



CLAUDIA ALEXANDRA
TECHERA RAMÍREZ

Doctora en Ciencias
Biológicas



ctechera@fcien.edu.uy
Igúa 4225 CP 11400
25258618-141

SNI

Ciencias Naturales y Exactas /
Ciencias Biológicas
Categorización actual: Iniciación (Activo)

Fecha de publicación: 01/06/2026
Última actualización: 09/03/2026

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sector Educación Superior/Público

Dirección: Igúa 4225 / 11400

País: Uruguay / Montevideo / Montevideo

Teléfono: (11400) 25258618 / 141

Correo electrónico/Sitio Web: ctechera@fcien.edu.uy

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2018 - 2025)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Virus inmunosupresores aviáres: caracterización genómica y patogénica del virus de Gumboro y su relación con el virus de la anemia infecciosa aviar y el virus de Marek

Tutor/es: Ana Marandino

Obtención del título: 2025

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Universidad de la República / Comisión Académica de Posgrado , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Viral

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2015 - 2018)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias, Sección Genética Evolutiva , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Diagnóstico, caracterización genética y análisis evolutivo de las cepas del virus de la anemia infecciosa aviar presentes en la industria avícola del Uruguay.

Tutor/es: Ruben Pérez Crossa

Obtención del título: 2018

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Viral

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2005 - 2014)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Diagnóstico y caracterización genética del virus de la anemia infecciosa aviar en la industria avícola uruguaya.

Tutor/es: Ana Marandino

Obtención del título: 2014

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Viral

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Entrenamiento para la preparación de librerías y secuenciación Illumina Microbial Amplicon Prep (IMAP) kit de Illumina (03/2024 - 03/2024)

Sector Empresas/Privado / Empresa Privada / Biko- Illumina , Uruguay

15 horas

Palabras Clave: Sector Empresas/Privado / Empresa Privada / Biko- IlluminaUruguay

Herramientas de patología aviar para el diagnóstico de enfermedades de pollos parrilleros, gallinas ponedoras y reproductoras. (06/2022 - 06/2022)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Veterinaria , Uruguay

45 horas

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética Viral

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY

Área Biología (PEDECIBA)

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (07/2025 - a la fecha)

Investigadora Grado 3 PEDECIBA 20 horas semanales

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (07/2021 - a la fecha) Trabajo relevante

30 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Efectivo

Becario (03/2022 - 03/2023)

30 horas semanales

Beca de Finalización CAP

Funcionario/Empleado (05/2019 - 07/2021) Trabajo relevante

20 horas semanales

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Becario (03/2019 - 03/2021)

30 horas semanales
Beca de Doctorado ANII

Becario (04/2016 - 04/2018)

30 horas semanales
Beca de Maestría ANII

Funcionario/Empleado (02/2014 - 02/2017) Trabajo relevante

Ayudante por proyecto INIA FPTA 141 20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (10/2016 - 12/2016)

20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (09/2015 - 12/2015)

20 horas semanales
Escalafón: Docente
Grado: Grado 1
Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Diagnóstico y caracterización molecular de enfermedades aviarias (03/2014 - a la fecha)

La línea de Investigación está centrada en el desarrollo y aplicación de metodologías de diagnóstico y caracterización genética y genómica de virus que afectan a aves de corral
40 horas semanales , Integrante del equipo
Equipo: TECHERA C , PÉREZ R , TOMÁS, G , MARANDINO A , Joaquin Williman
Palabras clave: Diagnóstico y caracterización genómica
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética viral

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Producción Familiar - Avicultura: Mejoramiento de las capacidades diagnósticas del laboratorio oficial en avicultura y evaluación de las medidas de bioseguridad aplicadas en las cadenas integradas de carne aviar y de postura del Uruguay. (12/2025 - a la fecha)

Este proyecto tiene como objetivo fortalecer la sanidad aviar en Uruguay mediante el desarrollo de herramientas modernas para el diagnóstico y la caracterización de virus que afectan la producción. Incluye metodologías de PCR en tiempo real y técnicas de secuenciación parcial y completa, que serán implementadas en DILAVE y en laboratorios académicos, ampliando la capacidad nacional para identificar y caracterizar variantes virales. Además, se trabajará en la mejora de la evaluación de bioseguridad en granjas avícolas, integrando datos sanitarios, productivos y de manejo para orientar decisiones y optimizar el control de enfermedades. La iniciativa articula gremiales, instituciones académicas y el sector productivo para impulsar el crecimiento competitivo de la avicultura nacional. Aprobación noviembre 2025, inicio de proyecto Abril 2026.

5 horas semanales
Integrante del Equipo
Financiación:

INIA, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: TECHERA C , TOMÁS, G , S. BRAMBILLASCA , GIL M , MOLINELLI A , Carlos Daniel Gornatti-Churria , Federico Stanham , RUSSI V , BERTALMIO M , LUENGO L , MONTALDO N , BASSETTI L , PEREZ R , NEGRO R , MARANDINO A , PÉREZ R , S. Rodríguez (Responsable)

Vigilancia genómica de virus con relevancia sanitaria en la industria avícola. (12/2025 - a la fecha)

En este proyecto FCE se estudiará la variabilidad genética y la evolución de los principales virus inmunosupresores que afectan a la avicultura uruguaya, incluyendo el virus de Gumboro, el virus de la anemia infecciosa aviar, el virus de Marek y adenovirus aviarios. A partir de muestras de aves comerciales, se generarán datos genómicos actualizados mediante PCR en tiempo real, métodos de enriquecimiento viral y secuenciación masiva. Se obtendrán genomas parciales o completos que serán comparados con secuencias internacionales para identificar relaciones filogenéticas, recombinación, reordenamientos y divergencia con cepas vacunales. Los resultados aportarán información clave para comprender la dinámica evolutiva de estos virus en el país y fortalecer las estrategias de vigilancia, prevención y control en la producción avícola. Aprobación diciembre 2025, inicio de proyecto Marzo 2026.

