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 21601836

DOI: [10.1534/g3.113.007807](https://doi.org/10.1534/g3.113.007807)

<http://g3journal.org/content/3/12/2105.full>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

ARTÍCULOS ACEPTADOS

ARBITRADOS

Use of historical data improves early selection in a public rice breeding program (Completo, 2025)

SCHEFFEL S, LADO B., PEREZ DE VIDA, F., MOLINA, F., Juan David Arbelaez, ROSAS JE

Crop Science, 2025

Medio de divulgación: Internet

Preprint disponible

Fecha de aceptación: 14/11/2025

ISSN: 0011183X

E-ISSN: 14350653

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Resource Optimization with Multi-Trait Genomic Prediction for Bread Wheat Quality (2018)

LADO B.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: Plant & Animal Genome XXVI

Ciudad: San Diego

Año del evento: 2018

Publicación arbitrada

Medio de divulgación: Internet
<http://www.intlpag.org/2019/images/pdf/2018/PAGXXVI-abstracts-posters.pdf>

COMPARING STRATEGIES TO SELECT CROSSES USING GENOMIC PREDICTION IN TWO WHEAT BREEDING PROGRAMS (2017)

LADO B.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 13th International Wheat Genetics Symposium
Ciudad: Tulln, Austria
Año del evento: 2017
Anales/Proceedings: Proceedings 13th International Wheat Genetics Symposium
Medio de divulgación: Internet
http://iwgs2017.boku.ac.at/wp/wp-content/uploads/2017/09/IWGS_2017_Proceedings_WEB.pdf

Genomic Prediction and GWAS for Bread Quality in Uruguayan Spring Wheat (2016)

LADO B., VAZQUEZ D., SILVA, P., QUINCKE M., GUTIÉRREZ, L
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 5th International Conference on Quantitative Genetics
Ciudad: Madison
Año del evento: 2016
Palabras clave: Calidad de trigo Predicción genómica
Medio de divulgación: Papel

Comparación de Metodologías de Predicción de Cruzamientos en Trigo (2016)

LADO B., BATTENFIELD S, POLAND J., SILVA, P., QUINCKE M., GUTIÉRREZ, L
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: ALAG 2016
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Palabras clave: Trigo Predicción genómica Predicción de cruzamientos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel

Modelos Mixtos en Mejoramiento Genético Vegetal (2015)

LADO B., GUTIÉRREZ, L, GONZALEZ BARRIOS P., SILVA, P., QUINCKE M.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: 1º Congreso Argentino de Estadística
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2015
Palabras clave: Selección genómica Trigo Modelos Mixtos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica
Medio de divulgación: Papel

Genomic Selection in Wheat Breeding Program Modelling Genotype by Environment Interaction Using Mixed Models (2015)

LADO B., GUTIÉRREZ, L, GONZALEZ BARRIOS P., SILVA, P., QUINCKE M.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: International Wheat Conference

Ciudad: Sydney
Año del evento: 2015
Palabras clave: Selección genómica Trigo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica

Comparación de estrategias de construcción de la población de entrenamiento de modelos de predicción genómica para el programa de mejoramiento genético de trigo.a (2014)

BERRO I., LADO B., GUTIÉRREZ, L
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XV JORNADAS DE LA SOCIEDAD URUGUAYA DE BIOCENCIAS
Ciudad: Piriapolis
Año del evento: 2014
Anales/Proceedings: XV JORNADAS DE LA SOCIEDAD URUGUAYA DE BIOCENCIAS
ISSN/ISBN: 1688-9819
Palabras clave: Selección genómica Trigo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica
Medio de divulgación: Internet
<http://sub.fcien.edu.uy/events/xv-jornadas-de-la-sub/programa-xv-jornadas-de-la-sub>

Herramientas utilizadas y avances en mejoramiento molecular en el Programa de Mejoramiento Genético de Trigo de INIA Uruguay (2014)

LADO B., SILVA, P., QUINCKE M., GERMAN S., GUTIÉRREZ, L
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Seminario Internacional de Trigo
Ciudad: Colonia
Año del evento: 2014
Palabras clave: Trigo
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel
<http://www.inia.uy/Documentos/INIA%20La%20Estanduela/2014%2027%20agosto%20Seminario%20>

Predicciones de valores de cría genómicos en distintas poblaciones de trigo (2014)

LADO B., QUINCKE M., SILVA, P., GUTIÉRREZ, L
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: Jornada de la Sociedad Uruguaya de Genética
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2014
Áreas de conocimiento:
Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel

Modelado de la Interacción Genotipo por Ambiente en Selección Genómica (2014)

LADO B., QUINCKE M., SILVA, P., GUTIÉRREZ, L
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: Jornada de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Piriópolis
Año del evento: 2014
Palabras clave: Trigo
Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético
Medio de divulgación: Papel

Discovering QTL in Uruguayan Wheat Germplasm using Genome Wide Association Analysis (2013)

LADO B., SILVA M.P., MATUS I., INOSTROZA L., DEL POZO A., CASTRO M., GERMAN S., QUINCKE M., VON ZITZEWITZ, J.

