



JAVIER CALVELO
COMESAÑA

Dr.

calveloj@oregonstate.edu
990 NW Spruce Ave
4582724646

SNI

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas
Categorización actual: Inicial (Asociado)

Fecha de publicación: 13/12/2025
Última actualización: 13/12/2025

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Medicina / Instituto de Higiene / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Oregon State University / Sector Extranjero/Internacional/Otros / Integrative Biology

Dirección: Cordley Hall, 2701 SW Campus Way, Corvallis / 97331

País: Estados Unidos / Corvallis / Oregon

Teléfono: 5417372993 / 1

Correo electrónico/Sitio Web: calveloj@oregonstate.edu

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2018 - 2024)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Identificación, análisis y perspectivas evolutivas del SL transplicing en gusanos platelmintos

Tutor/es: Dr. Héctor Musto, Dr. Andrés Iriarte y Dr. Uriel Koziol

Descripción del título obtenido: Doctor en Ciencias Biológicas

Obtención del título: 2024

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Palabras Clave: Platelmintos Spliced-Leader Trans-Splicing Hymenolepis microstoma

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Transcriptómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas /

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2015 - 2017)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Ensamblado del transcriptoma branquial del Pejerrey y búsqueda de selección positiva a nivel molecular en Actinopterygii: aportes al estudio de la osmorregulación en peces.

Tutor/es: Alejandro D'Anatro Gómez; Matías Feijoo; Enrique P. Lessa

Obtención del título: 2017

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Palabras Clave: Transcriptómica Osmorregulación Actinopterygii Next Generation Sequencing

Odontesthes argentinensis Selección Natural

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2008 - 2014)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Filogeografía de Micropogonias furnieri según loci funcionales: El rol de las aquaporinas en la adaptación a diferentes regímenes salinos

Tutor/es: Alejandro D Anatro

Obtención del título: 2014

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Palabras Clave: filogeografía Microporinas furnieri aquaporinas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Filogeografía

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Human Genome Tour 2016: from NGS Technologies to Evolutionary and Medical Genomics (01/2016 - 01/2016)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

108 horas

Palabras Clave: Next Generation Sequencing Genoma humano Genómica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

GENOMICA (2015-2016) (01/2015 - 01/2016)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

60 horas

Palabras Clave: Genómica Secuenciación Masiva

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Statistics and R for the Life Sciences (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Harvard University , Estados Unidos

24 horas

Palabras Clave: Estadística R Project

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad /

Tópicos en Filogeografía (01/2015 - 01/2015)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Centro Universitario Rivera , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: filogeografía Genética de poblaciones

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática / Filogeografía

Filogenia Molecular Inferencia y Aplic. (01/2015 - 01/2015)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / UDELAR - Dirección General de Relaciones y Cooperación , Uruguay

40 horas

Palabras Clave: EVOLUCION Filogenia

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Filogenia

Ecología General C 2011 (PEDECIBA) (01/2015 - 01/2015)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Palabras Clave: Ecología

Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología /

Programación Estructura de Datos y Algoritmos (01/2014 - 01/2014)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / UDELAR - Dirección General de Relaciones y Cooperación, Uruguay
40 horas
Palabras Clave: Python Programación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Historia del Concepto de Gen (01/2014 - 01/2014)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay
20 horas
Palabras Clave: Historia de la Ciencia Genética
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Probabilidad y estadística (01/2014 - 01/2014)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay
Palabras Clave: Estadística Probabilidad
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Matemáticas / Estadística y Probabilidad /

Introducción a la Panbiogeografía (01/2013 - 01/2013)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias, Uruguay
20 horas
Palabras Clave: Panbiogeografía Biogeografía
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biogeografía

Idiomas

Portugués

Entiende bien / Habla regular / Lee bien / Escribe regular

Inglés

Entiende bien / Habla regular / Lee muy bien / Escribe regular

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genómica

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Transcriptómica

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Actuación profesional

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ESTADOS UNIDOS

Oregon State University / Integrative Biology

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (09/2024 - a la fecha)

Postdoc 40 horas semanales

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Medicina / Instituto de Higiene

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN**Funcionario/Empleado (12/2021 - 09/2024)** Trabajo relevante

Asistente del Laboratorio de Desarrollo Biotecnológico y División Producción del Inst. Higiene 24 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (07/2020 - 03/2021)

Docente Asistente 10 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (05/2019 - 12/2019)

Nivel 2 20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

ACTIVIDADES**LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN****ANII:FCE-2016: Evolución de familias multigénicas codificantes para proteínas de secreción en el phylum Platyhelminthes. (03/2018 - a la fecha)**