15 horas semanales

Coordinador o Responsable

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TOMÁS, G (Responsable), TECHERA C (Responsable), PÉREZ R, Joaquin Williman, S. BRAMBILLASCA, MARANDINO A, GORNATTI D

Análisis del viroma intestinal en pollos parrilleros de la industria avícola uruguaya (03/2025 - a la fecha)

Este proyecto se centra en la aplicación de tecnología de secuenciación masiva para obtener información sobre las comunidades virales presentes en pollos parrilleros con y sin patologías entéricas. Proyecto CSIC I+D. Responsables: Gonzalo Tomás y Ana Marandino.

5 horas semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Equipo: TECHERA C, MARANDINO A (Responsable), TOMÁS, G (Responsable), PÉREZ R, PANZERA, Y., CALLEROS L, S. BRAMBILLASCA, Fuques E.

Caracterización genómica de coronavirus en animales de producción (06/2024 - a la fecha)

El presente proyecto FMV-ANII propone realizar la caracterización genómica del coronavirus que afecta las aves comerciales (IBV), el ganado vacuno (BCoV), así como de los coronavirus que infectan a los cerdos (TGEV, PRCV, PEDV, SADS CoV, PHEV y PDCoV).

5 horas semanales

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C, MARANDINO A (Responsable), PÉREZ R, Joaquin Williman, TOMÁS, G, Castells M, MIRAZO, S.

Palabras clave: Coronavirus Producción Evolución genómica

Control del virus de la bronquitis infecciosa aviar: evaluación de cepas atenuadas de las principales variantes sudamericanas. (03/2021 - 09/2024)

Proyecto en el que se evaluarán cepas atenuadas de IBV desarrolladas en nuestro laboratorio.

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C, MARANDINO A (Responsable), TOMÁS, G, PÉREZ R, VAGNOZZI A

Optimización y transferencia de tecnologías de secuenciación masiva para la identificación y caracterización genómica de la comunidad de virus respiratorios humanos durante la pandemia de

SARS-CoV-2. (07/2020 - 07/2022)

Proyecto Manuel Pérez que financió la optimización y transferencia de tecnologías de secuenciación masiva para la identificación y caracterización genómica de la comunidad de virus respiratorios humanos durante la pandemia de SARS- CoV-2. Este proyecto contó con la transferencia de tecnologías de secuenciación masiva para la identificación y caracterización genómica de SARS-CoV-2 al Departamento de Laboratorios de Salud Pública (DLSP, División Epidemiología, Ministerio de Salud Pública) en la cual participé. Actualmente los investigadores del DLSP están aplicando esta metodología para analizar los genomas de las cepas de SARS-CoV-2 circulantes en Uruguay.

5 horas semanales

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Doctorado:1

Equipo: TECHERA C , PANZERA, Y. (Responsable) , PÉREZ R (Responsable) , GRECCO S. , CALLEROS L , MARANDINO A , TOMÁS, G

Determinación de la circulación de coronavirus (SARS-CoV-2) en perros y gatos de la ciudad de Montevideo cuyos tutores sean COVID 19 negativos o positivos. (05/2020 - 02/2021)

Proyecto CSIC - Conocimiento especializado para enfrentar la emergencia planteada por el COVID 19 y sus impactos (LLAMADO 2020). Determinar la circulación de coronavirus (SARS CoV2) en perros y gatos de la ciudad de Montevideo, a través de estudios serológicos y moleculares.

5 horas semanales

Sección Genética Evolutiva

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C , GRECCO S. , PANZERA, Y. (Responsable) , BENECH A (Responsable) , MIRAZO, S.

Palabras clave: Facultad de Ciencias Facultad de Veterinaria

Control del virus de la enfermedad infecciosa de la bursa: patogenicidad y protección vacunal de las cepas circulantes en la industria avícola regional (04/2018 - 12/2020)

En el presente proyecto se realizará un análisis de la patogenicidad y protección vacunal de la cepa distinta del virus de Gumboro predominante en la región . El análisis de patogenicidad permitirá evaluar y medir el grado de daños provocados por el virus en las aves. Posteriormente se realizará un ensayo de protección vacunal mediante el desafío con virus de cepa distinta en pollos SPF (libres de patógenos específicos) previamente inoculados con las vacunas comerciales de mayor circulación. El nivel de protección se determinará comparando los daños provocados por el virus en pollos no vacunados y vacunados utilizando metodologías clásicas y moleculares de última generación. Este será el primer estudio en evaluar si vacunas comerciales protegen contra la infección de la cepa distinta, o si es necesario desarrollar nuevas vacunas para su control específico. La información obtenida será de utilidad en el diseño de planes de control de este patógeno y los resultados obtenidos tendrán un impacto notorio en la industria avícola regional.

30 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C , PÉREZ R (Responsable) , TOMÁS, G , MARANDINO A

Desarrollo de metodologías de secuenciación masiva aplicadas al diagnóstico y caracterización de patógenos en la avicultura industrial (03/2017 - 03/2019)

El objetivo del presente proyecto es desarrollar y estandarizar metodologías de diagnóstico y caracterización viral utilizando metodologías de secuenciación masiva de última generación (deep sequencing o NGS). Estas metodologías permiten la identificación y caracterización simultánea de

un gran número de patógenos mediante la obtención de múltiples secuencias de sus genomas. El proyecto se centrará en el diagnóstico y caracterización de virus aviares asociados a problemas respiratorios (Bronquitis, Influenza, Laringotraqueitis, Metapneumovirus y Newcastle) e inmunodepresivos (Anemia infecciosa, Gumboro y Marek). Este proyecto permitirá comenzar con el desarrollo e innovación en la aplicación de nuevos métodos de diagnóstico y caracterización de patógenos. La experiencia adquirida podrá aplicarse a otros patógenos, colaborando en el desarrollo tecnológico del país y en el incremento del conocimiento de los microorganismos que afectan la salud animal.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Maestría/Magister:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C , MARANDINO A , PÉREZ R (Responsable) , TOMÁS, G , VAGNOZZI A , HERNANDEZ M

Atenuación de dos cepas del virus de la bronquitis infecciosa aviar pertenecientes a los genotipos predominantes en Sudamérica: caracterización de los cambios genómicos asociados a la atenuación (04/2016 - 12/2017)