Publicado

Resumen expandido

Evento: Internacional

Descripción: The 12th International Wheat Genetics Symposium

Ciudad: Yokohama

Año del evento: 2013

Palabras clave: Wheat Genome Wide Association Leaf Rust

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: Internet

<http://www2.convention.co.jp/iwgs12/index.html>

Genotipado por Secuenciación en Trigo (*Triticum aestivum* L.) (2013)

LADO B., QUINCKE M., MATUS I., CASTRO M., VON ZITZEWITZ, J.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Jornada SBBM 2013

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2013

Palabras clave: Trigo Genotipado por Secuenciación

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: Internet

<http://www.iibce.edu.uy/SBBM/>

Genotipado por Secuenciación del Genoma de 384 Genotipos De *T.aestivum* para Selección Genómica (2012)

LADO B., MATUS I., RODRIGUEZ A., INOSTROZA L., DEL POZO A., QUINCKE M., LOBOS G. A., LANDECHEA L., VON ZITZEWITZ, J.

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: XV Congreso Latinoamericano de Genética, XLI Congreso Argentino de Genética, XLV Congreso de la Sociedad de Genética de Chile y II Reunión Regional SAG-Litoral

Ciudad: Rosario

Año del evento: 2012

Palabras clave: Selección genómica Trigo Genotipado por Secuenciación

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: Papel

http://www.sag.org.ar/webalag/public_html/ESP_Bienvenida.htm

Ajuste, diseño e implementación de predicciones genómicas al programa de mejoramiento genético de trigo (2012)

LADO B., GERMAN S., SILVA M.P., QUINCKE M., VAZQUEZ D., CASTRO M., DEL POZO A., MATUS I., INOSTROZA L., VON ZITZEWITZ, J.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: VI Jornada de Biotecnología INIA

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2012

Palabras clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético vegetal

Medio de divulgación: CD-Rom

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

SPS Research Open call 2022 (2022)

Francia

Cantidad: Menos de 5

CSIC iniciación (2021)

Uruguay

Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

Euphytica (2024 / 2025)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Evalué un artículo en 2024 y otro en 2025

BMC Plant Biology (2023)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Agrociencias (2021)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

G3 Genes|Genomes|Genetics (2021 / 2024)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Evalué 2 artículos uno en 2021 y otro en 2024

Theoretical and Applied Genetics (2019 / 2023)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: De 5 a 20

Plant Breeding (2019)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Scientific Report (2019)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Crop Science (2017 / 2021)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

The Plant Genome (2017 / 2019)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Bragantía (2015)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

JURADO DE TESIS

Maestría en Ciencias Agrarias- Bioestadística (2022)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía , Uruguay

Nivel de formación: Maestría

Docteur d' Université Spécialité : Biologie végétale (2020)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Université Clermont Auvergne / École Doctorale des Sciences de la vie, Santé, Agronomie & Environnement , Francia

Nivel de formación: Doctorado

Fuí Examinatrice de una tesis de Doctorado

Ingeniero Agrónomo (2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Departamento de Biometría Estadística y Computación , Uruguay

Nivel de formación: Grado

Fui co-tutor de una tesis y jurado en el tribunal

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Incidencia de los patógenos asociados a la necrosis de raíz y corona en el cultivo de frutilla (2020 - 2021)

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Maestría en Ciencias Agrarias opción Vegetal , Uruguay

Programa: Maestría en Ciencias Agrarias - Opción Ciencias Vegetales

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Alex Machin

País: Uruguay

Estudio de la estabilidad estructural para suelos del Uruguay como mejora para el cálculo del Factor K de la USLE/RUSLE. (2017 - 2021)

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Maestría en ciencias del suelo , Uruguay

Programa: Ciencias del Suelo de la Maestría en Ciencias Agrarias

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Victoria Mancassola

País: Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Matemática Aplicada / Análisis utilizando modelos lineales, análisis multivariados y de correlación