Los platelmintos parásitos presentan generalmente ciclos complejos, involucrando hospedadores variados, incluyendo humanos y especies ganaderas y por esto tienen gran impacto en salud humana y animal. Ejemplos de especies de este grupo son: *Echinococcus granulosus*, *Schistosoma mansoni* y *Fasciola hepatica*, entre otros. Estos organismos han sido estudiados profundamente en su biología, pero en términos relativos a su impacto faltaría mucho por hacer. Las aproximaciones genómicas y computacionales han jugado un rol fundamental para seguir la investigación a bajo costo. Actualmente existen genomas de varias especies que se encuentran disponibles y también hay información sobre el nivel de expresión de los genes. El estudio de los genomas ha confirmado que la duplicación es un mecanismo evolutivo poderoso, generador de materia prima para la adquisición de nuevas funciones en la célula. En muchos casos se ha probado que el propio aumento de copias en una familia de genes es el resultado de un proceso adaptativo. Los resultados preliminares sugieren un rol importante de la selección natural en la evolución de los ciclos complejos en muchos platelmintos y especialmente en algunos genes codificantes para proteínas de secreción exocrinas. Mediante una aproximación genómica comparativa y funcional, se propone identificar genes y familias involucrados en el proceso adaptativo en los diferentes estadios del ciclo de distintas especies (incluyendo aspectos relacionados al nicho y a sus hospedadores intermediarios y finales) y cuantificar el efecto de la selección natural operando a nivel de secuencias y sobre el proceso de duplicación en distintos linajes del phylum.

Mixta

20 horas semanales , Integrante del equipo

Equipo: Andrés IRIARTE ODINI , Javier Calvelo Comesaña

Palabras clave: Cestoda Trematoda Parásitos Candidatos vacunales Proteínas excretadas Péptidos Antimicrobianos Genómica Comparativa Funcional

CSIC:I+D 2018: Estudio de asociación del genoma completo (GWAS) en E. coli: una aproximación original en la búsqueda de marcadores genéticos asociados al patotipo productor de la toxina Shiga (STEC). (05/2019 - 12/2019)

Por cambios genéticos ciertas cepas de E. coli han dejado de ser comensales para pasar a ser

patógenos. De acuerdo a los mecanismos patogénicos involucrados se reconocen distintos patotipos, uno de ellos es el STEC, patotipo productor de toxinas Shiga (Stxs). Las infecciones por STEC ocurren a cualquier edad pero en niños menores de cinco años pueden llegar a producir procesos severos como colitis hemorrágica (CH) o síndrome urémico hemolítico (SUH), el cual puede ser mortal en la etapa aguda o dejar secuelas a largo plazo. No hay tratamiento específico para la infección por STEC en seres humanos e incluso el uso de algunos antibióticos durante la fase diarreica puede aumentar las chances de desarrollar complicaciones severas como SUH o PPT, Es así que la estrategia más efectiva hasta el momento es la prevención de la infección. Por otro lado, la presencia de STEC en carnes uruguayas destinadas a la exportación a mercados como el europeo, constituye una importante causa de alertas e incluso ha generado rechazos de los productos que se traducen en pérdidas económicas muy significativas importantes. En ambos casos el diagnóstico de la presencia de este patógeno es fundamental. Según los métodos validados y utilizados, ya sea en la clínica, en alimentos y en ganado, se presenta la problemática de que se debe asegurar la presencia únicamente de los genes stx y eae para así establecer la capacidad patogénica de la cepa. Sin embargo, recientemente se han comenzado a identificar, a nivel mundial, cepas stx positivas y eae negativas que tienen la capacidad patogénica, por lo tanto pensar solo en estos genes a la hora de realizar un screening tiene claras desventajas para evaluar la capacidad patogénica potencial de los cultivos involucrados. En este proyecto se propone una estrategia basada en análisis in-silico para la detección de marcadores genéticos asociados al patotipo STEC. Se implementará la técnica GWAS sobre genomas libremente disponibles, buscando marcadores que estén asociados con: 1) el patotipo STEC y 2) el fenotipo STEC invasivo. Se estimará un nivel de confianza de la asociación, un nivel de confianza para la predicción del patotipo en base a la combinación de múltiples marcadores y se identificarán linajes mayormente asociados a las características. La aproximación propuesta en este proyecto incluye además la búsqueda de marcadores en las regiones regulatorias, ARNs no codificantes pequeños y otros marcadores, que a pesar de ser irrelevantes para la patogenicidad y virulencia en patógenos bacterianos no son muy estudiados. Finalmente utilizando un banco de cepas locales y mediante la secuenciación de genomas completos y/o amplificación/secuenciación de regiones identificadas se procederá a validar las predicciones en cepas aisladas de Uruguay.