Proyecto Iniciación CSIC que tuvo como objetivo atenuar dos cepas de los principales linajes sudamericanos del virus de la Bronquitis Infecciosa Aviar a través de sucesivos pasajes en cavidad alantoidea de huevos embrionados, y analizar los cambios nucleotídicos y aminoacídicos asociados a esta atenuación.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C , MARANDINO A (Responsable) , PÉREZ R

Incorporación de técnicas moleculares y bioinformáticas en avicultura para la investigación epidemiológica y el diseño de estrategias de control y prevención de Gumboro y Bronquitis Infecciosa (03/2014 - 06/2017)

Proyecto financiado INIA-FPTA. Durante esta investigación se obtuvo información epidemiológica para el control de dos importantes patógenos aviares (IBV e IBDV) mediante el desarrollo y aplicación de herramientas de análisis (genéticas, serológica y bioinformáticas). Para determinar el escenario epidemiológico actual, las muestras fueron analizadas con métodos moleculares (RT PCR, secuenciación y PCR en Tiempo Real). La caracterización genética del virus de Gumboro indicó que las cepas uruguayas eran de un mismo linaje genético, que denominamos distinct. Los avances en la caracterización antigénica indican considerarse una nueva cepa, con un estatus taxonómico similar a las tres cepas que se describen tradicionalmente para el virus. Se desarrolló una metodología de PCR en Tiempo Real específica para la identificación y cuantificación de las cepas distinct. Para el virus de la bronquitis infecciosa pudimos establecer que en Uruguay circulan virus de dos linajes diferentes, aunque uno de ellos con bajísima frecuencia, que circulan en la industria avícola sudamericana. Desarrollamos metodologías de PCR en Tiempo Real específicas para su detección. Se desarrollaron también metodologías de análisis con secuenciación masiva (NGS), obteniendo los primeros genomas completos sudamericanos para bronquitis. Se estableció también que los linajes genéticos sudamericanos son diferentes antigénicamente, lo cual tiene impacto a nivel del control. Debido a que no existen aún vacunas para estos linajes, se evidencia la necesidad de continuar investigando para desarrollar nuevas vacunas que incluyan en su formulación cepas locales.

10 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

INIA, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C , PANZERA, Y. , TOMÁS, G , MARANDINO A , PÉREZ R (Responsable)

Epidemiología, control y prevención de Gumboro y Bonquitis (02/2014 - 02/2016)

Proyecto INIA FPTA 141

20 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Financiación:

INIA, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C , TOMÁS, G , PÉREZ R (Responsable)

Caracterización del genoma y análisis evolutivo de los virus de Gumboro circulantes en Uruguay (02/2014 - 02/2015)

Proyecto en donde se obtuvieron las secuencias genómicas de las cepas del virus de Gumboro circulantes en Uruguay y se realizaron análisis evolutivos.

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: TECHERA C , TOMÁS, G (Responsable) , PÉREZ R

DOCENCIA

Licenciatura en Biología (08/2021 - a la fecha)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Genética General, 20 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Biología (09/2025 - 11/2025)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Introducción a la Biología (Seminarios), 8 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (06/2025 - 07/2025)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

Viroma y Salud Animal: Análisis de la composición viral en muestras biológicas, 30 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Biología (07/2024 - 12/2024)

Grado

Asistente

Asignaturas:

Introducción a la Biología (Seminarios), 8 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (05/2024 - 06/2024)

Maestría

Asistente

Asignaturas:

Análisis de la microbiota cérvico-vaginal bovina utilizando amplicones del gen ribosomal 16S, 36 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Biología (07/2023 - 12/2023)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Introducción a la Biología (Seminarios), 8 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2023 - 06/2023)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Obtención y análisis de datos de secuencias de ácidos nucleicos utilizando protocolos de secuenciación de alto rendimiento (NGS), 38 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2023 - 05/2023)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Fundamentos y aplicaciones de la PCR en tiempo real, 32 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (03/2022 - 05/2022)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Obtención y análisis de datos de secuencias de ácidos nucleicos utilizando protocolos de secuenciación de alto rendimiento (NGS), 38 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Biología (07/2021 - 12/2021)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Introducción a la Biología (Seminarios), 8 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Ciencias Biológicas (05/2019 - 07/2021)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Genética General, 20 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2021 - 05/2021)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Obtención y análisis de datos de secuencias de ácidos nucleicos utilizando protocolos de secuenciación de alto rendimiento (NGS), 38 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2020 - 05/2020)

Maestría
Asistente
Asignaturas:
Obtención y análisis de datos de secuencias de ácidos nucleicos utilizando protocolos de secuenciación de alto rendimiento (NGS), 38 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Ciencias Biológicas (10/2016 - 12/2016)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Genética General, 20 horas, Teórico-Práctico

Licenciatura en Ciencias Biológicas (09/2015 - 12/2015)

Grado
Asistente
Asignaturas:
Genética General, 20 horas, Teórico-Práctico

EXTENSIÓN

Participación en el Programa de Visitas de Facultad Ciencias. (09/2024 - 09/2024)

3 horas

Participación en el Programa de Visitas de Facultad Ciencias. (06/2022 - 06/2022)

3 horas

Participación como docente en pasantías tutoradas de estudiantes de Profesorado de Ciencias Biológicas del Instituto de Profesores Artigas (IPA). (03/2020 - 11/2020)

3 horas

Zambullite a la Ciencia (02/2020 - 03/2020)

Sección Genética Evolutiva 10 horas

Plataforma Malvin Norte (08/2019 - 10/2019)

Sección Genética Evolutiva 10 horas

Participación como docente coordinadora de las actividades prácticas sobre Genética del Laboratorio Móvil (LAM). LAM proyecto de las Facultades de Ciencias y Química de la UdelAR que cuenta con el patrocinio de Bayer Uruguay. (03/2017 - 12/2017)

5 horas

Participación en el Programa de Visitas de Facultad Ciencias. (05/2016 - 05/2016)

3 horas

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO

Actuación como técnico en la realización de diagnósticos de virus aviares para distintas empresas del rubro y veterinarios particulares del sector avícola. (02/2014 - a la fecha)