Asesoramiento al análisis estadístico de datos de su tesis

Estrategias de manejo para roya del tallo de trigo

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Maestría en ciencias vegetales , Uruguay

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Silvina Baraibar

País: Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético, Fitopatología
Asesoramiento en el análisis de datos genotípicos mapeo asociativo

GRADO

EFFECTOS DE LA DENSIDAD DE SIEMBRA SOBRE EL DESARROLLO Y RENDIMIENTO DEL CULTIVO DE CANNABIS PARA FLOR MEDICINAL (2021 - 2023)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Departamento de Biometría, Estadística y Computación, Uruguay

Programa: Carrera de ingeniería Agronómica

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Antonela Fernandez y Javier ANTúnez

País: Uruguay

Modelos de ajuste espacial en la estimación de medias de rendimiento de líneas experimentales en un programa de mejoramiento de trigo en Uruguay. (2018 - 2019)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Departamento de biometría, estadística y cputación, Uruguay

Programa: Carrera de ingeniería Agronómica

Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (LADO B.)

Nombre del orientado: Paulina Siri

País: Uruguay

Evaluación de distintos compensadores de frío en peral cv. Williams (2018 - 2019)

Tesis/Monografía de grado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Departamento de biometría, estadística y cputación, Uruguay

Programa: Carrera de ingeniería Agronómica

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Sofía Ramos y Bruno Wlasiuk

País: Uruguay

Asesoría para el análisis de datos con modelos lineales generalizados

OTRAS

Selección genómica para resistencia a roya estriada de trigo incluyendo información de parentesco y de QTL de efecto mayor (2023 - 2025) Trabajo relevante

Iniciación a la investigación

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Departamento de Biometría, Estadística y Computación, Uruguay

Programa: CSIC - Propuesta de iniciación a la investigación

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Venancio Riella

País: Uruguay

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Diversidad de las comunidades fúngicas asociadas a especies del campo natural y su rol en la adquisición de fósforo. (2025)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía, Uruguay

Programa: Doctor en Ciencias Agrarias

Tipo de orientación: Asesor

Nombre del orientado: Natalia Rodriguez

País/Idioma: Uruguay,

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Beca de movilidad (Congresos) (2017)

(Internacional)
CSIC

Beca de Movilidad - pasantías en el exterior (2016)

(Internacional)
CSIC

Beca para realizar una pasantía en la Universidad de Wisconsin-Madison en Estados Unidos durante 3 meses. La beca fue otorgada en el contexto de los estudios de doctorado para trabajar con el grupo de investigación de la Dr. Lucía Gutiérrez.

Beca de Movilidad - pasantías en el exterior (2015)

(Internacional)
CSIC

Beca para realizar la pasantía en Kansas State University (KSU) en Estados Unidos. La pasantía fue de 3 meses y se realizó en el contexto del plan de Doctorado. La pasantía otorgada fue para trabajar con el grupo del Dr. Jesse Poland en KSU.

Beca de doctorado (2014)

(Nacional)
ANII

Beca para realizar estudios de Doctorado desde el 2014 hasta el 2017

Mejor Póster (2014)

(Nacional)

Sociedad uruguaya de Biociencias

Título del póster: Modelado de la Interacción Genotipo por Ambiente en Selección Genómica

Fellowship (2011)

(Internacional)

Canadian government

Beca que da el gobierno canadiense en un programa titulado "Emerging Leaders in Americas Program".

PRESENTACIONES EN EVENTOS

14th International Barley Genetics Symposium (2024)

Congreso

Impact of breeding on barley diversity and identification of selective sweeps by skim-sequencing

Argentina

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 24

Alcance geográfico: Internacional Palabras Clave: Genetics Barley Plant Breeding

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agronomía, reproducción y protección de plantas / Molecular Breeding and Genetics

XXIII International Congress of Genetics (2023)

Congreso

IMPACT OF BREEDING ON WHEAT AND BARLEY GENETIC DIVERSITY

Australia

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 42

Nombre de la institución promotora: WALDRONSMITH Management

Alcance geográfico: Internacional Palabras Clave: Genetic wheat barley

Latin R (2023)

Congreso

R as the core tool for data analysis and visualization in a breeding program: from field and genotypic evaluation to individual selection

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 16 Palabras Clave: R Software Plant Breeding Genetics and statistics

10 años Doctorado en Ciencias Agrarias (2020)