20 horas semanales , Integrante del equipo
Equipo: Andrés IRIARTE ODINI , Javier Calvelo Comesaña
Palabras clave: Escherichia coli Gwas Toxina Shiga (STEC)

DOCENCIA

Ciclo básico clínico comunitario 6. (CBCC6) (10/2022 - a la fecha)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Talleres CBCC6, 8 horas, Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (08/2018 - 02/2020)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Introducción a la línea de comandos y a la programación para análisis bioinformáticos, 60 horas,
Teórico-Práctico
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Genómica y Bioinformática

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Becario (06/2019 - 08/2024) Trabajo relevante

30 horas semanales
Beca de Doctorado: POS_NAC_2018_1_151170

Becario (03/2015 - 12/2017)

20 horas semanales
Beca de maestría ANII: POS_NAC_2014_1_102790

Escalafón: Docente

Otro (11/2016 - 12/2016)

Ayudante 20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Becario (03/2013 - 03/2014)

20 horas semanales

Beca: INI_X_2012_1_4207.

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Biología (11/2016 - 12/2016)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Genómica, 20 horas, Teórico-Práctico

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - MINISTERIO DE EDUCACIÓN Y CULTURA - URUGUAY

Dirección de Ciencia y Tecnología / IIBCE

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (09/2018 - 12/2018)

Iniciación a la Investigación 20 horas semanales

ACTIVIDADES

EXTENSIÓN

Pasantía en Neurociencias para estudiantes de secundaria (ANEP-PEDECIBA) (11/2018 - 11/2018)

8 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Difusión de las Ciencias

Taller Teórico Práctico en Neurociencias - Liceo N°63 (09/2018 - 10/2018)

ANEP-PEDECIBA 4 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Difusión de las Ciencias

SECTOR ENSEÑANZA TÉCNICO-PROFESIONAL/SECUNDARIA/PRIVADO - EDUCACIÓN PRIMARIA Y SECUNDARIA PRIVADA - URUGUAY

Colegio y Liceo Clara Jackson de Heber

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (08/2017 - 12/2017) Trabajo relevante

Docente 6 horas semanales

Curso de Sexto de Medicina en el marco del programa Extra edad.

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Sexto de Medicina - Libre asistido (08/2017 - 12/2017)

Secundario

Responsable

Asignaturas:

Sexto de Medicina - Bachillerato Extraedad, 90 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Curso Bachillerato

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: Sin horas

Carga horaria de investigación: 40 horas

Carga horaria de formación RRHH: Sin horas

Carga horaria de extensión: Sin horas

Carga horaria de gestión: Sin horas

Producción científica/tecnológica

La clave para el tratamiento y prevención de enfermedades parasitarias radica en entender profundamente la biología del patógeno. Ya sean cuestiones generales a gran escala ¿Cómo, cuándo y dónde se reproduce? ¿Cuál es su ciclo de vida? ¿Cómo alcanza a infectar a los humanos y otras especies de interés económico? a las más concretas y específicas como ¿cuales son los mejores blancos fisiológicos para drogas?

Mi trabajo se centra en el uso de aproximaciones genómicas y transcriptomas para mejorar nuestra comprensión de la biología de platelmintos y sus vectores de transmisión.

En particular cabe destacar:

- 1) Desarrollo de una herramienta para la detección de nuevos SLs (SLFinder). La cual puede ser aplicada a cualquier especie de la que se disponga de datos genómicos y transcriptómicos.
- 2) Colaboración en el estudio de los cambios de expresión genética asociados con tres estadios del ciclo de vida de *Hymenolepis microstoma*.
- 3) Caracterización y estudio de los SL-RNA en *H. microstoma*, sus genes aceptores y su importancia para la anotación precisa de genomas platelmintos.
- 4) Análisis de los SL-RNA presentes en Platelmintos Cestodos y Trematodos. (Investigación en cruso)
- 5) Colaboración en la anotación del genoma y transcriptoma del caracol *Biomphalaria sudanica*, un importante vector de la esquistosomiasis.
- 6) Re-anotación de regiones asociadas con la resistencia a *Schistosoma mansoni* en el caracol *B. glabrata*.

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Evolution of SL-RNA Genes and Their Splicing Targets in Parasitic Flatworms (Completo, 2025) Trabajo relevante

JAVIER CALVELO, MUSTO H, URIEL KOZIOL, IRIARTE A.