5 horas semanales

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Beca de Finalización CAP titulada "Caracterización genética y patogénica de las cepas del virus de la enfermedad infecciosa de la bursa circulantes en la industria avícola regional" (03/2022 - 03/2023)

30 horas semanales

Beca de Doctorado ANII titulada "Control del virus de la enfermedad infecciosa de la bursa: patogenia y protección vacunal de las cepas circulantes en la industria avícola regional" (03/2019 - 03/2021)

30 horas semanales

Beca de Maestría ANII titulada "Diagnóstico, caracterización genética y análisis evolutivo de las cepas del virus de la Anemia Infecciosa Aviar presentes en la industria avícola uruguaya" (04/2016 - 04/2018)

30 horas semanales

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 20 horas

Carga horaria de investigación: 10 horas

Carga horaria de formación RRHH: 5 horas

Carga horaria de extensión: 4 horas

Carga horaria de gestión: 1 hora

Producción científica/tecnológica

Fermo parte de un grupo de investigación en Sanidad Animal creado en 2004 en la Sección Genética Evolutiva de Facultad de Ciencias. Nuestro grupo es multidisciplinario y está conformado por investigadores de la Sección Genética Evolutiva y por veterinarios del ámbito público y privado. El principal objetivo de esta línea es el estudio genético e investigación epidemiológica de

patógenos que afectan animales domésticos y de granja mediante el desarrollo de métodos de diagnóstico y caracterización molecular. El grupo se encuentra dividido en tres subgrupos según el huésped afectado: 1. Sanidad aviar (virus de Gumboro, Bronquitis Infecciosa Aviar, Influenza Aviar, virus de la Anemia Infecciosa Aviar, virus de la enfermedad de Marek), 2. Sanidad de bovinos (Campylobacteriosis), y 3. Sanidad de pequeños animales o domésticos (Parvovirus y Distemper canino, Enfermedad Poliquistica del Riñón en gatos).

Desde el año 2013 formo parte de este grupo, donde realicé mi pasantía de grado y mi tesis de Maestría estudiando el virus de la Anemia Infecciosa Aviar. Recientemente culminé mis estudios de Doctorado trabajando con el virus de Gumboro o de la Enfermedad Infecciosa de la Bursa, en el que también participé en el desarrollo de metodologías basadas en secuenciación masiva que permiten obtener los genomas completos de estos patógenos de forma directa y económica

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Genomic characterization of infectious bursal disease virus in Argentina provides evidence of the recent transcontinental spread of Chinese genotype A2dB1b (Completo, 2024) Trabajo relevante

GONZALO TOMÁS, CLAUDIA TECHERA, ANA MARANDINO, VALERIA OLIVERA, JOAQUÍN WILLIMAN, YANINA PANZERA, RUBEN PÉREZ, ARIEL VAGNOZZI

Avian Pathology, p.:1 - 20, 2024

Lugar de publicación: United kingdom

ISSN: 03079457

E-ISSN: 14653338

DOI: [10.1080/03079457.2024.2355918](https://doi.org/10.1080/03079457.2024.2355918)

<http://dx.doi.org/10.1080/03079457.2024.2355918>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Diagnosis and genomic characterization of the largest western equine encephalitis virus outbreak in Uruguay during 2023?2024 (Completo, 2024)

GONZALO TOMÁS, ANA MARANDINO, SIRLEY RODRÍGUEZ, GABRIEL LUZ WALLAU, FILIPE ZIMMER DEZORDI, ANDRÉ LUIZ SÁ DE OLIVEIRA, CLAUDIA TECHERA, LUCÍA CALLEROS, SOFÍA GRECCO, JOAQUÍN WILLIMAN, RAMIRO PÉREZ, LUCÍA BASSETTI, RAÚL NEGRO, LUCÍA MOREIRA MARRERO, ADRIANA DELFRARO, ROBERTO VIDAL, YANINA PANZERA, RUBEN PÉREZ

npj Viruses, v.: 2 2024

E-ISSN: 29481767

DOI: [10.1038/s44298-024-00078-6](https://doi.org/10.1038/s44298-024-00078-6)

<https://doi.org/10.1038/s44298-024-00078-6>

Este trabajo recibió PREMIO ACADEMIA NACIONAL DE VETERINARIA 2025


WEB OF SCIENCE™ Scopus® 

Detection and genome characterisation of SARS-CoV-2 P.6 lineage in dogs and cats living with Uruguayan COVID-19 patients (Completo, 2023)

PANZERA, Y., MIRAZO, S., BAZ M, TECHERA C, GRECCO S., CANCELA F., Fuques E., Condon E., CALLEROS L, CAMILO N, Fregossi A, VAZ I, PESSINA P, Deshpande N, PÉREZ R, BENECH A
Memórias do Instituto Oswaldo Cruz, 2023

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 00740276

WEB OF SCIENCE™ Scopus® 

Genome Variability of Infectious Bronchitis Virus in Mexico: High Lineage Diversity and Recurrent Recombination (Completo, 2023)

ANA MARANDINO, LIZBETH MENDOZA-GONZÁLEZ, YANINA PANZERA, GONZALO TOMÁS, JOAQUÍN WILLIMAN, CLAUDIA TECHERA, AMANDA GAYOSSO-VÁZQUEZ, VIANEY RAMÍREZ-ANDONEY, ROGELIO ALONSO-MORALES, MAURICIO REALPE-QUINTERO, RUBEN PÉREZ

Viruses, v.: 15 p.:1581 2023

Lugar de publicación: Switzerland

E-ISSN: 19994915

DOI: [10.3390/v15071581](https://doi.org/10.3390/v15071581)
<https://doi.org/10.3390/v15071581>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

A multiplex-NGS approach to identifying respiratory RNA viruses during the COVID-19 pandemic (Completo, 2023)