Seminario

ESTRATEGIAS PARA LA APLICACIÓN DE SELECCIÓN GENÓMICA EN UN PROGRAMA DE MEJORAMIENTO DE TRIGO

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Unidad de Posgrado y Educación Permanente, Facultad de Agronomía

SIESTA (2019)

Seminario

Ejemplos del uso de los Modelos Mixtos en Mejoramiento Genético Vegetal

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Instituto de Estadística

VI Jornadas Nacionales de Estadística (2019)

Encuentro

Póster: Uso de modelos mixtos en la predicción de múltiples variables de calidad panadera en trigo

Uruguay

Tipo de participación: Otros

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Estadística

Plant & Animal Genome Conference XXVI (2018)

Congreso

Resource Optimization with Multi-Trait Genomic Prediction for Bread Wheat Quality

Estados Unidos

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 50

Nombre de la institución promotora: Scherago International

Jornadas de Investigación (2018)

Encuentro

Estrategias para la aplicación de selección genómica en un programa de mejoramiento de trigo

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 16

Nombre de la institución promotora: Facultad de Agronomía Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Bioestadística

13th International Wheat Genetics Symposium (2017)

Simposio

Comparing Strategies to Select Crosses using Genomic Prediction in two Wheat Breeding Programs

Austria

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 45

Nombre de la institución promotora: University of Natural Resources and Life Science Palabras Clave: Cross prediction Progeny variance Wheat breeding

5th International Conference on Quantitative Genetics (2016)

Congreso

Genomic Prediction and GWAS for Bread Quality in Uruguayan Spring Wheat

Estados Unidos

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 50 Palabras Clave: Calidad de trigo

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

ALAG2016 (2016)

Congreso

Comparación de Metodologías de Predicción de Cruzamientos en Trigo

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 33

Nombre de la institución promotora: Asociación Latinoamericana de Genética, Sociedad Uruguaya de Genética, Sociedad Argentina de Genética, Sociedad de Genética de Chile Palabras Clave: Trigo

Predicción genómica Predicción de cruzamientos

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / Mejoramiento genético

1° Congreso Argentino de Estadística (2015)

Congreso

Modelos Mixtos en Mejoramiento Genético Vegetal

Argentina

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 24

Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Estadística Palabras Clave: Selección genómica Modelos Mixtos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad / Estadística genética

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Tecnología GM, clonación de ganado, selección asistida, diagnósticos, etc. / selección genómica

International Wheat Conference (2015)

Simposio

Genomic Selection in Wheat Breeding Program Modelling Genotype by Environment Interaction Using Mixed Models

Australia

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 2 Palabras Clave: Selección genómica Trigo

No se concurrió al evento solo se presentó el trabajo por uno de los co-autores que si concurrió

Seminario Internacional de Trigo (2014)

Seminario

Herramientas utilizadas y avances en mejoramiento molecular en el Programa de Mejoramiento Genético de Trigo de INIA Uruguay

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 24

Nombre de la institución promotora: Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

Jornada de la Sociedad Uruguaya de Genética (2014)

Congreso

Predicciones de valores de cría genómicos en distintas poblaciones de trigo

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 8

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética Palabras Clave: Trigo

Areas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología Alimentaria / Mejoramiento genético

Jornada de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2014)

Congreso

Modelado de la Interacción Genotipo por Ambiente en Selección Genómica

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 24

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Biotecnología Agropecuaria / Biotecnología Agrícola y Biotecnología

Alimentaria / Mejoramiento genético

Se ganó un premio a mejor póster en dicha Jornada

Aumento de la competitividad de los sistemas productivos de papa y trigo en Sudamérica ante el cambio climático (2013)

Encuentro

Workshop

Argentina

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 16

Nombre de la institución promotora: Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria Palabras Clave: Selección genómica Gentipado por secuenciación

The 12th International Wheat Genetics Symposium (2013)

Simposio

Simposio internacional de genética en trigo

Japón

Tipo de participación: Poster Palabras Clave: Genome Wide Association Leaf Rust

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agricultura / Mejoramiento genético vegetal

Jornadas SBBM 2013 (2013)

Congreso

Jornada de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular en Facultad de Ciencias

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular Palabras Clave: Trigo Genotipado por Secuenciación

ALAG 2012 (2012)

Congreso

Congreso de Genética en Rosario

Argentina

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Sociedad Argentina de Genética Palabras Clave: Selección genómica Genotipado por Secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agricultura / Mejoramiento genético vegetal

VI Jornada de Biotecnología INIA (2012)

Seminario

Jornada de Biotecnología de INIA

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Nombre de la institución promotora: Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria Palabras Clave: Selección genómica Trigo

Áreas de conocimiento:

Ciencias Agrícolas / Agricultura, Silvicultura y Pesca / Agricultura / Mejoramiento genético vegetal

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Explorando la respuesta fenotípica y la arquitectura genética de la resistencia a la Marchitez Bacteriana en parientes silvestres de papa de Uruguay por estudios de mapeo asociativo (GWAS).