Molecular Biology and Evolution, v.: 42 11, 2025

Palabras clave: Spliced leader trans-splicing operons comparative genomics of platyhelminthes cestodes concerted evolution

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Transcriptómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 07374038

E-ISSN: 15371719

DOI: <https://doi.org/10.1093/molbev/msaf228>

WEB OF SCIENCE™ Scopus 

The genome and transcriptome of the snail *Biomphalaria sudanica* s.l.: immune gene diversification and highly polymorphic genomic regions in an important African vector of *Schistosoma mansoni* (Completo, 2024) Trabajo relevante

Penance T, Calvelo J, Tennesen JA, Burd R, Cayton J, Bollmann SR, Blouin MS, Spaan JM, Hoffmann FG, Ogara G, Rawago F, Andiego K, Mulonga B, Odhiambo M, Loker ES, Laidemitt MR, Lu L, IRIARTE A., Odiere M, Steinauer ML

BMC Genomics, v.: 25 p.:192 2024

Palabras clave: *Biomphalaria sudanica* *Biomphalaria choanomphala* Schistosomiasis Snail vector De novo genome assembly Polymorphism Immunogenetics Gene family evolution Balancing selection Pathogen recognition

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genómica

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 14712164

DOI: <https://doi.org/10.1186/s12864-024-10103-w>

<https://bmcgenomics.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12864-024-10103-w>

WEB OF SCIENCE® Scopus®

Trans-splicing in the cestode *Hymenolepis microstoma* is constitutive across the life cycle and depends on gene structure and composition (Completo, 2023) Trabajo relevante

JAVIER CALVELO, IRIARTE A., URIEL KOZIOL, KLAUS BREHM

International Journal for Parasitology, v.: 53 02, p.:103 - 117, 2023

Palabras clave: Spliced Leader Trans-splicing *Hymenolepis microstoma*

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Transcriptómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 00207519

DOI: <https://doi.org/10.1016/j.ijpara.2022.11.006>

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0020751923000012?via%3Dihub>

En este trabajo se analizó en profundidad el complemento de SL-RNAs en *Hymenolepis microstoma*. Además de identificar un nuevo SL-RNA, se identificaron aproximadamente 600 genes aceptores, su organización y la dinámica de cis-splicing en torno al sitio específico de inserción.

Scopus®

Stage-specific transcriptomic analysis of the model cestode *Hymenolepis microstoma* (Completo, 2021)

Preza, M., Calvelo, J., Langleib, M., Hoffmann, F., Castillo, E., Koziol, U., Iriarte, A

Genomics, v.: 133 2, p.:620 - 632, 2021

Palabras clave: Antigen B Flatworms functional genomics Gene family evolution RNA-seq Tapeworm

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Parasitología

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 08887543

E-ISSN: 10898646

DOI: [10.1016/j.ygeno.2021.01.005](https://doi.org/10.1016/j.ygeno.2021.01.005)

<https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0888754321000318>

Estudio del perfil de expresión genética asociado con sus distintos ciclos de vida.

Scopus®

Mitochondrial genome architecture and phylogenetic relationships of *Odontesthes argentinensis* within *Atherinomorpha* (Completo, 2021)

JAVIER CALVELO, D'Anatro, A.

Genetica, v.: 149 2, p.:129 - 141, 2021

Palabras clave: *Atherinomorpha* Pejerrey Phylogeny Silversides Transcriptomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genómica

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 15736857

DOI: [10.1007/s10709-021-00116-8](https://doi.org/10.1007/s10709-021-00116-8)

Secuenciación y anotación del genoma mitocondrial de *Odontesthes argentinensis*

Scopus®

Real and Virtual Biological Science Living Laboratory for Science Teachers? formation: promoting global scientific literacy and critical thinking for sustainable development. (Completo, 2020)

CASTELLO, M.E. , PELLERINO, V. , ARGENTE, D. , GÓMEZ-MARQUÉZ, J. , GAUDENZ, U. , RANDALL, G. , PEREIRA, A.C. , ALONSO, S. , CALVELO, J. , YOUNG, A. , ACOSTA, F. , ALBARRÁN, N. , GIMENEZ, M. , SEDRASCHI, P. , UMPIÉRREZ, M. , Figares, M , REHERMANN, M.I.