NATALIA RAMOS , YANINA PANZERA , SANDRA FRABASILE , GONZALO TOMÁS , LUCÍA CALLEROS , ANA MARANDINO , NATALIA GOÑI , CLAUDIA TECHERA , SOFÍA GRECCO , EDDIE FUQUES , LETICIA COPPOLA , VIVIANA RAMAS , MARIA NOELIA MOREL , CRISTINA MOGDASY , HÉCTOR CHIPARELLI , JUAN ARBIZA , RUBEN PÉREZ , ADRIANA DELFRARO

Archives of Virology, v.: 168 2023

Lugar de publicación: Germany

ISSN: 03048608

E-ISSN: 14328798

DOI: [10.1007/s00705-023-05717-6](https://doi.org/10.1007/s00705-023-05717-6)

<https://doi.org/10.1007/s00705-023-05717-6>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

A rapid and affordable amplicon-based method for next-generation genome sequencing of the infectious bursal disease virus (Completo, 2023) Trabajo relevante

CLAUDIA TECHERA , GONZALO TOMÁS , SOFÍA GRECCO , JOAQUÍN WILLIMAN , MARTÍN HERNÁNDEZ , VALERIA OLIVERA , ALEJANDRO BANDA , ARIEL VAGNOZZI , YANINA PANZERA , ANA MARANDINO , RUBEN PÉREZ

Journal of Virological Methods, v.: 322 p.:114807 2023

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 01660934

DOI: [10.1016/j.jviromet.2023.114807](https://dx.doi.org/10.1016/j.jviromet.2023.114807)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.jviromet.2023.114807>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

Transmission cluster of COVID-19 cases from Uruguay: emergence and spreading of a novel SARS-CoV-2 ORF6 deletion (Completo, 2022)

YANINA PANZERA , NATALIA RAMOS , LUCÍA CALLEROS , ANA MARANDINO , GONZALO TOMÁS , CLAUDIA TECHERA , SOFÍA GRECCO , SANDRA FRABASILE , EDDIE FUQUES , LETICIA COPPOLA , NATALIA GOÑI , VIVIANA RAMAS , CECILIA SORHOUEZ , VICTORIA BORMIDA , ANALÍA BURGUEÑO , MARÍA BRASESCO , MARIA ROSA GARLAND , SYLVIA MOLINARI , MARIA TERESA PEREZ , ROSINA SOMMA , SILVANA SOMMA , MARIA NOELIA MOREL , CRISTINA MOGDASY , HÉCTOR CHIPARELLI , JUAN ARBIZA , ADRIANA DELFRARO , RUBEN PÉREZ

Memorias Do Instituto Oswaldo Cruz, v.: 116 2022

Lugar de publicación: Brazil

E-ISSN: 16788060

DOI: [10.1590/0074-02760210275](https://dx.doi.org/10.1590/0074-02760210275)

<http://dx.doi.org/10.1590/0074-02760210275>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

Origin of New Lineages by Recombination and Mutation in Avian Infectious Bronchitis Virus from South America (Completo, 2022)

ANA MARANDINO , ARIEL VAGNOZZI , GONZALO TOMÁS , CLAUDIA TECHERA , ROCÍO GEREZ , MARTÍN HERNÁNDEZ , JOAQUÍN WILLIMAN , MAURICIO REALPE , GONZALO GREIF , YANINA PANZERA , RUBEN PÉREZ

Viruses, v.: 14 p.:2095 2022

Lugar de publicación: Switzerland

E-ISSN: 19994915

DOI: [10.3390/v14102095](https://doi.org/10.3390/v14102095)

<http://dx.doi.org/10.3390/v14102095>

WEB OF SCIENCE™  Scopus

Research Note: High genetic diversity of infectious bronchitis virus from Mexico (Completo, 2022)

LIZBETH MENDOZA-GONZÁLEZ , ANA MARANDINO , YANINA PANZERA , GONZALO TOMÁS , JOAQUÍN WILLIMAN , CLAUDIA TECHERA , AMANDA GAYOSSO-VÁZQUEZ , VIANEY RAMÍREZ-ANDONEY , ROGELIO ALONSO-MORALES , MAURICIO REALPE-QUINTERO ,

RUBEN PÉREZ
Poultry Science, v.: 101 p.:102076 2022
Lugar de publicación: United kingdom
ISSN: 00325791
E-ISSN: 15253171
DOI: [10.1016/j.psj.2022.102076](https://doi.org/10.1016/j.psj.2022.102076)
<http://dx.doi.org/10.1016/j.psj.2022.102076>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Origin and spreading of canine morbillivirus in South America (Completo, 2022)

E. FUQUES, G. TOMÁS, S. GRECCO, E. CONDON, C. TECHERA, A. MARANDINO, N. SARUTE, J. ALDAZ, J. ENCISO, A. BENECH, R. PÉREZ, Y. PANZERA
Virus Research, v.: 319 p.:198858 2022
Lugar de publicación: Netherlands
ISSN: 01681702
DOI: [10.1016/j.virusres.2022.198858](https://doi.org/10.1016/j.virusres.2022.198858)
<http://dx.doi.org/10.1016/j.virusres.2022.198858>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Emergence and spreading of the largest SARS-CoV-2 deletion in the Delta AY.20 lineage from Uruguay (Completo, 2022)

YANINA PANZERA, MARÍA NOEL CORTINAS, ANA MARANDINO, LUCÍA CALLEROS, VICTORIA BORMIDA, NATALIA GOÑI, CLAUDIA TECHERA, SOFÍA GRECCO, JOAQUÍN WILLIMAN, VIVIANA RAMAS, LETICIA COPPOLA, CRISTINA MOGDASY, HÉCTOR CHIPARELLI, RUBEN PÉREZ
Gene Reports, v.: 29 p.:101703 2022
ISSN: 24520144
DOI: [10.1016/j.genrep.2022.101703](https://doi.org/10.1016/j.genrep.2022.101703)
<http://dx.doi.org/10.1016/j.genrep.2022.101703>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Consecutive deletions in a unique Uruguayan SARS-CoV-2 lineage evidence the genetic variability potential of accessory genes (Completo, 2022)