(2024)

Candidato: Nicolás Nuñez

Tipo Jurado: Tesis de Maestría

LADO B., Paula Altesor

Maestría en Ciencias Agrarias / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

EFFECTOS DE LA DENSIDAD DE SIEMBRA SOBRE EL DESARROLLO Y RENDIMIENTO DEL CULTIVO DE CANNABIS PARA FLOR MEDICINAL (2023)

Candidato: Antonela Fernández y Javier Antúnez

Tipo Jurado: Pregrado

LADO B., MUNKA, M., Guillermo Carlos SIRI PRIETO, Arias-Sibillotte, M.

Carrera de ingeniería Agronómica / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

EVALUACIÓN DE ESTRATEGIAS PARA SELECCIÓN TEMPRANA DE LÍNEAS DE ARROZ PROGRAMA DE MEJORAMIENTO DE ARROZ DE INIA (2022)

Candidato: Sheila Melina Sheffel

Tipo Jurado: Tesis de Maestría

LADO B., CASTRO, ARIEL JULIO, PABLO GONZÁLEZ BARRIOS, Fernando PEREZ DE VIDA, ROSAS JE

Maestría en Ciencias Agrarias - Bioestadística / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

CARACTERIZACIÓN Y PREDICCIÓN DE LA INTERACCION GENOTIPO POR AMBIENTE DEL RENDIMIENTO EN EL PROGRAMA DE MEJORAMIENTO DE ARROZ DE INIA (2022)

Candidato: María Ines Rebollo

Tipo Jurado: Tesis de Maestría

LADO B., PABLO GONZÁLEZ BARRIOS, Lucía GUTTIÉRREZ CHACÓN, ROSAS JE

Maestría en Ciencias Agrarias - Bioestadística / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Agronomía / Uruguay

País: Uruguay

Idioma: Español

Optimization of wheat breeding schemes: contribution of genomic predictions and correlated traits (2020)

Candidato: Sarah BEN SADOON

Tipo Jurado: Tesis de Doctorado

LADO B., Jacques LE GOUIS, Mathilde CAUSSE, Laurence MOREAU, Leopoldo SANCHEZ-RODRIGUEZ, Julie BOUDET, Pascal CROISEAU, Gilles CHARMET, Sophie BOUCHET

Docteur d'Université Spécialité : Biologie végétale / Sector Extranjero/Internacional/Otros / Institución Extranjera / Université Clermont Auvergne / Francia

País: Francia

Idioma: Inglés

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

Se participó de la organización del curso de posgrado en ciencias agrarias "Tucson Plant Breeding Institute in Uruguay" del 19 al 23 de marzo 2018, Punta del Este, Uruguay. Esto implicó presentar convocatorias para conseguir fondos, así como organización de la logística para traer al profesor y conseguir locación para el curso.

Desde el 2019 hasta la actualidad participo de la comisión de investigación asesora del consejo de Facultad de Agronomía.

Desde 2017 al 2020 integré la directiva de la Asociación de Docentes de Facultad de Agronomía (ADUR-Agronomía).

En 2021 integré un grupo de trabajo, Condiciones Laborales de ADUR-Agronomía

Desde 2022- a la actualidad integro la comisión tecnico departamental (CTD) del departamento de Biometría, Estadística y Computación (DBEC) de Facultad de Agronomía.

Información adicional

Indicadores de producción

ACTIVIDADES	29
Proyectos Investigación Desarrollo	13
Docencia	10
Extensión	1
Pasantía	3
Otra Actividad Técnica	2
PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	26
Artículos publicados en revistas científicas	11
Completo	11
Artículos aceptados para publicación en revistas científicas	1
Completo	1
Trabajos en eventos	14
EVALUACIONES	15
Evaluación de proyectos	2
Evaluación de publicaciones	10
Jurado de tesis	3
FORMACIÓN RRHH	8
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	7
Tesis/Monografía de grado	3
Tesis de maestría	3
Iniciación a la investigación	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	1
Tesis de doctorado	1