EPIc Series in Education Science, v.: 3 p.:27 - 34, 2020

Palabras clave: BYOD DIWO Critical Thinking DIY Virtual Reality

Areas de conocimiento:

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades / Enseñanza

E-ISSN: 25162306

DOI: [10.29007/72c2](https://doi.org/10.29007/72c2)

<https://easychair.org/publications/paper/Qp5B>

Pruebas de nuevas técnicas de enseñanza

SLFinder, a pipeline for the novel identification of splice-leader sequences: a good enough solution for a complex problem (Completo, 2020) Trabajo relevante

J. CALVELO , H. JUAN , MUSTO H , U. KOZIOL , IRIARTE A.

BMC Bioinformatics, 2020

Palabras clave: SL trans-splicing De novo assembly RNAseq data

E-ISSN: 14712105

DOI: <https://doi.org/10.1186/s12859-020-03610-6>

Pipeline para la identificación de nuevas secuencias SLs a partir de datos ARN por secuenciación masiva

Scopus'

De-novo assembly and transcriptome analysis of *Odontesthes argentinensis* gill tissue, with development of single sequence repeat markers (Completo, 2018) Trabajo relevante

JAVIER CALVELO , FEIJOO M. , GIORELLO FM , D'Anatro, A.

Gene Reports, v.: 11 p.:220 - 228, 2018

Palabras clave: Fish Silverside RNA-Seq De novo assembly Functional annotation Gene expression Microsatellites SNPs

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Transcriptómica

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 24520144

DOI: <https://doi.org/10.1016/j.genrep.2018.04.002>

Secuenciación, ensamblado y anotación del transcriptoma de *Odontesthes argentinensis*. Una especie de interés económico para las pesquerías nacionales

WEB OF SCIENCE™ Scopus'

Otros datos relevantes

PRESENTACIONES EN EVENTOS

SMBE Satellite Meeting (2022)

Congreso

Presentación de resultados preliminares en el estudio de SL-RNAs en Trematodos y Cestodos Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 32 Palabras Clave: SL Trans-Splicing

Pasantía en Lab. Dra Michelle (WesternU). OREGON. EEUU. (2022)

Otra

Pasantía de corta duración en el extranjero

Estados Unidos

Tipo de participación: Otros

Nombre de la institución promotora: Western University of Health Sciences Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Parasitología y Bioinformática

Introducción al mantenimiento de *Schistosoma mansoni* en el laboratorio (ciclo completo)

IV Congreso Uruguayo de Zoología (2016)

Congreso
Cuarto Congreso de Zoología
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 1
Nombre de la institución promotora: Sociedad Zoológica del Uruguay Palabras Clave:
Transcriptómica *Odontesthes argentinensis*
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / RNaseq
Trabajo presentado: "Ensamblado de novo del transcriptoma branquial de *Odontesthes argentinensis*."

IV Congreso Uruguayo de Zoología (2016)

Congreso
Cuarto Congreso de Zoología
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 1
Nombre de la institución promotora: Sociedad Zoológica del Uruguay Palabras Clave: Genética de poblaciones *Iheringichthys labrosus*
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Filogeografía
Trabajo presentado: "Análisis de la estructura poblacional de *Iheringichthys labrosus* en la cuenca baja del Río Uruguay utilizando dos marcadores moleculares"

III Congreso Uruguayo de Zoología (2014)

Congreso
Tercer Congreso de Zoología
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 1
Nombre de la institución promotora: Sociedad Zoológica del Uruguay Palabras Clave: Genética de poblaciones *Iheringichthys labrosus* Río Uruguay
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Filogeografía
Trabajo presentado: "Análisis de la estructura poblacional de *Iheringichthys labrosus* Lütken 1874 (Siluriformes, Pimelodidae) en la cuenca baja del río Uruguay."

Evolución: Procesos y Herramientas de Análisis (2014)

Taller
Taller de Formación Permanente para Docentes de Secundaria
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 24
Nombre de la institución promotora: Consejo Directivo Central. Consejo de Formación en Educación - Instituto de Profesores Artigas Palabras Clave: HERRAMIENTAS DE ANALISIS EVOLUCION BIOLOGIA
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética

III Congreso Uruguayo de Zoología (2014)

Congreso
Tercer Congreso de Zoología
Uruguay
Tipo de participación: Expositor oral
Carga horaria: 1
Nombre de la institución promotora: Sociedad Zoológica del Uruguay Palabras Clave: filogeografía *Micropogonias furnieri* Selección Natural
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Filogeografía

Trabajo presentado: "Filogeografía de *Micropogonias furnieri* (Perciformes: Scianidae) según loci funcionales: el rol de las acuaporinas en la adaptación a diferentes regímenes salinos."

Información adicional

Indicadores de producción

ACTIVIDADES	8
Líneas de investigación	2
Docencia	4
Extensión	2
PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	8
Artículos publicados en revistas científicas	8
Completo	8