PANZERA, Y., CALLEROS L, GOÑI N, MARANDINO A, TECHERA C, GRECCO S., RAMOS, N., FRABASILE S, TOMÁS, G, Condon E., Cortinas, M.N., Ramos V, COPPOLA L, SORHOUE T C, MOGDASY C, ARBIZA, J., DELFRARO A., PÉREZ R
PLoS ONE, 2022
E-ISSN: 19326203
DOI: [10.1371/journal.pone.0263563](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0263563)
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

A deletion in SARS-CoV-2 ORF7 identified in COVID-19 outbreak in Uruguay (Completo, 2021)

PANZERA, Y., RAMOS, N., FRABASILE S, CALLEROS L, MARANDINO A, TOMÁS, G, TECHERA C, GRECCO S., Fuques E., GOÑI N, RAMAS V, COPPOLA L, CHIPARELLI, SORHOUE T C, MOGDASY C, ARBIZA J, DELFRARO A., PÉREZ R
Transboundary and Emerging Diseases, 2021
Medio de divulgación: Internet
ISSN: 18651674
E-ISSN: 18651682
DOI: [10.1111/tbed.14002](https://doi.org/10.1111/tbed.14002)
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Evaluation of the Efficiency of Commercial Vaccines Against Infectious Bronchitis Virus (IBV) Belonging to the GI-16 Lineage Isolated in an Argentinean Outbreak (Completo, 2021)

ROCIO GEREZ, ANA MARANDINO, GONZALO TOMAS, VALERIA OLIVERA, SILVINA PINTO, MARIA ISABEL CRAIG, CLAUDIA TECHERA, RUBEN PEREZ, ARIEL VAGNOZZI
Avian Diseases, v.: 65 2021
Lugar de publicación: United states
ISSN: 00052086
E-ISSN: 19384351
DOI: [10.1637/0005-2086-65.3.456](https://doi.org/10.1637/0005-2086-65.3.456)
<https://doi.org/10.1637/0005-2086-65.3.456>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Origin, spreading and genetic variability of chicken anaemia virus (Completo, 2021) Trabajo relevante

CLAUDIA TECHERA, ANA MARANDINO, GONZALO TOMÁS, SOFÍA GRECCO, MARTÍN HERNÁNDEZ, DIEGO HERNÁNDEZ, YANINA PANZERA, RUBEN PÉREZ

Avian Pathology, v.: 50 p.:311 - 320, 2021

Lugar de publicación: United kingdom

ISSN: 03079457

E-ISSN: 14653338

DOI: [10.1080/03079457.2021.1919289](https://doi.org/10.1080/03079457.2021.1919289)

<http://dx.doi.org/10.1080/03079457.2021.1919289>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Origin and global spreading of an ancestral lineage of the infectious bursal disease virus (Completo, 2020)

TOMÁS, G, MARANDINO A, TECHERA C, OLIVERA V, PERBOLIANACHIS, P, Fuques E., GRECCO S., HERNÁNDEZ M, HERNÁNDEZ D, CALLEROS L, CRAIG MI, PANZERA, Y., VAGNOZZI A, PÉREZ R

Transboundary and Emerging Diseases, 2020

Medio de divulgación: Otros

ISSN: 18651674

E-ISSN: 18651682

DOI: [10.1111/tbed.13453](https://doi.org/10.1111/tbed.13453)

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Genetic and antigenic heterogeneity of infectious bronchitis virus in South America: implications for control programmes (Completo, 2019)

MARANDINO A, Vagnozzi A, CRAIG MI, TOMÁS, G, TECHERA C, PANZERA, Y., VERA F, PÉREZ R

Avian Pathology, 2019

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Otros

ISSN: 03079457

E-ISSN: 14653338

DOI: [10.1080/03079457.2019.1583315](https://doi.org/10.1080/03079457.2019.1583315)

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Development of real-time PCR assays for single and simultaneous detection of infectious bursal disease virus and chicken anemia virus (Completo, 2019) Trabajo relevante

TECHERA C, TOMÁS, G, Banda A, PERBOLIANACHIS, P, PÉREZ R, MARANDINO A

Molecular and Cellular Probes, 2019

ISSN: 08908508

E-ISSN: 10961194

DOI: [10.1016/j.mcp.2018.11.004](https://doi.org/10.1016/j.mcp.2018.11.004)

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Development of a RT-qPCR assay for the specific detection of a distinct and widespread genetic lineage of the infectious bursal disease virus (Completo, 2017)

TOMÁS, G, HERNÁNDEZ M, MARANDINO A, TECHERA C, GRECCO S., HERNÁNDEZ D, BANDA A, PANZERA, Y., PÉREZ R

Avian Pathology, 2017

ISSN: 03079457

E-ISSN: 14653338

DOI: [10.1080/03079457.2016.1228827](https://doi.org/10.1080/03079457.2016.1228827)

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Whole-genome characterization of Uruguayan strains of avian infectious bronchitis virus reveals extensive recombination between the two major South American lineages (Completo, 2017)

MARANDINO A, TOMÁS, G, PANZERA, Y., GREIF G, PARODI-TALICE A, HERNÁNDEZ M, TECHERA C, HERNÁNDEZ D, PÉREZ R

Infection Genetics and Evolution, 2017

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 15671348

Development of RT-qPCR assays for the specific identification of two major genotypes of avian infectious bronchitis virus". (Completo, 2016)

MARANDINO A , TOMÁS, G , HERNÁNDEZ M , PANZERA, Y. , CRAIG MI , VAGNOZZI A , VERA F , TECHERA C , GRECCO S. , BANDA A , HERNÁNDEZ D , PÉREZ R

Journal of Virological Methods, 2016

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01660934

DOI: [10.1016/j.jviromet.2016.05.007](https://doi.org/10.1016/j.jviromet.2016.05.007)

NO ARBITRADOS

Genome Sequences of SARS-CoV-2 P.1 (Variant of Concern) and P.2 (Variant of Interest) Identified in Uruguay (Completo, 2021)

PANZERA, Y., GOÑI N , CALLEROS L , RAMOS, N., FRABASILE S , MARANDINO A , TOMÁS, G , TECHERA C , GRECCO S. , Fuques E. , RAMAS V , COPPOLA L , FLIELLER MR , MOREL N , CORTINAS MN , MOGDASY C , ARBIZA J , DELFRARO A. , PÉREZ R , CHIPARELLI H

Microbiology resource announcement, 2021

Medio de divulgación: Internet

ISSN: 0100 820

DOI: [10.1128/MRA.00410-21](https://doi.org/10.1128/MRA.00410-21)

Genome Sequence of a distinct Infectious Bursal Disease Virus (Completo, 2015)

TOMÁS G , HERNÁNDEZ M , MARANDINO A , HERNÁNDEZ D , TECHERA C , GRECCO S , PANZERA Y , PÉREZ R

Genome Announcements, 2015

Medio de divulgación: Papel

E-ISSN: 21698287

DOI: [10.1128/genomeA.01061-15](https://doi.org/10.1128/genomeA.01061-15)

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

A rapid and cost-effective amplicon-based method for next-generation sequencing of the complete genome of Chicken Anemia Virus (2024)

TECHERA C , TOMÁS, G , MARANDINO A , PANZERA, Y. , Joaquin Williman , HERNANDEZ M , VAGNOZZI A , PÉREZ R

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XXVIII Congreso Latinoamericano de Avicultura

Ciudad: Punta del Este

Año del evento: 2024

Medio de divulgación: Otros

Genetic Characterization of Argentine Infectious Bursal Disease Virus Strains (2023)

TOMÁS, G , TECHERA C , OLIVERA V , MARANDINO A , Joaquin Williman , PÉREZ R , VAGNOZZI A

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: AAAP

Ciudad: Jacksonville, Florida, USA

Año del evento: 2023

Medio de divulgación: Otros

A rapid and cost-effective amplicon-based method for next-generation genome sequencing of the infectious bursal disease virus (2023)

TECHERA C , Tomas G , Marandino A , Panzera Y , Williman J , Hernandez M , Hernandez D , Vagnozzi A , Perez R

Publicado
Resumen
Descripción: AAAP
Ciudad: Jacksonville Florida USA
Año del evento: 2023
Medio de divulgación: Otros

Origin of new linages by recombination and mutation in avian infectious bronchitis virus from South America. (2022)

Marandino A , Tomas G , TECHERA C , Panzera Y , Pérez R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 10th International Symposium on Avian Viral Respiratory Diseases
Ciudad: Utrecht
Año del evento: 2022
Medio de divulgación: Otros

Genomic changes of South American IBV strains after serial passages in chicken embryos (2022)

TOMÁS, G, MARANDINO A, TECHERA C, PANZERA, Y., PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: 10th International Symposium on Avian Viral Respiratory Diseases
Ciudad: Utrecht, Netherland
Año del evento: 2022

Análisis del viroma presente en aves de corral en Uruguay (2019)

Fuques E. , MARANDINO A, TOMÁS, G, TECHERA C , PANZERA, Y.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Latinoamericano de Genética
Ciudad: Mendoza
Año del evento: 2019
Medio de divulgación: Otros

Estandarización de Múltiplex-PCR acoplada a secuenciación masiva para el diagnóstico y caracterización genética de patógenos virales que afectan la avicultura. (2019)

PERBOLIANACHIS, P , MARANDINO A , TECHERA C , TOMÁS, G , PANZERA, Y., PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Latinoamericano de Genética 2019
Ciudad: Mendoza- Argentina
Año del evento: 2019
Medio de divulgación: Otros

Evolutionary history of the distinct infectious bursal disease virus (2018)

TOMÁS, G, MARANDINO A, TECHERA C, PANZERA, Y., VAGNOZZI A, PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Internacional de Genética
Año del evento: 2018
Medio de divulgación: Otros

Viral enrichment procedures for metagenomic analysis of poultry samples (2018)

Fuques E. , MARANDINO A, TOMÁS, G, TECHERA C , PÉREZ R , PANZERA, Y.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Internacional de Genética

Año del evento: 2018
Medio de divulgación: Otros

Genetic and antigenic characterization of South American strains of avian infectious bronchitis virus (2018)

MARANDINO A , VAGNOZZI A , TOMÁS, G , TECHERA C , PANZERA, Y. , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Internacional de Genética
Ciudad: Foz do Iguazu
Año del evento: 2018
Medio de divulgación: Otros

Epidemiología molecular de patógenos que afectan la avicultura industrial (2018)

MARANDINO A , TOMÁS, G , PANZERA, Y. , HERNÁNDEZ M , HERNÁNDEZ D , TECHERA C ,
MILANO A , GRECCO S. , Fuques E. , BARCELLOS M , CALLEROS L , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: Congreso AUPA
Ciudad: Tacuarembó
Año del evento: 2018
Medio de divulgación: Otros

Evolución genómica del virus de la bronquitis infecciosa aviar en Sudamérica (2017)

MARANDINO A , TOMÁS, G , PANZERA, Y. , TECHERA C , HERNÁNDEZ M , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Latinoamericano de Avicultura
Ciudad: México
Año del evento: 2017
Medio de divulgación: Otros

Desarrollo y validación de un ensayo PCR Multiplex en tiempo real para la detección simultánea del virus de la anemia infecciosa aviar y el virus de Gumboro (2017)

TECHERA C , MARANDINO A , TOMÁS, G , HERNÁNDEZ M , HERNÁNDEZ D , PANZERA, Y. ,
PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Argentino de Virología
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2017
Medio de divulgación: Otros

Caracterización genética del virus de la Anemia Infecciosa Aviar en Uruguay (2016)

TECHERA C , MARANDINO A , TOMÁS, G , HERNÁNDEZ M , HERNÁNDEZ D , PANZERA, Y. ,
PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Congreso Latinoamericano de Genética (ALAG)
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2016
Medio de divulgación: Otros

Caracterización genética de las cepas del virus de la Anemia Infecciosa Aviar circulantes en Uruguay (2015)

TECHERA C , MARANDINO A , TOMÁS, G , HERNÁNDEZ M , HERNÁNDEZ D , PANZERA, Y. ,
PÉREZ R
Publicado

Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XI Encuentro Nacional de Microbiólogos
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2015
Medio de divulgación: Papel

Análisis filodinámico del virus de la bronquitis infecciosa aviar en la industria avícola sudamericana: dos genotipos predominantes con diferente origen (2015)

MARANDINO A , TOMÁS, G , IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M , HERNÁNDEZ D , TECHERA C , GRECCO S. , PANZERA, Y. , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXIV Congreso Latinoamericano de Avicultura
Ciudad: Ecuador
Año del evento: 2015

Desarrollo de un ensayo de PCR en tiempo real para la detección de un linaje distinto de IBDV (dIBDV) (2015)

TOMÁS, G , HERNÁNDEZ M , MARANDINO A , HERNÁNDEZ D , PANZERA, Y. , TECHERA C , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XXIV Congreso Latinoamericano de Avicultura
Ciudad: Ecuador
Año del evento: 2015
Medio de divulgación: Otros

Análisis filodinámico del virus de la bronquitis infecciosa aviar en la industria avícola regional: dos genotipos predominantes con diferente origen (2014)

MARANDINO A , TOMÁS, G , IRAOLA G. , HERNÁNDEZ M , HERNÁNDEZ D , TECHERA C , PANZERA, Y. , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Piriápolis
Año del evento: 2014
Medio de divulgación: Otros

Desarrollo de un ensayo de PCR en tiempo real para la diferenciación del genotipo del virus de Gumboro predominante en Uruguay (2014)

TOMÁS, G , HERNÁNDEZ M , MARANDINO A , HERNÁNDEZ D , PANZERA, Y. , TECHERA C , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Piriápolis
Año del evento: 2014
Medio de divulgación: Otros

Diagnóstico y caracterización genética del virus de la anemia infecciosa aviar en la industria avícola uruguaya (2014)

TECHERA C , MARANDINO A , TOMÁS, G , HERNÁNDEZ M , HERNÁNDEZ D , PANZERA, Y. , PÉREZ R
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2014
Medio de divulgación: Otros

TEXTOS EN PERIÓDICOS O REVISTAS

Análisis filodinámico del virus de la bronquitis infecciosa aviar en la industria avícola sudamericana: dos genotipos predominantes con diferente origen (2015)

Engormix
Revista

MARANDINO A , TOMÁS, G , IRAOLA G. , TECHERA C , PANZERA, Y. , PÉREZ R

Medio de divulgación: Internet
<http://www.engormix.com/MA-avicultura/sanidad/articulos/analisis-filodinamico-virus-bronquitis-t7630>

Desarrollo de un ensayo de PCR en tiempo real para la detección de un linaje distinto de IBDV (dIBDV) (2015)

Engormix
Revista

TOMÁS, G , HERNANDEZ M , MARANDINO A , HERNANDEZ D , TECHERA C , PANZERA, Y. , PÉREZ R

Medio de divulgación: Internet
<https://www.engormix.com/avicultura/articulos/desarrollo-ensayo-pcr-tiempo-t32760.htm>

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

Archives of Virology. (2025)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Macedonian Veterinary Review. (2019)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

GRADO

Caracterización genómica de cepas sudamericanas del virus de la bronquitis infecciosa aviar (2019 - 2022)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sección Genética Evolutiva , Uruguay
Programa: Lic. Ciencias Biológicas
Tipo de orientación: Cotutor (TECHERA C)
Nombre del orientado: Joaquín Williman
País: Uruguay

Otros datos relevantes

PRESENTACIONES EN EVENTOS

III Encuentro Uruguayo de Virología (2025)

Encuentro

Título de la charla "Multiplex PCR-NGS: herramienta para la vigilancia genómica de virus inmunosupresores aviares"

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Alcance geográfico: Regional

II Congreso Nacional de Biociencias (2019)

Congreso

Título de la charla "Origen, dispersión y variabilidad genética del virus de la Anemia Infecciosa Aviar"

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Alcance geográfico: Internacional

XXXVI Reunión Científica Anual de la Sociedad Argentina de Virología (2016)

Congreso

Título de la charla "Virus de la Anemia Infecciosa Aviar en Uruguay: caracterización genética de las cepas circulantes"

Argentina

Tipo de participación: Expositor oral

Alcance geográfico: Regional

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

Mi trabajo ha contribuido al fortalecimiento institucional de la Facultad de Ciencias y de organismos nacionales mediante el desarrollo de capacidades en investigación, diagnóstico y caracterización genómica de virus de relevancia sanitaria. He centrado mi actividad científica en el estudio de virus inmunodepresores aviares, un área clave para la sanidad y la competitividad del sector avícola. Este trabajo ha generado conocimiento original sobre la variabilidad genética y la evolución de estos agentes, con resultados publicados en revistas de alto impacto internacional.

También he participado activamente en líneas de investigación vinculadas a virus emergentes y de impacto en salud pública. En el marco de un proyecto conjunto con el Departamento de Laboratorios de Salud Pública (DLSP) del MSP, participé en la secuenciación de los genomas de SARS-CoV-2 y otros virus respiratorios, contribuyendo a la vigilancia genómica durante la pandemia. Además, desde 2021 mantenemos una colaboración estrecha con la División de Laboratorios Veterinarios del MGAP, inicialmente en respuesta a los brotes de influenza aviar H5N1 y de encefalitis equina del oeste. Actualmente trabajamos en conjunto para fortalecer las capacidades diagnósticas y la caracterización de patógenos en el ámbito de la avicultura, apoyando el desarrollo técnico y analítico del país.

Información adicional

2021: ganancia de concurso de oposición y méritos para la obtención de un cargo de Asistente de la Sección Genética Evolutiva, Facultad de Ciencias. Cargo asumido el 19/07/2021

Indicadores de producción

ACTIVIDADES	40
Líneas de investigación	1
Proyectos Investigación Desarrollo	13
Docencia	15
Extensión	7
Servicio Técnico Especializado	1
Otra Actividad Técnica	3
PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	45
Artículos publicados en revistas científicas	23

Completo	23
Trabajos en eventos	20
Textos en periódicos	2
Revistas	2
EVALUACIONES	2
Evaluación de publicaciones	2
FORMACIÓN RRHH	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	1
Tesis/Monografía de grado	1